

สำนักหอสมุดกลาง พระจอมเกล้าลาดกระบัง

การตรวจสอบลักษณะของเชื้อเอกติโนมัยซิสที่คัดแยกจากป่าชายเลน



นายวิวัฒน์ หันบุญญัตติ
นายเอกภพ สกฤตกิจกาญจน์

รฟ.
๗๖๔๒๗
๒๕๕๙

เลขามู.....
เลขทะเบียน..... 72615
วัน,เดือน,ปี 20 ส.ย. 2550

117700A1
.b.....
.i.....

โครงการพิเศษนี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตาม หลักสูตรวิทยาศาสตรบัณฑิต
ภาควิชาชีววิทยาประยุกต์
คณะวิทยาศาสตร์
สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง
ปีการศึกษา 2549

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Characteritization of Actinomycetes isolated from mangrove forest soils



A Special Project Submitted in Partial Fulfillment of the Requirement for the Degree

of Bachelor of Science

Department of Applied Biology

Faculty of Science

King Mongkut's Institute of Technology Ladkrabang

Academic Year 2006

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

โครงการเรื่อง การตรวจสอบลักษณะของเชื้อแอคติโนมัยซีสที่คัดแยกจากป่าชายเลน
นักศึกษา นายวิวัฒน์ หันบุญญิติ รหัสนักศึกษา 46050143
 นายเอกภพ สกฤตกิจกาญจน์ รหัสนักศึกษา 46050161
ภาควิชา ชีววิทยาประยุกต์
สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ
อาจารย์ที่ปรึกษา คร.จิตติ ท่าไวย

ภาควิชาชีววิทยาประยุกต์ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง
 อนุมัติให้โครงการพิเศษนี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรวิทยาศาสตรบัณฑิต

คณะกรรมการตรวจสอบ		ลายมือชื่อ
ประธานกรรมการ	ผศ.วีณา ชุติ	
กรรมการ	คร. จิตติ ท่าไวย	
กรรมการ	อ.คณิงกานต์ กลั่นบุศย์	

.....
 (รศ.ดร. นवलพรรณ ณ ระนอง)
 หัวหน้าภาควิชาชีววิทยาประยุกต์

ลิขสิทธิ์ของภาควิชาชีววิทยาประยุกต์ คณะวิทยาศาสตร์
 สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
 ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

โครงการพิเศษเรื่อง	การตรวจสอบลักษณะของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ที่คัดแยกจากป่าชายเลน
นักศึกษา	นายวิวัฒน์ หันบุญญิต นายเอกภพ สกฤตกิจกาญจน์
ภาควิชา	ชีววิทยาประยุกต์
สาขาวิชา	เทคโนโลยีชีวภาพ
ปีการศึกษา	2549
อาจารย์ที่ปรึกษา	ดร.จิตติ ท้าว

บทคัดย่อ

เชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ 25 ไอโซเลต ซึ่งแยกได้จากดินป่าชายเลนในจังหวัดพัทลุง ชุมพร กระบี่ ภูเก็ต ระนอง ตรัง ประเทศไทย ถูกนำมาศึกษาฤทธิ์การยับยั้งเชื้อจุลินทรีย์เบื้องต้น พบว่ามี 14 ไอโซเลตที่สามารถสร้างสารทุติยภูมิซึ่งมีฤทธิ์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบ ได้แก่ *Bacillus subtilis* ATCC 6633, *Micrococcus luteus* ATCC 9341, *Staphylococcus aureus* ATCC 25923, *Escherichia coli* ATCC 25922, *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853 และ *Candida albicans* ATCC 10231 เชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ทั้ง 25 ไอโซเลต สามารถจัดกลุ่มได้ 12 กลุ่ม โดยอาศัยลักษณะทางสัณฐานวิทยาและการเจริญ ได้ทำการเลือกเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์มา 6 ไอโซเลต คือ CH3-339, PK3-1, PK3-92, PK3-117, RN1-7 และ RN3-4 ไปทำการวิเคราะห์หาลำดับนิวคลีโอไทด์ในบริเวณ 16S rRNA gene ผลที่ได้แสดงให้เห็นว่าเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Micromonospora endolithica* DSM 44398^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 97.5 ไอโซเลต PK3-117 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Agromyces mediolanus* DSM 20152^T และ *Agromyces aurantiacus* DSM 14598^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 97.4 ไอโซเลต PK3-92 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Actinomadura mexicana* DSM 44485^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 99.2 ไอโซเลต RN3-4 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces parvulus* DSM 40048^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 99.7 ไอโซเลต RN1-7 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces rubrogriseus* DSM 41477^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 98.8 ไอโซเลต PK4-1มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces albus* subsp. *albus* DSM 40313^Tมากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 97.4

Special Project Title	Characterization of Actinomycetes isolated from mangrove forest soils
Name	Vipat Hanbanyat Ekaphop Sakunkijkan
Department	Applied biology
Program	Biotechnology
Academic Year	2006
Special Project Advisor	Dr. Chitti Thawai

Absract

Twenty-five actinomycete strains were isolated from mangrove forest soils collected in Phatthalung, Chumphon, Krabi, Phuket, Ranong and Trang provinces of Thailand. The preliminary test for antimicrobial activities revealed that fourteen actinomycete stains produced the secondary metabolites that inhibited the growth of tested microorganisms, *Bacillus subtilis* ATCC 6633, *Micrococcus luteus* ATCC 9341, *Staphylococcus aureus* ATCC 25923, *Escherichia coli* ATCC 25922, *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853 and *Candida albicans* ATCC 10231. Twenty-five actinomycete strains could be divided to twelve groups using the morphological and cultural characteristics and six actinomycete stains, CH3-339, PK3-1, PK3-92, PK3-117, RN1-7 and RN3-4, were selected for 16S rRNA gene sequence analyses. The results showed that The isolate CH3-339 formed a clade with *Micromonospora endolithica* DSM 44398^T at similarity percentage of 97.5, The isolate PK3-117 formed a clade with *Agromyces mediolanus* DSM 20152^T and *Agromyces aurantiacus* DSM 14598^T at similarity percentage of 97.4, The isolate PK3-92 formed a clade with *Actinomadura mexicana* DSM 44485^T at similarity percentage of 97.5, Isolates RN3-4, RN1-7 and PK4-1 formed a clade with *Streptomyces parvulus* DSM 40048^T, *Streptomyces rubrogriseus* DSM41477^T and *Streptomyces albus* subsp. *albus* DSM 40313^T at similarity percentage of 99.7, 98.8 and 97.4, respectively.

กิติกรรมประกาศ

ขอขอบพระคุณท่านอาจารย์ ดร.จิตติ ท่าไว อาจารย์ที่ปรึกษาโครงการพิเศษเป็นอย่างสูงที่
ให้คำปรึกษาตลอดการดำเนินงาน ตลอดจนตรวจทานแก้ไขรูปแบบโครงการพิเศษนี้ให้ดูสว่างไปได้
ด้วยดี

ขอขอบพระคุณท่านอาจารย์ ผศ.วีณา ชูโชติ ประธานกรรมการและอาจารย์คณิศร
กลิ่นบุศย์ กรรมการ ที่ได้ให้ความรู้ คำแนะนำ ข้อเสนอแนะ ตลอดจนกรุณาใช้เวลาตรวจทานและ
พิจารณาโครงการพิเศษนี้

ขอขอบพระคุณคณาจารย์ทุกท่านที่ได้ประสิทธิ์ประสาทวิชาความรู้ตลอดจนอบรมสั่งสอน
ให้คำปรึกษาแนะนำตลอดการศึกษา รวมทั้งเจ้าหน้าที่ห้องปฏิบัติการ เจ้าหน้าที่ห้องธุรการทุกท่าน
ตลอดจนเจ้าหน้าที่ห้องสมุดที่ให้โอกาสในการค้นคว้าหาข้อมูลต่างๆ

ขอขอบคุณพี่ๆ ปรียญาโท เพื่อนๆ ตลอดจนน้องๆ ที่ให้ความช่วยเหลือในขณะปฏิบัติการ
ทำโครงการพิเศษนี้

ขอขอบพระคุณบิดา มารดา และผู้มีอุปการคุณทุกท่านเป็นอย่างสูงที่กรุณาอบรมสั่งสอน
ให้เป็นคนดีและอุปการะผู้จัดทำให้ศึกษาจนสำเร็จได้ด้วยดี

นายวิวัฒน์ หันบุญญ์ติ

นายเอกภพ สฤตกิจกาญจน์

สารบัญ

	หน้า
บทที่ 1 บทนำ	
1.1 ความเป็นมาของโครงการพิเศษ	1
1.2 วัตถุประสงค์ของโครงการพิเศษ	2
1.3 ขอบเขตของโครงการพิเศษ	2
1.4 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ	2
1.5 ขั้นตอนในการดำเนินงาน	2
บทที่ 2 ทฤษฎีและหลักการ	
2.1 แอคติโนมัยซีทส์	4
2.2 ลักษณะของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์	4
2.3 การคัดแยกเชื้อแอคติโนมัยซีทส์จากดิน	11
2.4 การแยกเชื้อแอคติโนมัยซีทส์จากตัวอย่างดิน	13
2.5 การจัดจำแนกเชื้อแอคติโนมัยซีทส์	14
2.6 ชนิดของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่สำคัญ	15
2.7 ประโยชน์ของเชื้อในกลุ่มแอคติโนมัยซีทส์	17
บทที่ 3 อุปกรณ์และวิธีการ	
3.1 อุปกรณ์	21
3.2 วิธีการทดลอง	21
บทที่ 4 ผลการวิจัย	
4.1 ผลการแยกและการคัดเลือกเชื้อแอคติโนมัยซีทส์จากดิน	27
4.2 ผลการศึกษาฤทธิ์การยับยั้งจุลินทรีย์ทดสอบ	27
4.3 ลักษณะทางฟิสิกส์ของเชื้อที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพ	29
4.4 ผลการวิเคราะห์ลำดับเบสบนสายดีเอ็นเอในช่วง 16S rRNA และการวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ	67
บทที่ 5 สรุปผลและวิจารณ์ผลการทดลอง	80
เอกสารอ้างอิง	82
ภาคผนวก	84

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
ตารางที่ 1 ชนิดของเชื้อแอสโคไมซีตที่สำคัญ	15
ตารางที่ 2 เชื้อแอสโคไมซีตที่สร้างสารปฏิชีวนะ	18
ตารางที่ 3 เชื้อแอสโคไมซีตที่สร้างเอนไซม์	19
ตารางที่ 4 เชื้อแอสโคไมซีตที่ก่อโรค	20
ตารางที่ 5 รหัสเชื้อเชื้อแอสโคไมซีตที่คัดแยกได้และแหล่งที่เก็บตัวอย่าง	27
ตารางที่ 6 ฤทธิ์การยับยั้งการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์ทดสอบ	28
ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและสัณฐานวิทยาของเชื้อแอสโคไมซีต บนอาหารแข็งชนิดต่างๆ	29
ตารางที่ 8 ลักษณะทางสรีระวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอสโคไมซีต	64
ตารางที่ 9 การใช้แหล่งคาร์บอนของเชื้อแอสโคไมซีต	66
ตารางที่ 10 ตารางแสดงค่า similarity ของเชื้อ ไอโซเลต CH3-339 เทียบกับเชื้อ Micromonospora สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด	68
ตารางที่ 11 ตารางแสดงค่า similarity ของเชื้อ ไอโซเลต PK3-117 เทียบกับเชื้อ Agromyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด	70
ตารางที่ 12 ตารางแสดงค่า similarity ของเชื้อ ไอโซ PK3-92 เทียบกับเชื้อ Actinomadura สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด	72
ตารางที่ 13 ตารางแสดงค่า similarity ของเชื้อ ไอโซเลต RN3-4 เทียบกับเชื้อ Streptomyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด	74
ตารางที่ 14 ตารางแสดงค่า similarity ของเชื้อ ไอโซเลต RN1-7 เทียบกับเชื้อ Streptomyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด	76
ตารางที่ 15 ตารางแสดงค่า similarity ของเชื้อ ไอโซเลต PK4-1 เทียบกับเชื้อ Streptomyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด	78

สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
รูปที่ 1 เส้นใยของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์	5
รูปที่ 2 การเจริญของเส้นใยของ <i>streptomyces</i>	6
รูปที่ 3 ลักษณะโคโลนีของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์	7
รูปที่ 4 ลักษณะของก้านชูสปอร์ (sporophore) และถุงหุ้มสปอร์ (sporangiophores)	8
รูปที่ 5 ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของสปอร์	9
รูปที่ 6 ลักษณะของสปอร์แบบเดี่ยว(single spore) และสปอร์แบบโซ่สั้น (short chains)	10
รูปที่ 7 ลักษณะของสปอร์สายโซ่ยาว (long chain)	11
รูปที่ 8 ลักษณะการสร้างสปอร์ภายในถุงห่อหุ้ม (sporangia)	12
รูปที่ 9 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP3-13	38
รูปที่ 10 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP3-13	39
รูปที่ 11 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP3-13	39
รูปที่ 12 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-16	39
รูปที่ 13 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-16	40
รูปที่ 14 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-16	40
รูปที่ 15 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-91	40
รูปที่ 16 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-91	41
รูปที่ 17 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-91	41
รูปที่ 18 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK5-212	41
รูปที่ 19 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK5-212	42
รูปที่ 20 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK5-212	42
รูปที่ 21 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-1	42
รูปที่ 22 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-1	43
รูปที่ 23 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-1	43
รูปที่ 24 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-33	44
รูปที่ 25 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-33	44
รูปที่ 26 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-33	44

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า
รูปที่ 27 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต KB3-40	45
รูปที่ 28 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต KB3-40	45
รูปที่ 29 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต KB3-40	45
รูปที่ 30 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK1-79	46
รูปที่ 31 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK1-79	46
รูปที่ 32 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK1-79	46
รูปที่ 33 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK2-71	47
รูปที่ 34 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK2-71	47
รูปที่ 35 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK2-71	47
รูปที่ 36 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK4-1	48
รูปที่ 37 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK4-1	48
รูปที่ 38 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต PK4-1	48
รูปที่ 39 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN3-114	49
รูปที่ 40 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN3-114	49
รูปที่ 41 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN3-114	49
รูปที่ 42 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN3-4	50
รูปที่ 43 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN3-4	50
รูปที่ 44 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN3-4	50
รูปที่ 45 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN1-7	51
รูปที่ 46 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN1-7	51
รูปที่ 47 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต RN1-7	51
รูปที่ 48 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต TR2-2	52
รูปที่ 49 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต TR2-2	52
รูปที่ 50 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต TR2-2	52
รูปที่ 51 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต CH4-414	53
รูปที่ 52 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต CH4-414	53
รูปที่ 53 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต CH4-414	53
รูปที่ 54 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์ไอโซเลต CP2-3	54

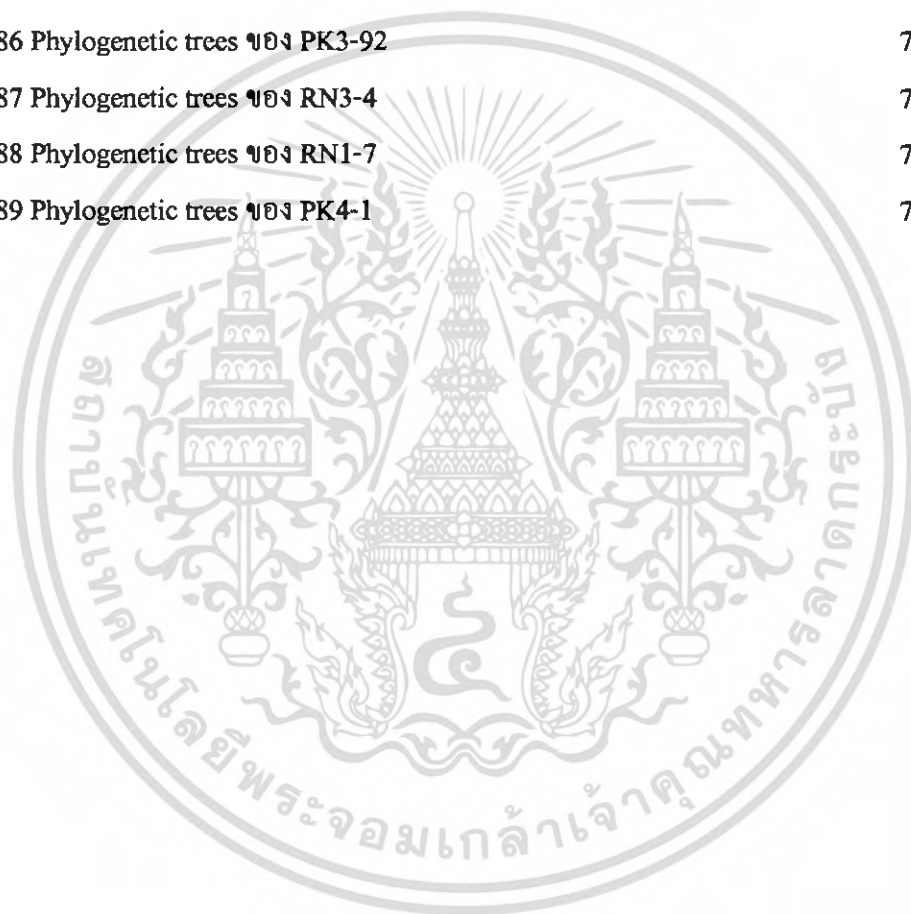
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า
รูปที่ 55 เส้นใยอาหารของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-3	54
รูปที่ 56 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-3	54
รูปที่ 57 เส้นใยอากาศของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-3	55
รูปที่ 58 เส้นใยอาหารของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-3	55
รูปที่ 59 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-3	55
รูปที่ 60 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339	56
รูปที่ 61 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339	56
รูปที่ 62 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339	56
รูปที่ 63 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-35	57
รูปที่ 64 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-35	57
รูปที่ 65 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-35	57
รูปที่ 66 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92	58
รูปที่ 67 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92	58
รูปที่ 68 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92	58
รูปที่ 69 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-712	59
รูปที่ 70 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-712	59
รูปที่ 71 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-712	59
รูปที่ 72 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-117	60
รูปที่ 73 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-117	60
รูปที่ 74 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-117	60
รูปที่ 75 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-343	61
รูปที่ 76 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-343	61
รูปที่ 77 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-343	61
รูปที่ 78 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-5	62
รูปที่ 79 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-5	62
รูปที่ 80 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-5	62
รูปที่ 81 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-29	63

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า
รูปที่ 82 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-29	63
รูปที่ 83 สปอร์ของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-29	63
รูปที่ 84 Phylogenetic trees ของ CH3-339	69
รูปที่ 85 Phylogenetic trees ของ PK3-117	71
รูปที่ 86 Phylogenetic trees ของ PK3-92	73
รูปที่ 87 Phylogenetic trees ของ RN3-4	75
รูปที่ 88 Phylogenetic trees ของ RN1-7	77
รูปที่ 89 Phylogenetic trees ของ PK4-1	79



บทที่ 1

บทนำ

1.1 ความเป็นมาของโครงการพิเศษ

ป่าชายเลน (Mangrove forest) นั้นเป็นป่าที่พบมากในประเทศไทยและเป็นแหล่งที่น่าสนใจในการศึกษาความหลากหลายทางชีวภาพแหล่งใหม่ๆ ซึ่งมีสภาวะต่างๆ ใกล้เคียงกับทะเลมากที่สุด และยังเป็นแหล่งขยายพันธุ์ และที่อยู่อาศัยของสัตว์นานาชนิด เช่น ปูชนิดต่างๆ ปลาทั้งปลาน้ำจืดและปลาน้ำเค็ม ระบบนิเวศวิทยาที่เกิดขึ้นในป่าชายเลนนั้นมีส่วนเกี่ยวข้องกับความสัมพันธ์ที่มีต่อกันระหว่างสิ่งมีชีวิตกับสิ่งแวดล้อม กล่าวคือพืชพรรณธรรมชาติชนิดต่าง ๆ เมื่อได้รับแสงจากดวงอาทิตย์เพื่อใช้ในการสังเคราะห์แสงจะทำให้เกิดอินทรีย์วัตถุ และการเจริญเติบโตกลายเป็นผู้ผลิต (producers) ของระบบนิเวศ ส่วนต่าง ๆ ของดินไม้ นอกเหนือจากมนุษย์นำไปใช้ประโยชน์จะร่วงหล่นทับถมในน้ำและในดิน ในที่สุดก็จะกลายเป็นแร่ธาตุของพวกจุลินทรีย์ เช่น แบคทีเรีย เชื้อรา แผลงก่ดอน ตลอดจนสัตว์เล็ก ๆ หน้าดิน พวกจุลินทรีย์เหล่านี้จะเจริญเติบโตกลายเป็นแหล่งอาหารของสัตว์น้ำเล็ก ๆ อื่น ๆ และสัตว์เล็ก ๆ เหล่านี้ จะเจริญเติบโตเป็นอาหารของพวกกุ้ง ปู และปลาขนาดใหญ่ขึ้นตามลำดับของอาหาร (trophic levels) นอกจากนี้ใบไม้ที่ตกหล่นตรงโคนต้นอาจเป็นอาหาร โดยตรงของสัตว์น้ำ (litter feeding) ก็ได้ ซึ่งทั้งหมดจะเกิดเป็นห่วงโซ่อาหารขึ้นในระบบนิเวศป่าชายเลน และ โดยธรรมชาติแล้วจะมีความสมดุลในตัวเอง ซึ่งระบบนิเวศของป่าชายเลนนั้นถือว่าสมบูรณ์อย่างมากและน่าจะมีจุลินทรีย์ที่หาได้ยากซึ่งอาจจะเป็นสายพันธุ์ใหม่ที่ยัง ไม่มีคนค้นพบจึงเป็นแหล่งที่น่าสนใจอย่างยิ่ง เนื่องจากว่าความหลากหลายทางชีวภาพมีมากเพราะสภาพแวดล้อมของป่าชายเลนที่รู้จักกัน ก็คือมีบริเวณติดต่อกับทะเลซึ่งความหลากหลาย จากทะเลนั้นอย่างที่เราคุ้นกันว่ามีมากที่สุด

แบคทีเรียในกลุ่มแอคติโนมัยซีทส์ เป็นแบคทีเรียแกรมบวกที่มีลักษณะทางสัณฐานวิทยาคล้ายเชื้อรา คือมีเส้นใยแตกกิ่งก้านขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 1 ไมโครเมตรและสามารถสร้างสปอร์ชนิดไม่อาศัยเพศซึ่งลักษณะสปอร์ที่เชื้อสร้างขึ้นก็จะมีลักษณะที่แตกต่างกันออกไปโดยที่สปอร์ที่สร้างขึ้นจะมีความทนทานต่อสภาวะแห้งแล้งได้ดีจึงสามารถมีชีวิตรอคอยู่ได้ในสภาวะแวดล้อมที่ไม่เหมาะสม ความสำคัญของแอคติโนมัยซีทส์ในระบบนิเวศคือมีคุณสมบัติเป็นผู้ย่อยสลายอินทรีย์สารทำให้เกิดความสมดุลขึ้นในระบบนิเวศและประโยชน์อีกด้านหนึ่งคือเชื้อแอคติโนมัยซีทส์สามารถผลิตสารปฏิชีวนะ ได้ซึ่งสารปฏิชีวนะที่ผลิตได้จะมีคุณสมบัติในการต่อต้านเชื้อจุลินทรีย์อื่นได้เป็นจำนวนมาก จึงทำให้คุณสมบัตินี้เองที่เชื้อ แอคติโนมัยซีทส์เป็นที่สนใจในวงการเภสัชกรรมอย่างมาก ดังนั้นจึงมีการศึกษาค้นคว้า และวิจัยเพื่อหาเชื้อ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

แอสซีโนไมซีทส์ที่สามารถผลิตสารปฏิชีวนะได้ดี โดยทำการคัดแยกและคัดเลือกพร้อมทั้งตรวจสอบลักษณะต่างๆ จากดินที่เก็บมาจากบริเวณที่น่าสนใจและมีความอุดมสมบูรณ์ทางด้านสภาวะแวดล้อมซึ่งน่าจะทำการคัดแยกเชื้อที่สามารถสร้างสารปฏิชีวนะได้เพื่อนำไปสู่การค้นพบสารที่มีประโยชน์ในหลายๆด้าน เช่นประโยชน์ด้านสิ่งแวดล้อม ด้านการแพทย์ เกษษกรรม รวมทั้งสามารถนำมาผลิตในระดับอุตสาหกรรมเพื่อการค้าได้ ซึ่งเชื้อแอสซีโนไมซีทส์นั้นมีประโยชน์มากมายหลายด้านจึงทำให้เป็นที่สนใจทั้งในและต่างประเทศ ในการค้นหาเชื้อแอสซีโนไมซีทส์สายพันธุ์ใหม่ๆ ที่สามารถผลิตสารทุติยภูมิใหม่ๆ และมีประโยชน์เพื่อนำไปใช้ประโยชน์ทางด้านวิทยาศาสตร์สาธารณสุขต่อไป

1.2 วัตถุประสงค์ของโครงการพิเศษ

1. เพื่อแยกและคัดเลือกเชื้อกลุ่มแอสซีโนไมซีทส์ที่สามารถสร้างสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพที่เป็นประโยชน์ทางเภสัชวิทยา
2. เพื่อจัดทำแผนและตรวจสอบลักษณะของเชื้อที่คัดแยกได้เบื้องต้น

1.3 ขอบเขตของโครงการพิเศษ

1. คัดแยกและตรวจสอบลักษณะของเชื้อแอสซีโนไมซีทส์ที่แยกได้จากป่าชายเลน
2. ทำการทดสอบฤทธิ์ทางชีวภาพเบื้องต้นจากเชื้อแอสซีโนไมซีทส์ที่คัดแยกได้

1.4 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ

1. สามารถคัดแยกเชื้อแอสซีโนไมซีทส์สายพันธุ์ที่สามารถผลิตสารทุติยภูมิที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพได้
2. สามารถนำเชื้อแอสซีโนไมซีทส์ที่คัดแยกได้มาใช้ประโยชน์ในการศึกษาและวิจัยในอนาคตได้
3. การศึกษาครั้งนี้อาจพบเชื้อแอสซีโนไมซีทส์สายพันธุ์ใหม่ได้และเชื้อแอสซีโนไมซีทส์สามารถสร้างสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพ

1.5 ขั้นตอนในการดำเนินงาน

1. การคัดแยกเชื้อแอสซีโนไมซีทส์จากดินป่าชายเลน
 - 1.1 นำดินที่เก็บมาทำการคัดแยกเชื้อแอสซีโนไมซีทส์ตามวิธีเฉพาะ
 - 1.2 ทำการคัดเลือกโคโลนีผ่านกล้องจุลทรรศน์
 - 1.3 ทำการเก็บรักษาสายพันธุ์ของเชื้อแอสซีโนไมซีทส์ที่แยกได้ไว้ทำการทดลองในขั้นตอนต่อไป

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2. ตรวจสอบลักษณะของเชื้อแอสคิโนมัยซีท์ที่คัดแยกได้

2.1 ตรวจสอบลักษณะทางฟีโนไทป์

2.2 ตรวจสอบลักษณะทางจีโนไทป์

2.3 ทดสอบการสร้างสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพ

2.4 การวิเคราะห์ลำดับเบสบนสายดีเอ็นเอในช่วง 16s rRNA และทำการวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree)



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 2

ทฤษฎีและหลักการ

2.1 แอคติโนมัยซีทส์ (actinomycetes)

เชื้อแอคติโนมัยซีทส์จัดเป็นแบคทีเรียแกรมบวก (prokaryote) ที่มีลักษณะทางสัณฐานวิทยาคล้ายรา คือมีเส้นใยแตกกิ่งออกมาและบางชนิดมีการสร้างสปอร์ เป็นสิ่งมีชีวิตที่มีปริมาณเบสกวานีนกับไซโตซีนสูง (high G-C content มากกว่า 50%) ชื่อ "actinomycete" มาจากภาษากรีก ระหว่าง aktis แปลว่ารังสีบีบ (ray beam) และ mykes แปลว่า รา (fungus) โดยเชื้อแอคติโนมัยซีทส์มีอยู่มากมายในธรรมชาติ ซึ่งมีหลายสปีชีส์ที่มีการผลิตสารทุติยภูมิ (secondary metabolites) เช่น สารต้านมะเร็ง สารปฏิชีวนะต่างๆที่ใช้ในด้านการแพทย์และเภสัชวิทยา รวมทั้งเกษตรกรรม

แบคทีเรียในกลุ่มแอคติโนมัยซีทส์ จัดอยู่ใน

Kingdom	Bacteria
Phylum	Actinobacteria
Order	Actinomycetales
Family	Actinobacteridae

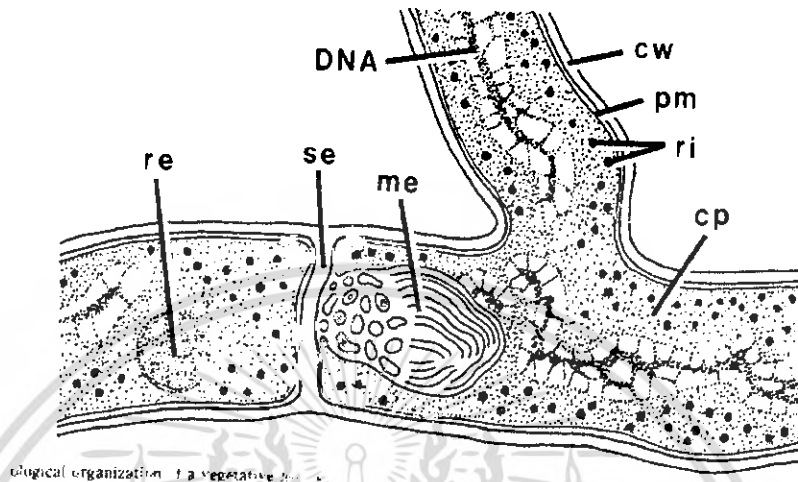
เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ สามารถแยกได้จากดิน น้ำและจากส่วนต่างๆของพืช โดยถ้าอยู่ในดินจะเกี่ยวข้องกับการย่อยสลาย (decomposition) และวัฏจักรการผลิตแร่ในธรรมชาติ (mineralization cycle) ซึ่งจะเกี่ยวข้องกับการผลิตเอนไซม์ เช่น เซลลูเลส (cellulase) ไคตินเนส (chitinase) ลิกนินเปอร์ออกซิเดส (lignin peroxidase) (Krsek และคณะ, 2000)

2.2 ลักษณะของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์

2.2.1 เส้นใย (mycelium)

แอคติโนมัยซีทส์จัดเป็นแบคทีเรียที่มีลักษณะเป็นเส้นใยคล้ายราแต่มีขนาดเล็กกว่า คือมีขนาดประมาณ 0.5 – 1.5 ไมโครเมตร ประกอบด้วยส่วนที่เรียกว่า apical region และ intercalary region สร้างผนังกันเส้นใยแบบต่างๆ ขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อ ซึ่งภายในประกอบด้วยออร์แกเนลล์ต่างๆ คือ ไซโทพลาสซึม ไรโบโซมและมีนิวเคลียสที่ไม่มีเยื่อหุ้ม (prokaryote) การแตกสาขาของเส้นใยเป็นแบบ monopodial เป็นแบบที่พบได้บ่อยที่สุด พบใน *Streptomyces* แบบ dichotomous เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น เมื่อนำไปใช้ประโยชน์ทางการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

branch พบใน *Actinobifida* และแบบ verticillate พบใน *Streptovercillium* แอคติโนมัยซีทส์ส่วนใหญ่มีการสร้างเส้นใย 2 ชนิด คือ primary (substrate) mycelium และ secondary (aerial) mycelium



รูปที่ 1 เส้นใยของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์

cp = ไซโตพลาสซึม, pm = พลาสมาเมมเบรน, cw = ผนังเซลล์, me = ไมโทคอนเดรีย,
se = septum, ri = โรโบโซม, DNA = นิวคลีโอออยด์, re = รีเวิร์สเมททีเรียล

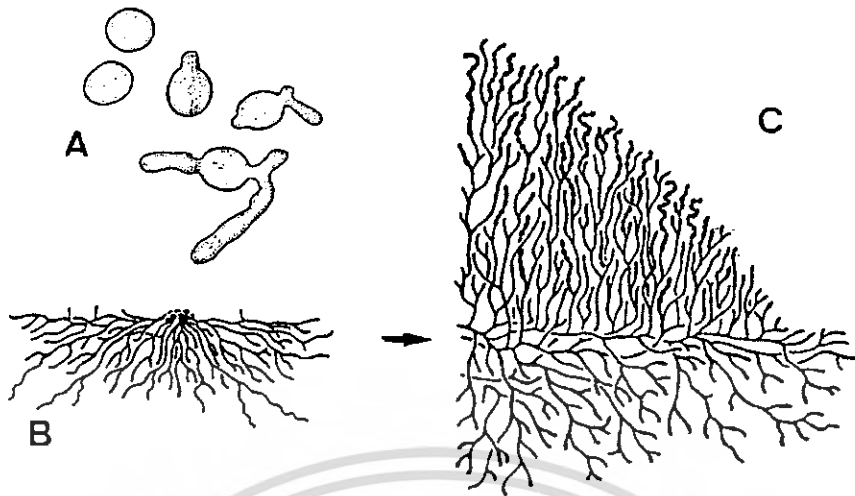
ที่มา : (Arai, 1997)

เส้นใยของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ แบ่งเป็นสองชนิดคือ

2.2.1.1 เส้นใยอากาศ (aerial mycelium) มีลักษณะอ่อนนุ่มเนื่องจากมีชั้นของไฟบรัสซั่ม (fibrous sheath) ซึ่งมีลักษณะที่แตกต่างจากเส้นใยอาหารคือ

1. เส้นใยอากาศมีผนังบางกว่าเส้นใยอาหาร
2. เส้นใยอากาศมักมีสีเข้มกว่า มีการสร้างรงควัตถุ (pigment)
3. มีการแตกสาขา (branching) น้อยกว่าเส้นใยอาหาร
4. เส้นใยอากาศมีการสร้างสปอร์และมีการแตกกิ่งก้าน (fragmentation) ของเส้นใย
5. เส้นใยอากาศเป็นเส้นใยที่ไม่ชอบน้ำ (hydrophobic)

2.2.1.2 เส้นใยอาหาร (substrate mycelium) เป็นเส้นใยที่แข็งเนื่องจากต้องใช้แทงลงไปในอาหาร หนาประมาณ 10-20 ไมโครเมตร



รูปที่ 2 การเจริญของเส้นใยของ *streptomyces*

A : การงอกของสปอร์ B : เส้นใยเจริญลงไปในอาหาร (substrate mycelium)

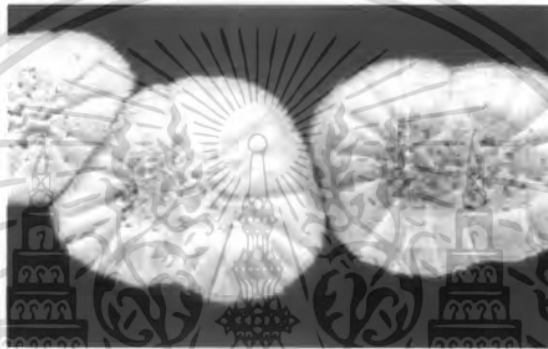
C : เส้นใยอากาศ (aerial mycelium)

2.2.2 โคลินี (colony)

โคลินี อาจมีลักษณะนูนหรือแบนติดกับอาหารหรือบางสายพันธุ์มีลักษณะเป็นแผ่นราบ ผิวหน้าอาจจะเรียบ แตก ขรุขระ นูน เขียวขุ่น หรือเป็นเม็ดเล็กๆ โคลินีของแต่ละชนิดก็มีสีที่แตกต่างกัน เช่น ขาว แดง ส้ม ชมพูอ่อน น้ำตาล เหลือง ดำ เป็นต้น ส่วนการเจริญของโคลินีอาจจะขึ้นเป็นแผ่นยาวตามรอยขีดหรือขึ้นเป็นกระจุกอัดกันแน่นหรือขึ้นเป็นจุด ๆ กระจาย ๆ หรือผสมกันสองแบบลักษณะการเจริญของเชื้อบนอาหารแข็ง (surface culture) และในอาหารเหลว (submerge culture) มีลักษณะต่างกันคือ การเจริญในอาหารเหลวเซลล์จะเจริญจับกันเป็นกลุ่มของเส้นใยที่เรียกว่า pellets แต่สำหรับ เชื้อบางชนิด เช่น *Norcadia corallina* เมื่อเจริญในอาหารเหลวที่มีการเขย่าให้อากาศเชื้อจะมีลักษณะเป็นรูปแท่ง (rod) มีการแบ่งเซลล์แบบ binary fission และแบบ fragmentation เมื่อหยุดการเจริญ ในขณะที่การเจริญบนอาหารแข็งที่มีส่วนประกอบของอาหารเช่นเดียวกับในอาหารเหลว เชื้อเจริญแบบสร้างเส้นใย (filamentous form) ในลักษณะที่ชัดเจนแน่นกับผิวหน้าอาหาร ร่วน และมี fragmentation ของเส้นใยเมื่อมีอายุมากขึ้น โดยทั่วไปลักษณะการเจริญของเชื้อบนอาหารแข็งจะมีลักษณะของโคลินีที่แตกต่างกันขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อ สามารถพบได้ 3 แบบคือ

2.2.2.1 โคลินีแบบหยาบหรือเรียบชิดเกาะกับผิวหน้าอาหารอย่างหลวม ๆ เป็นการสร้างเส้นใยอากาศปกคลุมผิวหน้าอาหาร มักพบในแอคดิโนไมซีตาที่มีการเจริญในระยะ transient mycelial มีการเจริญของ mycelia ที่ไม่แน่นอน

- 2.2.2.2 โคลนินี้ไม่มีเส้นใยอาหารแต่มีเส้นใยอากาศที่สามารถยึดเกาะกับอาหารด้วย ส่วนที่ยึดเกาะพิเศษที่เรียกว่า holdfast
- 2.2.2.3 โคลนินี้มีลักษณะเกาะกันแน่นคล้ายแผ่นหนังเส้นใยอากาศค่อนข้างโป่งและยึดกับอาหาร ด้วยเส้นใยที่แทงลงไปในอาหาร โดยเส้นใยที่อยู่เหนืออาหาร เรียกว่าเส้นใยอากาศ (aerial mycelium) และเส้นใยที่อยู่ภายใต้อาหารเรียกว่า เส้นใยอาหาร (substrate mycelium) สำหรับในอาหารเหลวเรียกเส้นใยที่อยู่ บนผิวอาหารว่า generative mycelium และเส้นใยที่อยู่ในอาหารว่า vegetative mycelium



รูปที่ 3 ลักษณะ โคลนินของของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์

2.2.3 สปอร์

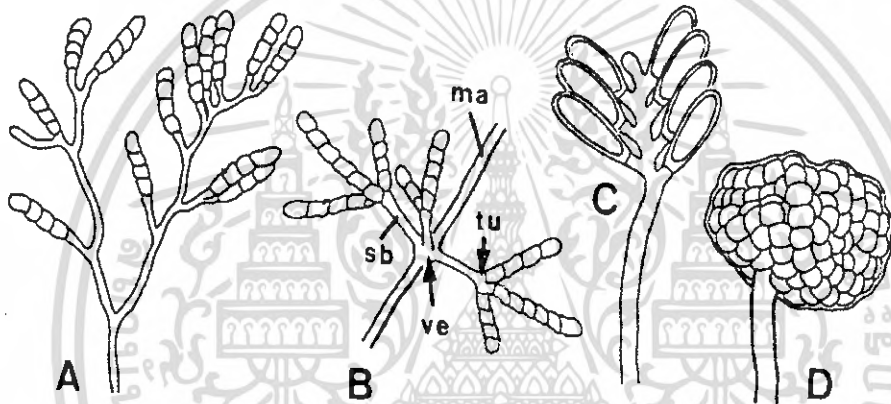
การสร้างเซลล์สืบพันธุ์ของแอกติโนมัยซีทส์ โดยทั่วไปพบได้ 2 แบบ คือ แบบ mycelium fragmentation และแบบ sporulation ในพวก *Streptomyces* spp. จะมีการสร้างเซลล์ที่มีลักษณะพิเศษตามความยาว aerial conidia เกิดจากการขยายตัวของเซลล์และมีผนังหนาขึ้นเรียกว่า chlamydospore หรือ arthrospore มักพบแบบเดี่ยว ๆ (single spore) หรือต่อกันเป็นสายโซ่ (chain) ในพวก *Actinoplanes armenicus* สามารถสร้างสปอร์ได้ 2 แบบ คือ สปอร์แบบมี flagella เรียกว่า zoospore ที่สามารถเคลื่อนที่ได้ และสร้างสปอร์แบบ Streptomyces - type คือ สร้าง arthrospore บน aerial mycelium ในการสร้างสปอร์แบบโคนันมักขึ้นอยู่กับสภาพแวดล้อมที่เชื้อเจริญอยู่ เชื้อ *Kitasatoa* spp. และ *Pilimelia* spp. มักจะพบมีการสร้างสปอร์ที่สามารถเคลื่อนที่ได้ภายใน vesicle และแบบเคลื่อนที่ไม่ได้มีลักษณะต่อกันเป็นสายโซ่ ใน *Micromonospora* spp. สร้างสปอร์แบบ chlamydospore เป็นคู่ที่ตำแหน่งปลายเส้นใย บริเวณ intercalary และบริเวณ interminate ลักษณะการสร้างสปอร์ของแอกติโนมัยซีทส์ สามารถแบ่งออกเป็น 2 แบบคือ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.2.3.1 Endogenous formation เป็นสปอร์ที่มีคุณสมบัติทนความร้อนได้ดี อยู่ใน cytoplasm ของเส้นใยเดิม (parent hyphae) พบในพวก thermophilic actinomycetes เช่น *Thermoactinomyces* และ *Actinobifida*

2.2.3.2 Exogenous formation แอคติโนมัยซีทส์ส่วนใหญ่สร้างสปอร์แบบ exogenous โดยเฉพาะ *Streptomyces* spp.

เนื่องจากเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ มีการสร้างสปอร์เพื่อใช้ในการสืบพันธุ์ และลักษณะของสปอร์ที่สร้างขึ้นก็มีความแตกต่างกัน ดังนั้นจึงใช้ลักษณะรูปร่าง การเจริญของสปอร์เป็นอีกปัจจัยหนึ่งในการจัดจำแนกเชื้อแอคติโนมัยซีทส์



รูปที่ 4 ลักษณะของก้านชูสปอร์ (sporophore) และถุงหุ้มสปอร์ (sporangiophores)

A : ลักษณะของก้านชูสปอร์แบบแตกกิ่งก้านสาขาของ *Microtetraspora*

B : ลักษณะของก้านชูสปอร์แบบ umbellate monoverticillate ของ *Streptoverticillium* (ma = main axis, ve = vertical, sb = side branch, tu = terminal umbel)

C : ลักษณะถุงหุ้มสปอร์ของ *Planomonospora venezuelensis* ประกอบด้วยกิ่งสั้นๆของ monosporous sporangia มีรูปร่างคล้ายใบปาล์ม

D : ลักษณะถุงหุ้มสปอร์แบบไม่แตกกิ่งก้านของ *Actinoplanes*

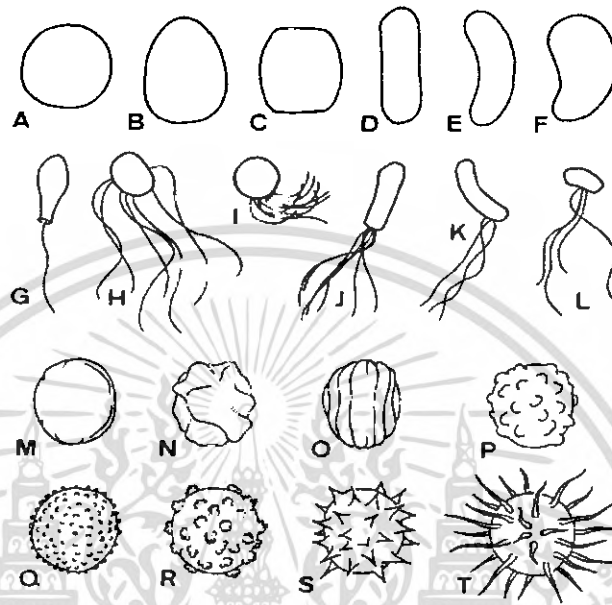
ที่มา : (Arai, 1997)

สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์แบ่งเป็น 2 ชนิดตามความสามารถในการเคลื่อนที่ คือ

1. สปอร์ชนิดที่เคลื่อนที่ได้ (Planospore หรือ Zoospore) จะอาศัยแฟลกเจลลาแบบ monotrichous polytrichous และ peritrichous ในการเคลื่อนที่ในน้ำ หรือของเหลว เช่น สปอร์ของ *Actinosynnema Actinoplanes* และ *Ampullariella* เป็นต้น

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2. สปอร์ชนิดที่เคลื่อนที่ไม่ได้ (Aplanospore หรือ Conidia) ซึ่งลักษณะผิวนอกของสปอร์จะมีหลายลักษณะ เช่น มีผิวเรียบ มีผิวขรุขระ มีปุ่มปม มีลักษณะคล้ายกำมะหยี่ มีลักษณะคล้ายทรงกระบอก



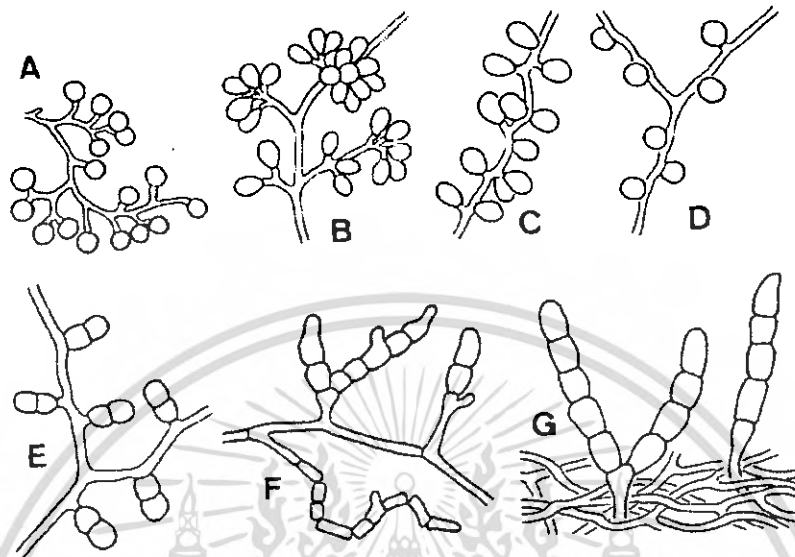
รูปที่ 5 ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของสปอร์

- รูปร่างทั่วไป A: globose, B: ovoid, C: doliform, D: rod-shaped, E: allantoid, F: reniform
ชนิดของแฟลกเจลลา G: monopolar monotrichous, H: peritrichous, I: polytrichous,
J: monopolar polytrichous (lophotrichous), K: subpolar polytrichous,
L: lateral polytrichous
ลักษณะพื้นผิว M: smooth, N: irregular rugose, O: parallel rugose, P: warty,
Q: tuberculate, R: verrucose, S: spiny, T: hairy

สปอร์แต่ละชนิดของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์มีการเจริญและพัฒนาอยู่บนก้านชูสปอร์ (sporophore) ทั้งที่มีลักษณะเป็นก้านชูอันเดียวหรือแตกกิ่งก้านสาขา ซึ่งอาจแตกมาจากเส้นใยที่เจริญลงไปในอาหารหรือเส้นใยที่เจริญบนผิวหน้าอาหาร ส่วนถุงหุ้มสปอร์ (sporangiofores) พบว่าถูกสร้างอยู่บนก้านชูสปอร์ตรงบริเวณเกือบปลาย (lateral) หรือบริเวณปลายสุด (terminal) ของเส้นใยและสามารถแบ่งสปอร์ออกตามลักษณะการสร้างสปอร์ (sporulation types) ได้ 3 ชนิด คือ

1. การสร้างสปอร์แบบเดี่ยว (single spore) เรียกการสร้างสปอร์แบบนี้ว่า monosporous พบในจีนัส *Micromonospora* โดยเริ่มจาก เกิดก้านชูสปอร์บนเส้นใยที่เจริญลงไป

อาหาร ต่อมาเกิดการบวมแล้วไปงอกตรงปลายของเส้นใย หลังจากนั้นจะมีการสร้างผนังมากขึ้นและมีการสร้างสปอร์หรือผนังหุ้มสปอร์



รูปที่ 6 ลักษณะของสปอร์แบบเดี่ยว(single spore) และสปอร์แบบ โซ่สั้น(short chains)

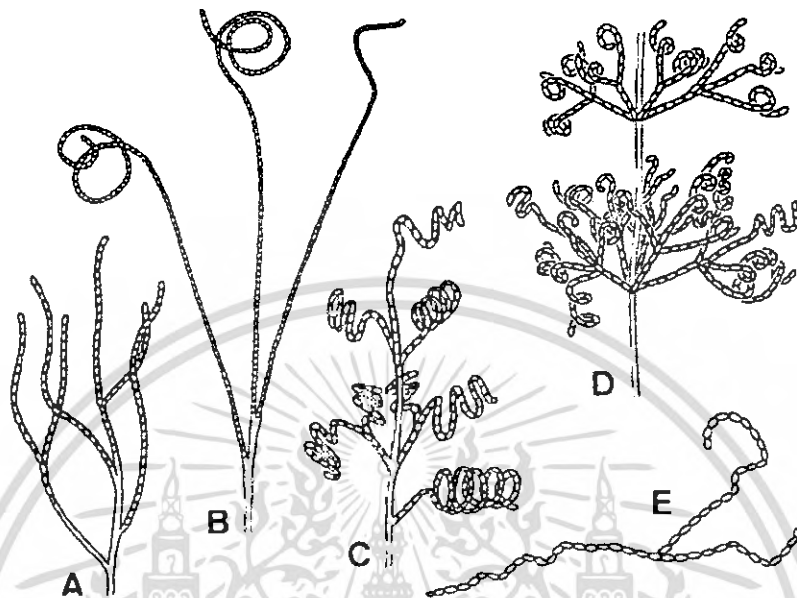
Monosporous: (A) Micromonospora, (B) Thermomonospora, (C) Saccharomonospora,
(D) Thermoactinomyces
Bisporous (E) Microbispora
Oligosporous (F) Nocardia brevicatina, (G) Catellatospora

ที่มา : (Arai, 1997)

2. การสร้างสปอร์แบบสายโซ่สั้น(chain) พบมากในการสืบพันธุ์ของเชื้อแอคติโนมัยซีท์ส่วนใหญ่และสามารถใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของสปอร์แบบสายโซ่สั้นนี้ ซึ่งได้แก่ ความยาว และ/หรือจำนวนสปอร์ เช่น di/bisporous oligosporous หรือ polysporous ในการจำแนกเชื้อ เช่นการบอกความแตกต่างของ *Micromonospora* (monosporous) กับ *Microbispora* (bisporous) หรือการบอกความแตกต่างของ *Streptomyces* แต่ละชนิดจากลักษณะของการสร้างสปอร์แบบสายโซ่สั้นของ *Streptomyces* ที่มี 7 ลักษณะดังรูปที่ 6
3. การสร้างสปอร์ภายในถุงหุ้มสปอร์ (sporangia/ sporangium) สปอร์จะเจริญและพัฒนาอยู่ภายในถุงหุ้มสปอร์ จนกระทั่งถึงสภาวะที่ต้องมีการสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ ถุงหุ้มสปอร์จะแตกออกและปลดปล่อยสปอร์ออกมาโดยทั่วไปถุงหุ้มสปอร์จะมีขนาด

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 2-50 ไมโครเมตร ด้งหุ้มสปอร์มีหลายลักษณะ เช่น ด้งหุ้มสปอร์ทรงกรวย ด้งหุ้มสปอร์ทรงกระบอก ด้งหุ้มสปอร์ทรงกลม เป็นต้น



รูปที่ 7 ลักษณะของสปอร์สายโซ่ยาว (long chain)

Streptomyces : (A) *Rectiflexibile* type, (B) *Rectinaculiaperti* type, (C) *Spira* type, (D) *Verticillati* type
Norcardiopsis : (E) fragmenting branched aerial hypha

2.3 การคัดแยกเชื้อแอกติโนมัยซีทส์จากดิน

จุลินทรีย์ในดิน (soil microorganism) คือสิ่งมีชีวิตที่มีขนาดเล็กที่อาศัยอยู่ที่ผิวดินและในดิน แม้ความลึกจากผิวดินเป็นหลายเมตรก็ยังสามารถพบจุลินทรีย์ในดิน จุลินทรีย์ในดินที่มีบทบาทสำคัญต่อความอุดมสมบูรณ์ของดินจำแนกได้ เป็น 4 ประเภทคือ แบคทีเรีย เชื้อรา แอกติโนมัยซีท และสาหร่าย ไวรัส ซึ่งมีขนาดยิ่งเล็กลงกว่าจุลินทรีย์ 4 ชนิดแรกมากเป็นจุลินทรีย์อีกประเภทหนึ่งที่พบในดินเช่นกัน แต่ไม่มีความสำคัญต่อความอุดมสมบูรณ์โดยตรง นอกจากเป็นเชื้อโรคของโรคพืชบางชนิดและก็เป็นเชื้อโรคหรือศัตรูของจุลินทรีย์ 4 ชนิดแรกด้วยจุลินทรีย์ทั้ง 4 ประเภทมีความแตกต่างกันอย่างมากในรูปแบบของการดำรงชีวิต (จินิกานต์ 2544)

แอกติโนมัยซีทส์ (actinomycetes) เป็นจุลินทรีย์ที่มีขนาดพอ ๆ กับแบคทีเรียแต่ว่าเซลล์ของแอกติโนมัยซีทส์ติดต่อกันเป็นโซ่เหมือนเชื้อรา และเมื่อโยนนี้แตกหักก็จะมีรูปร่างคล้ายแบคทีเรีย ดังนั้นทั้งโดยรูปร่างและการจำแนก แอกติโนมัยซีทส์จึงก้ำกึ่งกันระหว่างเชื้อราและแบคทีเรีย แอกติโนมัยซีทส์ได้รับความสนใจมากในฐานะที่สามารถสร้างสารปฏิชีวนะที่เป็นประโยชน์ทาง

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

การแพทย์เป็นจำนวนมาก เช่น streptomycin, aureomycin, terramycin และ neomycin ซึ่งใช้เป็นยา
รักษาโรคที่เกิดจากแบคทีเรียและเชื้อรา บทบาทของแอคติโนมัยซีทส์ต่อระบบนิเวศน์ของดินก็คือ
เป็นตัวการย่อยสลายอินทรีย์วัตถุ โดยเฉพาะสารอินทรีย์ ที่ย่อยสลายได้ยาก เช่น เซลลูโลส
เช่นเดียวกับเชื้อราแต่จะเจริญหลังจากที่เชื้อราและแบคทีเรียได้เจริญเต็มที่และลดจำนวนลงแล้ว ใน
แง่ของการเกษตร แอคติโนมัยซีทส์ก็มีส่วนช่วยให้เกิด โครงสร้างดินที่เสถียร โดยการสร้างสารที่
เป็นยางไม่ละลายน้ำออกมาผสมกับอนุภาคดิน



รูปที่ 8 ลักษณะการสร้างสปอร์ภายในถุงห่อหุ้ม (sporangia)

ถุงห่อหุ้มที่เจริญมาจากเส้นใยอาหาร : (A) *Actinoplanes* ; polysporous, 1) globose, 2) cylindrical,

3) lobate, 4) subglobose, 5) irregular

(B) *Pilimelia* ; 6) ovoid, 7) campanulate, 8) cylindrical

(C) *Dactylosporangium* ; oligosporous, claviform

ถุงห่อหุ้มที่เจริญมาจากเส้นใยอากาศ : (D) *Planomonospora* ; monosporous, clavate

(E) *Planobispora* ; bisporous, cylindrical

(F) *Planotetraspora* ; tetrasporous, cylindrical

(G) *Planopolyspora* ; polysporous, tubular

(H) *Spirillospora* ; polysporous, globose

(I) *Streptosporangium* ; polysporous, spherical

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.4 การแยกแอกติโนมัยซีทส์จากตัวอย่างดิน

วิธีการแยกแอกติโนมัยซีทส์จากแหล่งธรรมชาติส่วนใหญ่พบว่ามักจะนิยมแยกเชื้อจากดิน เพราะว่ามีจุลินทรีย์ที่เป็นจำนวนมากทั้งชนิดและปริมาณ ในขั้นตอนแรกจะต้องเลือกแหล่งดิน ที่มีแนวโน้มว่าจะมีจุลินทรีย์ที่ต้องการอยู่ในปริมาณสูงจากนั้นก็นำมาแยกเชื้อด้วยวิธีการที่เหมาะสม เนื่องจากในดินมีจุลินทรีย์เจริญอยู่หลายชนิดจึงจำเป็นต้องกำจัดหรือลดปริมาณเชื้อชนิดที่ไม่ต้องการลงบ้าง เพื่อให้การแยกเชื้อสามารถทำได้ง่ายขึ้น ซึ่งวิธีการที่ใช้ลดออกจนอาหารที่ใช้แยกเชื้อจะมีความแตกต่างกันไปทั้งนี้มักจะขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อที่ต้องการแยกเป็นสำคัญ เช่น ทำการแยกแอกติโนมัยซีทส์จากตัวอย่างดินด้วยวิธี dilution plate method โดยทำเจือจาง (serial dilution) ตัวอย่างดิน 10 กรัม เพาะเลี้ยงบน sodium caseinate agar ที่ประกอบด้วย sodium caseinate 0.2%, glucose 0.1%, K_2HPO_4 0.02%, $MgSO_4 \cdot 7H_2O$ 0.02%, trace element $FeSO_4 \cdot 7H_2O$ 0.02% และ agar 1.5% มี pH 7.0 บ่มเพาะเชื้อที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 2-5 วัน สามารถแยกแอกติโนมัยซีทส์ได้ 137 ไอโซเลต จากตัวอย่างดินทั้งหมด 20 ตัวอย่าง

Hayakawa และคณะ (1991b) แยก *Micromonospora* และ *Microbispora* จากตัวอย่างดิน โดยใช้วิธี phenol – tunicamycin method สำหรับการแยก *Micromonospora* และใช้วิธี dry heat – phenol CG method สำหรับการแยก *Micromonospora* โดยนำตัวอย่างดินมาผ่านตะแกรงร่อนที่มีขนาด 2mm – mesh sieve จากนั้นนำมาตากแห้ง (air dry) ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 1 สัปดาห์ สำหรับการแยก *Micromonospora* นำตัวอย่างดินที่ตากแห้ง มาละลายในน้ำให้มีความเข้มข้น 10^{-1} จากนั้นดูดมา 0.5 มิลลิลิตร ใส่ลงใน phosphate buffer sterile pH 7 ปริมาตร 4.5 มิลลิลิตร ที่มี phenol ความเข้มข้นร้อยละ 1.5 (น้ำหนักต่อปริมาตร) เก็บส่วนผสมไว้ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที โดยคนส่วนผสมตลอดเวลา หลังจากนั้นดูดส่วนผสมดังกล่าว 1 มิลลิลิตร มาเจือจางด้วยน้ำประปาที่ปราศจากเชื้อ ให้มีความเข้มข้นเท่ากับ 10^{-2} นำสารละลาย ปริมาตร 0.1 มิลลิลิตร มาเกลี่ยเชื้อ (spread) บน HV agar ที่เติม tunicamycin และ nalidixic acid ความเข้มข้น 20 มิลลิกรัมต่อลิตร บ่มเพาะเชื้อที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 – 4 สัปดาห์ สำหรับการแยก *Micromonospora* นำตัวอย่างดินที่ตากแห้ง ไปให้ความร้อนแห้งโดย การอบในตู้อบลมร้อน (hot air oven) อุณหภูมิ 120 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง นำมาละลายน้ำจนมีความเข้มข้น 10^{-1} ดูดมา 0.5 มิลลิลิตร ใส่ในสารละลายผสมของ 5 มิลลิโมล phosphate buffer pH 7.6 ที่มีฟีนอลร้อยละ 1.5 หรือใน 5 มิลลิโมล collidine buffer pH 7 ที่มี chlorohexidine gluconate (CG) ร้อยละ 0.03 หรือใน 5 มิลลิโมล collidine buffer pH 7 ที่มีฟีนอลร้อยละ 1.5 และ CG ร้อยละ 0.03 วางทิ้งไว้ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที โดยคนตลอดเวลา นำส่วนผสมมาเจือจางเป็น 1: 10 หรือ 1: 50 ด้วยน้ำประปาที่ปราศจากเชื้อ ดูดสารละลายดังกล่าว 0.1 หรือ 0.2 มิลลิลิตร มา spread บน HV agar ที่ผสม nalidixic acid ความเข้มข้น 20 มิลลิกรัมต่อลิตร บ่มเพาะเชื้อที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เป็นเวลา 3 – 4 สัปดาห์ วิธีการแยกเชื้อเบื้องต้น (pre treatment) ดินด้วย phenol เป็นการทำลายแบคทีเรียและ *Streptomyces* แต่ไม่มีผลต่อ *Micromonospora* และ *Microbispora* การใช้ tunicamycin เป็นการส่งเสริมการเจริญของ *Microbispora* บน HV agar ในทางตรงกันข้ามการใช้วิธี dry heat เป็นการลดจำนวนแบคทีเรีย *Streptomyces* และ *Micromonospora* ส่วนการ treat ด้วยสารละลายผสมของฟีนอล และ CG เป็นการกำจัดแอกติโนมัยซีท์ที่ทนความร้อนได้โดยไม่มีผลต่อ *Microbispora* เช่นเดียวกัน

แยก *Streptomyces* จากตัวอย่างดินที่ โดยนำตัวอย่างดินมา 1 กรัม ละลายใน 100 มิลลิลิตร sterile quarter strength Ringer's solution ที่มี tween 80 (ร้อยละ 0.01 ปริมาตรต่อปริมาตร) ใน flask ขนาด 250 มิลลิลิตร นำไปเขย่าบนเครื่องเขย่า wrist action เป็นเวลา 10 นาที นำมาเจือจางและเกลี่ยเชื้อลงบนผิวหน้า M3 Agar หรือ MYA บ่มเพาะเชื้อที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 วัน สามารถแยกเชื้อ *Streptomyces* ได้ผลดี

2.5 การจัดจำแนกเชื้อแอกติโนมัยซีท์ (Classification)

2.5.1 ลักษณะทางสัณฐานวิทยา

ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อแอกติโนมัยซีท์มีความจำเป็นสำหรับการจัดจำแนกชนิดของเชื้อแอกติโนมัยซีท์อย่างมาก เช่น ลักษณะการสร้างเส้นใยในการเจริญในอาหาร International Streptomyces Project (ISP) ต่าง ๆ โดยคุณลักษณะเส้นใยเช่นเส้นใยอากาศ การเกิดกระบวนการแตกกิ่งก้านของเส้นใยอากาศและเส้นใยอาหาร คุณลักษณะการสร้างสปอร์โดยคุณลักษณะของสปอร์ที่เกิดขึ้นว่าเป็นแบบเดี่ยวๆ เป็นสายยาวหรือเป็นสายสั้น ๆ ตลอดถึงจำนวนของสปอร์ต่อสายบน sporophore รวมถึงคุณลักษณะ รูปร่างของเส้นใย (linear, curving, circular, spiral, trochoidal) และรูปร่างและขนาดของ sporangium รวมถึงดูจำนวน sporangiospore ต่อ sporangium และยังคงลักษณะอื่นๆ เช่น โครงสร้างผิวนอก ขนาด การเคลื่อนที่ จำนวนแฟลกเจลลาของสปอร์

2.5.2 ลักษณะการเจริญบนอาหาร

ระยะเวลาการเจริญเติบโตบนอาหาร ISP ต่างๆ yeast malt agar medium (ISP medium No.2), oatmeal agar medium (ISP medium No.3), starch inorganic salt agar medium (ISP medium No.4) เป็นต้น โดยคุณลักษณะสีของเส้นใยอากาศและเส้นใยอาหาร รวมถึงการสร้างเม็ดสีที่ละลายในอาหาร

2.5.3 ลักษณะทางกายภาพ เช่น ช่วงอุณหภูมิที่เหมาะสมในการเจริญเติบโต การสร้างสปอร์ การใช้แหล่งคาร์บอนต่าง ๆ

2.5.4 ลักษณะการจำแนกทางเคมี เช่น

1. การตรวจดูจำนวนกรดอะมิโนที่เป็นส่วนประกอบของ peptidoglycan ของผนังเซลล์
2. ชนิดของลิปิด(ฟอสโฟลิปิด กรดไขมัน ไอโซพรีนอยด์ควิโนน)ของผนังเซลล์
3. การทำ DNA-DNA identity กับสปีชีส์อื่นๆ
4. การดูจำนวนเบส (GC content) ของ DNA

2.6 ชนิดของเชื้อแอคติโนมัยซีทที่สำคัญ

เชื้อแอคติโนมัยซีทมีมากมายหลายชนิดบางชนิดก็พบได้ง่ายบางชนิดก็หาได้ยากซึ่งแต่ละชนิดก็มีความสำคัญแตกต่างกันไปดังเช่น ในตารางที่ 1

ตารางที่ 1 ชนิดของเชื้อแอคติโนมัยซีทที่สำคัญ

Suborder	Family	Genus
Micromonosporineae	Micromonosporiceae	<i>Micromonospora</i> , <i>Actinoplanes</i> , <i>Catellatospora</i> , <i>Couchioplanes</i> , <i>Catenuloplanes</i> , <i>Pilmelia</i> <i>Dactylosporangium</i>
Frankineae	Frankiaceae Spoichthyaceae Geodermatophilaceae Microsphaeraceae Acidothermaceae	<i>Frankia</i> <i>Spoichthya</i> <i>Geodermatophilis</i> , <i>Blastococcus</i> <i>Microsphaera</i> <i>Acidothermus</i>
Streptomycineae	Streptomycetaceae	<i>Streptomyces</i>
Pseudonocardineae	Pseudonocardiaceae	<i>Pseudonocardia</i> , <i>Actinopolyspora</i> , <i>Actinosynnema</i> , <i>Amycolatopsis</i> , <i>Kibdelosporangium</i> , <i>Kutzneria</i> , <i>Lentzea</i> , <i>Saccharomonospora</i> , <i>Saccharopolyspora</i> , <i>Saccharothrix</i> , <i>Streptoallotetchus</i> , <i>Thermocrispum</i>

ตารางที่ 1 ชนิดของเชื้อแอคติโนมัยซีท์ที่สำคัญ (ต่อ)

Suborder	Family	Genus
Corynebacterium	Nocardiaceae	<i>Nocardia, Rhodococcus</i>
	Gordoniaceae	<i>Gordonia</i>
	Mycobacteriaceae	<i>Mycobacterium</i>
	Dietziaceae	<i>Dietzia</i>
	Tsukamurellaceae	<i>Tsukamurella</i>
	Corynebacteriaceae	<i>Corynebacterium, Turicella</i>
Micrococccineae	Micrococcaceae	<i>Micrococcus, Arthrobacter, Kocuria, Nesterenkonia, Rothia, Renibacterium, Stomatococcus</i>
	Brevibacteriaceae	<i>Brevibacterium</i>
	Cellulomonadaceae	<i>Cellulomonas, Oerskovia,</i>
	Dermabacteraceae	<i>Rarobacter</i>
	Dermatophilaceae	<i>Dermobacter, Brachybacterium</i>
	Intrasporangiaceae	<i>Dermatophilus,</i>
	Jonesiaceae	<i>Kytococcus, Dermacoccus</i>
	Microbacteriaceae	<i>Intrasporangium, Sanguibacter, Terrabacter</i>
		<i>Jonesia</i>
	Promicromonosporaceae	<i>Microbacterium, Agroccoccus, Agromyces, Aurebacterium, Clavibacter, Curtobacterium, Rathayibacter</i>
	<i>Promicromonospora</i>	
Actinomycineae	Actinomycetaceae	<i>Actinomyces, Mobiluncus, Arcanobacterium</i>
Propionibacterineae	Propionibacteraceae	<i>Propionibacterium, Luteococcus, Microlunatus, Propioniferax</i>
Streptosporangineae	Streptosporangiaceae	<i>Streptosporangium, Herbidospira, Microbispora, Mrotetraspora, Planobispora, Planomonospora</i>
	Thermomonosporaceae	<i>Thermomonospora, Actinomadura, Spirillospora</i>
	Nocardiopsaceae	<i>Nocardiopsis</i>
Glycomycineae	Glycomycetaceae	<i>Glycomyces</i>

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.7 ประโยชน์ของเชื้อในกลุ่มแอกติโนมัยซีตส์

2.7.1 การผลิตสารปฏิชีวนะ

สารปฏิชีวนะ (Antibiotics) หมายถึง สารประกอบที่ผลิตหรือสร้างขึ้นโดยจุลินทรีย์ชนิดใดชนิดหนึ่ง อาจเป็น แบคทีเรีย เชื้อรา หรือแอกติโนมัยซีตส์ สารที่ผลิตขึ้นได้นี้สามารถไปยับยั้งหรือชะลอการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์กลุ่มใดกลุ่มหนึ่ง หรือไปมีฤทธิ์ทำลายจุลินทรีย์กลุ่มนั้น ๆ ได้ โดยใช้ในปริมาณน้อย ดังนั้นยาปฏิชีวนะเป็นยาที่จัดอยู่ในกลุ่มยาต้านจุลชีพที่แยกได้จากจุลินทรีย์นั่นเองปัจจุบันจะรวมถึงสารกึ่งสังเคราะห์ (ยากึ่งสังเคราะห์ หมายถึง สารที่ใช้วิธีการสังเคราะห์ทางเคมีร่วมกับวิธีผลิตตามธรรมชาติ) ที่ใช้ยาปฏิชีวนะเป็นต้นแบบด้วย

สารปฏิชีวนะที่จุลินทรีย์ผลิตขึ้นเป็นสารเมตาโบไลต์ขั้นที่สอง (secondary metabolite) ซึ่งเป็นสารเมตาโบไลต์ที่ไม่มีความจำเป็นต่อการเจริญ แต่ถ้ามีอาจก่อให้เกิดประโยชน์ต่อเซลล์ที่ผลิต ส่วนใหญ่จะสร้างในช่วง late log phase จนถึงช่วง stationary phase อันเป็นช่วงที่จุลินทรีย์เริ่มมีการเจริญคงที่ สารปฏิชีวนะที่ถูกผลิตขึ้นในช่วงนี้มีประโยชน์เพราะยับยั้งการสร้างสารโมเลกุลใหญ่บางชนิดในเซลล์ได้ อันจะช่วยรักษาพลังงานส่วนหนึ่งไว้ นอกจากนี้ถ้าอยู่ร่วมกับจุลินทรีย์ชนิดอื่นในสภาวะแวดล้อมที่ต้องแก่งแย่งอาหาร สารที่สร้างขึ้นจะช่วยยับยั้งหรือทำลายจุลินทรีย์ที่อยู่รอบข้างบางชนิดลงไปได้ จึงช่วยยืดชีวิตของจุลินทรีย์ให้อยู่ยาวนานขึ้น

2.7.2 จุลินทรีย์ที่สร้างสารปฏิชีวนะ

ในธรรมชาติมีจุลินทรีย์หลายชนิดที่มีคุณสมบัติในการสร้างสารปฏิชีวนะ ไม่ว่าจะเป็นแบคทีเรีย รา แอกติโนมัยซีตส์ หรือจุลินทรีย์อื่น ๆ สารปฏิชีวนะถูกค้นพบเป็นครั้งแรกเมื่อปี ค.ศ. 1877 โดย Louis Pasteur ซึ่งพบว่าแบคทีเรียที่ทำให้เกิดโรคแอนแทรกซ์จะถูกฆ่าเมื่อมีการปะปนโดยแบคทีเรียบางชนิด ต่อมาในปี ค.ศ. 1917 Greig Smith ได้รายงานว่าแอกติโนมัยซีตส์หลายชนิดสามารถสร้างสารหลายชนิดที่มีผลต่อต้านแบคทีเรีย ซึ่งจากรายงานดังกล่าวนับเป็นการเริ่มต้นสำหรับการค้นคว้าเกี่ยวกับสารที่ได้จากจุลินทรีย์ ซึ่งปัจจุบันได้มีการใช้ยาปฏิชีวนะกันอย่างแพร่หลาย

การสร้างสาร secondary metabolite ที่สำคัญของแอกติโนมัยซีตส์ คือ สารปฏิชีวนะพบว่าเชื้อมีการสร้างขึ้นในช่วง idiophase ของการเจริญ โดยสารที่สร้างขึ้นนี้ไม่มีบทบาทเกี่ยวข้องกับการเจริญของเซลล์ จัดเป็นสารที่มีคุณสมบัติพิเศษจำเพาะต่อเชื้อบางชนิดเท่านั้น ดังนั้นจึงพบว่ามีเชื้อเพียงบางกลุ่มเท่านั้นที่สามารถสร้างสารปฏิชีวนะได้ โดยมักจะมีการสร้างในรูปสารประกอบที่มีลักษณะคล้ายคลึงกัน สามารถจัดจำแนกเป็นกลุ่มตามลักษณะที่คล้ายคลึงกันออกเป็น family หรือ series ในการเลี้ยงเชื้อเพื่อการสร้างสารปฏิชีวนะส่วนใหญ่มักจะเลี้ยงเชื้อในอาหารเหลวแบบ batch culture โดยการเพาะเชื้อในลักษณะของ spore suspension หรือ seed culture (vegetative) ลง

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแ

ในอาหาร ในระยะแรกเชื่อมีการปรับตัวและมีการแบ่งเซลล์อย่างช้า ๆ (lag phase) ต่อมาเชื่อจะมี metabolism และอัตราการเจริญสูงขึ้นอย่างรวดเร็ว (acceleration phase) จนกระทั่งถึงจุดสูงสุดของการเจริญ (exponential phase) อาหารถูกใช้ไปอย่างรวดเร็ว ปริมาณอาหารที่ลดลงเป็นผลให้เกิดการสะสม biochemical intermediate บางชนิด ทำให้อัตราการเจริญถูกจำกัด (deceleration phase) เชื้อเริ่มมีการเปลี่ยน biochemical pathway ทำให้ได้ผลิตภัณฑ์เป็นสารปฏิชีวนะออกมา

ตารางที่ 2 เชื้อแอสคิโนไมซีที่สร้างสารปฏิชีวนะ

Organism	Compound	Activity
<i>Actinomadura carminata</i>	Carminomycin	Antitumour
<i>Saccharopolyspora erythraea</i>	Erythromycin	Broad-spectrum antibiotic
<i>S. albovinaceus</i>	Rifamycin B	Antiviral
<i>S. albus</i>	8-Azaguanine	Antiviral
<i>S. aureofaciens</i>	Tetracycline	Antibiotic
<i>S. avernmitilis</i>	Avermectin	Veterinary antiparasitic drug
<i>S. clavuligerus</i>	Clavulanic acid	Inhibits β -lactamase activity
<i>S. griseus</i>	Candicidin	Antifungal
<i>S. griseus</i>	Cycloheximide	Antifungal, used in agriculture
<i>S. griseus</i>	Streptomycin	Antibiotic
<i>Amycolatopsis mediterranei</i>	Rifamicins	Antibiotic
<i>S. nodosus</i>	Amphotericin B	Antifungal
<i>S. noursei</i>	Nystatin	Antifungal
<i>A. orientalis</i>	Vancomycin	Antibiotic
<i>S. peucetius</i>	Daunorubicin HCl	Antitumour
<i>S. rimosus</i>	Oxytetracycline	Antibiotic
<i>S. venezuelae</i>	Chloramphenicol	Broad-spectrum antibiotic,
<i>S. verticillus</i>	Bleomycin sulfate	Antiviral
<i>S. fradiae</i>	Tylosin	Antitumour, used in the treatment of lymphomas
<i>S. hygrosopicus</i>	Bialaphos	Growth promotion
<i>S. hygrosopicus</i>	Herbimycin	Herbicide
<i>S. cinnamomensis</i>	Monensin	Herbicide
		Growth promotion

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นิยมนำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.7.4 การผลิตเอนไซม์

เอนไซม์มีประโยชน์หลายด้าน เช่น ด้านอาหาร ด้านอุตสาหกรรม (ผงซักฟอก ฟอกหนัง) โดยเอนไซม์ที่ผลิตจากเชื้อแอคติโนมัยซีทส์นั้นมีมากมายหลายชนิดเช่น เอนไซม์ D-xylose isomerase ที่ผลิตจาก *S. rimosus* และ *Actinoplanes* spp. เอนไซม์ chitinase ที่ผลิตจาก *Streptomyces* spp. เอนไซม์ Cellulases ที่ผลิตจาก *Thermomonospora stutzeri* ดังตาราง

ตารางที่ 3 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่สร้างเอนไซม์

Organism	Enzyme	Use
<i>Corynebacterium</i> spp.	L- Phenylalanine dehydrogenase	Production of L- Phenylalanine for artificial sweeteners
<i>Nocardia</i> spp.	Cholesterol oxidase	Blood cholesterol determination
<i>Streptomyces</i> spp.	Restriction endonucleases	Various uses in molecular biology laboratories
<i>Streptomyces</i> spp.	Chitinase	Degradation of fungal cell walls
<i>Streptomyces</i> spp.	Proteases	Additives to household detergents
<i>Streptomyces</i> spp.	Amylase	Preparation of high- maltose syrups
<i>Thermomonospora</i> spp.	Cellulase	Detergent and clothes manufacture
<i>Streptomyces</i> spp.	D- Xylose isomerase	Production of D-fructose from syrups
<i>Streptomyces</i> spp.	Chitinase	Processing of chitin wastes
<i>S. cyanogenus</i>	Urate oxidase	Determination of uric acid in biological fluids

2.7.5 การก่อให้เกิดโรคของเชื้อในกลุ่มแอคติโนมัยซีทส์

เชื้อแอคติโนมัยซีทส์หลายชนิดสามารถก่อให้เกิดโรคกับมนุษย์ พืช และสัตว์อื่น ๆ ได้ เช่น โรค Actinomycosis เป็นโรคเรื้อรังที่มีหนองใน ฝีหนองจะไหลออกมา หลายรายจะมีหนองสีเหลือง โรคนี้ปกติจะเกิดในหลายที่ ตามอวัยวะต่าง ๆ Actinomycosis ติดต่อกับคนปกติ เชื้อจะพบในปากที่มีแผลฟกช้ำ โดยมีกรดซัลฟอนิกจะเป็นตัวช่วยในการเจริญของแอคติโนมัยซีทส์ การติดต่อที่เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Cervicofacial จาก หน้า คอ ขากรรไกร หรือฟัน ทำให้มีอาการป่วยที่ปาก หรือขากรรไกร หรือฟัน เป็นลักษณะโรคเรื้อรัง ผลของ Actinomycosis ที่หน้าอกที่แยกออกจากฟันและหน้าอก ปอด หรือ ทั้งคู่ ลักษณะอาการของโรคเหมือนกับเป็นโรคปอดเรื้อรัง และยากที่จะวินิจฉัยได้ โรคที่ส่วน หน้าอกจะแพร่ได้ในอวัยวะติดกัน หรือกระจายเป็นวงกว้าง โดยผ่านกระแสเลือด และจะเกิดเป็นหนองบวม อาจกระจายไปถึงสมอง

ตารางที่ 4 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่ก่อโรค

Organism	Host	Disease
<i>Actinomadura madurae</i>	Human	Chronic subcutaneous abscesses
<i>Actinomyces bovis</i>	Animal	Bovine actinomycosis (lumpy jaw)
<i>Arthrobacter ilicis</i>	Plant	Holly blight
<i>Corynebacterium diphtheria</i>	Human	Diphtheria
<i>C. cystitidis</i>	Animal	Bovine cystitis
<i>C. nebraskense</i>	Plant	Corn blight
<i>Mycobacterium avium</i>	Animal	Avian tuberculosis
<i>M. farcinogenes</i>	Animal	Bovine farcy, inflammation of the lymphatic system
<i>M. leprae</i>	Human	Leprosy
<i>M. tuberculosis</i>	Human	Tuberculosis
<i>M. scrofulaceum</i>	Human	Chronic cervical lymphadenitis in children
<i>Nocardia asteroides</i>	Human	Pulmonary nocardiosis
<i>Rhodococcus equi</i>	Animal	Foal bronchopneumonia
<i>Streptomyces scabies</i>	Plant	Common potato scab
<i>S. ipomoeae</i>	Plant	Sweet potato scab

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 3

อุปกรณ์และวิธีการ

3.1 อุปกรณ์

3.1.1 ตู้อบไอร้อน	รุ่น LUE 600 บริษัท Memmert, Germany
3.1.2 ตู้ปลอดเชื้อ	รุ่น UV-126 International scientific supply, Thailand
3.1.3 หม้อนึ่งความดันไอ	HIRAYAMA รุ่น KICLAVE, Japan
3.1.4 ตู้บ่มเชื้อ	รุ่น BE 600 บริษัท Memmert, Germany
3.1.5 กล้องจุลทรรศน์	บริษัท Olympus, Japan
3.1.6 เครื่องวัดค่าพีเอช	EUTECH INSTRUMENT P4510, USA
3.1.7 เครื่องปั่นเหวี่ยง	Sanyo รุ่น Falcon บริษัท Thaipolymedic CO.,LTD., Thailand
3.1.8 อ่างควบคุมอุณหภูมิ	บริษัท Memmert, Germany
3.1.9 เครื่องชั่ง 4 ตำแหน่ง	รุ่น BA 610 บริษัท Sartorius, Germany
3.1.10 เครื่องแก้วต่างๆ	บริษัท Pyrex, US

3.2 วิธีการทดลอง

3.2.1 การเก็บตัวอย่าง การแยกเชื้อและการคัดเลือกเชื้อ

3.2.1.1 การเก็บตัวอย่าง

เก็บตัวอย่างดินมาจาก พัทลุง ชุมพร กระบี่ ภูเก็ต ระนอง ตรัง ประเทศไทย นำดินตัวอย่างที่เก็บมาไปเก็บรักษาที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส แบ่งดินตัวอย่างดินไปตากแดดให้แห้งประมาณ 2-3 วัน หรือจนกว่าดินจะแห้งจากนั้นนำดินไปบดให้ละเอียด

3.2.1.2 การแยกเชื้อ

การคัดแยกเชื้อใช้ 2 วิธีในการแยกเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์

3.2.1.2.1 physical treatment ได้แก่

1. นำดินที่ตากแห้งแล้วไปอบที่ตู้อบอุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง จากนั้นชั่งตัวอย่างดินมา 0.5 กรัมใส่ลงในหลอดทดลองที่มีน้ำเกลือปราศจากเชื้อปริมาณ 4.5

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

มิลลิลิตร และทำการเจือจางจนถึงระดับ 1:1000 และนำสารละลายดินความเข้มข้นที่ 10^{-2} และ 10^{-3} มาทำเกลี่ยบนอาหาร Humic acid- vitamin agar ที่มีการเติมสารปฏิชีวนะ จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 21 วัน

2. ซังดินสดที่ไม่ได้ตากให้แห้ง 0.5 กรัม ใส่ลงในหลอดทดลองที่มีน้ำเกลือปริมาณ 4.5 มิลลิลิตร แล้วนำไปต้มใน water bath อุณหภูมิ 70°C เป็นเวลา 15 นาที จากนั้นทำการเจือจางจนถึงระดับ 10^{-3} และเกลี่ยบนอาหาร Humic acid- vitamin agar ที่มีการเติมสารปฏิชีวนะ จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 21 วัน

3.2.1.2.2 chemical treatment นำดินตัวอย่าง 0.5 กรัม มาใส่ลงในหลอดทดลองที่มีน้ำเกลือปราศจากเชื้อ (sterile normal saline) ปริมาณ 4.5 มิลลิลิตร (10^{-1}) เขย่าให้เข้ากันและดูดสารละลายดินตัวอย่างใส่ในหลอดทดลองที่มีฟีนอลร้อยละ 1.5 ในฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ปริมาณ 4.5 มิลลิลิตร (10^{-2}) ตั้งทิ้งไว้ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 30 นาที และดูดสารละลายนั้นใส่ในหลอดทดลองที่มีน้ำเกลือปราศจากเชื้อ (sterile normal saline) ปริมาณ 4.5 มิลลิลิตร (10^{-3}) จากนั้นดูดสารละลายดินที่ระดับความเจือจาง 1:1000 ปริมาณ 100 ไมโครลิตร ใส่และเกลี่ยลงบนอาหารอาหาร Humic acid- vitamin agar ที่มีการเติมสารปฏิชีวนะ จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 21 วัน จากนั้นเลือกเก็บโคโลนีที่มีลักษณะของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ และทำการแยกเชื้อให้บริสุทธิ์บนอาหาร Yeast extract – Malt extract agar จากนั้นทำการเก็บรักษาเชื้อไว้ในอาหารเยียง (YM slant) เพื่อใช้ในการทดสอบลักษณะต่อไป

3.2.1.3 การคัดเลือกเชื้อขั้นต้น (Primary screening test)

เลี้ยงเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์บนอาหาร Yeast extract – Malt extract agar โดยใช้รูปแบบเชื้อแล้วจัดเป็นเส้นตรงเดี่ยวๆ จากขอบหนึ่งถึงอีกขอบหนึ่งของจานอาหารเพาะเชื้อ จากนั้นนำไปบ่มในตู้บ่มเชื้ออุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7-14 วัน เพื่อให้เชื้อเจริญเติบโตได้เต็มที่ จากนั้นทำการทดสอบด้วยเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบมี 6 สายพันธุ์ ได้แก่ *Escherichia coli* ATCC 25922, *Micrococcus luteus* ATCC 9341, *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853, *Staphylococcus aureus* ATCC 25923, *Candida albicans* ATCC 10231, *Bacillus subtilis* ATCC 6633 โดยใช้รูปแบบเชื้อแล้วลากจุลินทรีย์ทดสอบให้ชิดเกือบติดให้เป็นเส้นตรงตั้งฉากกับกับโคโลนีของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ จากนั้นนำไปบ่มในตู้บ่มเชื้ออุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2 วัน จากนั้นตรวจสอบการยับยั้งเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบโดยใช้ไม้มบรรทัดวัดระยะทาง (เซนติเมตร) จากแนวของเชื้อจนถึงระยะที่จุลินทรีย์ทดสอบสามารถเจริญได้

3.2.2 การศึกษาอนุกรมวิธานของเชื้อที่มีฤทธิ์ยับยั้งจุลินทรีย์ทดสอบโดยตรวจสอบลักษณะต่างๆ ของเชื้อดังนี้

3.2.2.1 ตรวจสอบลักษณะทางสัณฐานวิทยาและการเจริญของเชื้อ (Morphological and cultural characteristics)

ตรวจสอบลักษณะทางการเจริญโดยเลี้ยงเชื้อบนอาหารที่กำหนดอยู่ใน International Streptomyces Project (ISP) ชนิดต่างๆ โดยวิธี Crosshatch streak (Shiring และ Gottlieb, 1966) ตรวจสอบผลโดยการดูการเจริญ เนื้อและสีของโคโลนีทั้งด้านบน และด้านล่างและรงควัตถุที่ละลายน้ำได้เทียบกับกระดาษสีมาตรฐาน (The Jacal Color Card L22000, Japan Color Research Institute) ตรวจสอบลักษณะของเส้นใยและการสร้างสปอร์ด้วยเทคนิค Simple inclined coverslip (Williams and Cross, 1971)

3.2.2.2 ตรวจสอบลักษณะทางชีวเคมีและสรีระวิทยา (Biochemical and Physiological Characteristics)

3.2.2.2.1 การใช้แหล่งคาร์บอน

basal agar medium เตรียมโดยใช้ ISP (Shiring และ Gottlieb, 1966) และเติม Casamino acid ลงไป จากนั้นเติมแหล่งคาร์บอนแล้วปรับความเข้มข้นให้ได้ร้อยละ 1 หลังจากการนำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยหม้อนึ่งอัดไอ อุณหภูมิ 110 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 10 นาที คนส่วนผสมที่ได้ จากนั้นเทส่วนผสมลงไป 25 มิลลิลิตร บนจานเพาะเชื้อที่ขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 9 เซนติเมตร โดยแหล่งคาร์บอนที่ใช้ทดสอบมีทั้งหมด 17 อย่าง ดังนี้

No carbon source	(negative control)
D-glucose	(positive control)
D-mannitol	D-ribose
L-rhamnose	D-melibiose
Raffinose	Glycerol
Inositol	Salicin
Lactose	D-galactose
L-arabinose	Cellubiose
D-fructose	

ในการเตรียมหัวเชื้อโดยการเติมน้ำกลั่นที่ปราศจากเชื้อ 5 มิลลิลิตร ลงในอาหารเลี้ยงที่เพาะเชื้อเอาไว้จากนั้นถ่ายเชื้อลงในหลอดทดลองที่อบฆ่าเชื้อแล้วจากนั้นนำสารละลายแขวนแอกซาร์นี้เป็นแอกซาร์ที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ลอยเชื้อไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็วรอบ 5000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 15 นาที จากนั้นเทส่วนใสทิ้งแล้ว นำตะกอนไปทำให้เป็นเซลล์แขวนลอยอีกครั้ง โดยการเติมน้ำกลั่นที่ปราศจากเชื้อ 5 มิลลิลิตร ลงไป จะได้สารละลายแขวนลอยของเชื้อ

นำสารละลายแขวนลอยของเชื้อที่ได้จำนวนหนึ่งรูป มาฉีดลงบนอาหารที่ใช้ทดสอบเป็นเส้นตรง แล้วนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10-14 วัน ตรวจสอบผลโดยการเจริญของเชื้อบนอาหารที่ใช้ทดสอบ โดยเปรียบเทียบกับตัวควบคุม (positive และ negative control)

การอ่านผลการทดลอง

1. มีการใช้แหล่งคาร์บอน (+) เมื่อมีการเจริญเติบโตบนอาหาร basal agar medium มากกว่าบนอาหาร basal agar medium ที่ปราศจากคาร์บอนเลย แต่บางครั้งก็น้อยกว่าการเจริญเติบโตบน basal agar medium ที่มีกลูโคสรวมอยู่

2. มีการใช้แหล่งคาร์บอนไม่ชัดเจนนัก (±) เมื่อมีการเจริญเติบโตบนอาหาร basal agar medium มากกว่าบนอาหาร basal agar medium ที่ปราศจากแหล่งคาร์บอนเพียงเล็กน้อย และน้อยกว่าการเจริญเติบโตบน basal agar medium ที่มีกลูโคส

3. ไม่มีการใช้แหล่งคาร์บอน (-) เมื่อมีการเจริญบน basal agar medium ใกล้เคียงหรือน้อยกว่าการเจริญบน basal agar medium ที่ปราศจากแหล่งคาร์บอน

3.2.2.2.2 การตกตะกอน (Coagulation) และการย่อยสลายโปรตีน (Peptonization) ในน้ำนม (skim milk)

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตในน้ำนม (skim milk ร้อยละ 10) ที่ผ่านการนึ่งฆ่าเชื้อแล้วจากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10-14 วัน ถ้ามีการย่อยสลายโปรตีนในน้ำนมเกิดขึ้นน้ำนมซึ่งมีสีขาวขุ่นจะเปลี่ยนเป็นสารละลายใส ถ้ามีการตกตะกอนของโปรตีนจะเกิดตะกอนในน้ำนม

3.2.2.2.3 การย่อยสลายเจลาติน (Gelatin liquefaction)

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตในอาหารเหลว Bouillon Gelatin Broth ที่เตรียมไว้ในหลอดทดลอง จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 -14 วัน จากนั้นนำหลอดทดลองที่เพาะเลี้ยงไว้มาเขย่าในตู้เย็นอุณหภูมิ 20 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 30 นาที เปรียบเทียบกับหลอดที่ไม่ได้ใส่เชื้อ ถ้ามีการย่อยสลายเจลาตินจะไม่เกิดการแข็งตัวของเจลาติน

3.2.2.2.4 การย่อยสลายไนเตรท (Nitrate reduction)

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตในเปปโตนโพแทสเซียมไนเตรด (Peptone KNO₃ broth) (Arai, 1997) ที่เตรียมไว้ในหลอดทดลอง จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10-14 วัน ตรวจสอบผลโดยการเติมสารละลายกรดซัลฟานิลิกลงไป 2 หยดและสารละลาย N,N-dimethyl-L-naphthylamine 3 หยด ถ้าเชื้อมีการเปลี่ยนไนเตรดเป็นไนไตรด์ สารละลายจะเปลี่ยนเป็นสีชมพูจนถึงสีแดง

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

3.2.2.2.5 การย่อยสลายแป้ง (Starch hydrolysis)

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตโดยซึกลงบนอาหาร Inorganic salts-starch agar (IS) จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 -14 วัน ตรวจสอบผลโดยการเติมสารละลายแกรมไอโอดีนลงบนอาหารที่เพาะเชื้อไว้ ถ้ามีการย่อยสลายแป้งเกิดขึ้นจะเกิดบริเวณใสรอบๆ โคลนเชื้อ แต่ถ้าไม่มีการย่อยแป้งจะเกิดสีน้ำเงินแทน

3.2.2.2.6 การเจริญบนอาหารที่มีโซเดียมคลอไรด์ความเข้มข้นต่างๆ

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตโดยซึกลงบนอาหารแข็ง YM ซึ่งเติมโซเดียมคลอไรด์ความเข้มข้นร้อยละ 0, 1.5, 3, 4, 5, 6 และ 7 จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 -14 วัน ตรวจสอบผลตามความสามารถในการเจริญของเชื้อที่ความเข้มข้นต่างๆ

3.2.2.2.7 การเจริญที่อุณหภูมิต่างๆ

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตโดยซึกลงบนอาหารแข็ง YM agar จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 20, 37, 40 และ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 -14 วัน ตรวจสอบผลตามความสามารถในการเจริญของเชื้อที่อุณหภูมิต่างๆ

3.2.2.2.8 การเจริญที่ระดับความเป็นกรด-ด่างต่างๆ

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทุกไอโซเลตโดยซึกลงบนอาหารแข็ง YM ที่มีการปรับพีเอชให้เป็น 4, 4.5, 5, 6, 7 และ 9 จากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 -14 วัน ตรวจสอบผลตามความสามารถในการเจริญของเชื้อที่พีเอชต่างๆ

3.2.2.3 การวิเคราะห์ลำดับเบสบนสายดีเอ็นเอในช่วง 16s rRNA gene และการวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ

3.2.2.3.1 การสกัดดีเอ็นเอ

เลี้ยงเชื้อแอคติโนมัยซีทส์บนอาหารเหลว YM ที่เติมไกลซีนร้อยละ 0.1-0.3 โดยเลี้ยงบนเครื่องเขย่าที่ความเร็วรอบ 180 รอบต่อนาที ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 3-4 วัน จากนั้นทำการเก็บเกี่ยวเซลล์โดยการนำไปปั่นเหวี่ยงที่ 3000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที เทส่วนใสทิ้ง ล้างเซลล์ด้วย saline-EDTA พีเอช 8 ปริมาณ 5 มิลลิลิตร 2 ครั้ง จากนั้นเติม 10 mM Tris-HCl 2-3 มิลลิลิตร และเติม Lysozyme ประมาณ 10-15 มิลลิกรัมพร้อมทั้งเขย่าให้เข้ากัน เพื่อทำลายผนังเซลล์ จากนั้นนำไปบ่มใน water bath อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-3 ชั่วโมง จากนั้นเติม 10x SSC 60 ไมโครลิตรและเติม Tris-SDS 500-1000 ไมโครลิตร จากนั้นนำไปบ่มในอ่างควบคุมอุณหภูมิ (water bath) อุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที จากนั้นตกตะกอนโปรตีนด้วย phenol: chloroform (1:1) เขย่าเบาๆ 10-20 นาที จากนั้นนำไปปั่นเหวี่ยงที่ 10,000 รอบต่อนาที 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที จากนั้นค่อยๆ ดูดส่วนใสด้วยออดิปิเปตใส่ในบีกเกอร์เล็กขนาด 50 มิลลิลิตร ที่ล้างสะอาดและอบฆ่าเชื้อแล้ว จากนั้นเติม 99% cold ethanol 2 ใน 3 ของสารละลายดี-

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอ็นเอในบีกเกอร์ จากนั้นใช้แท่งแก้วที่ล้างสะอาดและอบฆ่าเชื้อแล้วหมุน (spooling) พันเอาสายดีเอ็นเอให้ติดมากับแท่งแก้ว จากนั้นล้างแท่งแก้วที่มีดีเอ็นเอติดอยู่ด้วย ethanol ร้อยละ 70 และร้อยละ 99 ตามลำดับ จากนั้นตากดีเอ็นเอให้แห้งที่อุณหภูมิห้อง จากนั้นคนแท่งแก้วที่มีดีเอ็นเอติดอยู่ในหลอดทดลองที่มี 1xSSC แล้วปิดปากหลอดทดลองด้วย parafilm แล้วนำไปเก็บที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

3.2.2.3.2 การวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ

นำดีเอ็นเอที่แยกได้มาเพิ่มปริมาณในช่วง 16s rDNA โดยใช้ Universal primer ทำปฏิกิริยาในเครื่อง DNA thermal cycler (GeneAmp PCR System 9700; Applied Biosystems) 16s rDNA ที่เพิ่มปริมาณได้จะถูกทำให้บริสุทธิ์และวิเคราะห์ลำดับเบสโดยใช้ ABI PRISM BigDye Terminator Cycle Sequencing Ready Reaction Kit (Applied Biosystems) (DNA technology กำแพงแสน) ลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ได้จะถูกทำการเปรียบเทียบและ alignment กับลำดับนิวคลีโอไทด์ในฐานข้อมูลของ Genbank/EMBL/DDBJ โดยใช้ BLASTn program และ alignment software (ในกรณีที่ใช้ CLUSTAL W program package) จำลองข้อมูลเป็น multi-data set และสร้าง polygenetic trees ใน MEGA software version 2.1 และทำการวิเคราะห์ polygenetic trees ที่ได้

บทที่ 4

ผลการวิจัย

4.1 ผลการแยกและการคัดเลือกเชื้อแอคติโนมัยซิฟส์จากดิน

เมื่อทำการแยกและคัดเลือกเชื้อแอคติโนมัยซิฟส์จากดินป่าชายเลน 6 จังหวัด 20 ตัวอย่าง ได้มาจากจังหวัดตรัง กระบี่ ภูเก็ต ระนอง ชุมพร พัทลุง สามารถคัดแยกเชื้อได้ 25 ไอโซเลต แสดงในตารางที่ 5

ตารางที่ 5 รหัสเชื้อเชื้อแอคติโนมัยซิฟส์ที่คัดแยกได้และแหล่งที่เก็บตัวอย่าง

รหัสตัวอย่าง	สถานที่	รหัสเชื้อ
CH	จังหวัดพัทลุง	CH3-33, CH3-339, CH4-414
CP	จังหวัดชุมพร	CP2-3, CP2-5, CP3-13,
KB	จังหวัดกระบี่	KB3-40
PK	จังหวัดภูเก็ต	PK1-79, PK2-29, PK2-35, PK3-16, PK2-71, PK3-92, PK3-117, PK3-343, PK4-1, PK4-91, PK5-212
RN	จังหวัดระนอง	RN1-7, RN1-712, RN3-4, RN3-114, RN3-114-1, RN3-114-3
TR	จังหวัดตรัง	TR2-2

4.2 ผลการศึกษาฤทธิ์การยับยั้งจุลินทรีย์ทดสอบ

ในจำนวนเชื้อแอคติโนมัยซิฟส์ที่คัดแยกได้ทั้ง 25 ไอโซเลต พบว่ามี 14 ไอโซเลตที่สามารถสร้างสารออกฤทธิ์ยับยั้งจุลินทรีย์ทดสอบได้ ซึ่งส่วนใหญ่มีฤทธิ์ยับยั้งการเจริญของจุลินทรีย์แกรมบวก, จุลินทรีย์แกรมลบและเชื้อราได้ดี มีเชื้อที่สามารถยับยั้งการเจริญของเชื้อ *Bacillus subtilis* ATCC 6633, *Micrococcus luteus* ATCC 9341, *Staphylococcus aureus* ATCC 25923, *Escherichia coli* ATCC 25922, *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853 และ *Candida albicans* ATCC 10231 ได้เชื้อละ 14 ไอโซเลต ดังแสดงในตารางที่ 6

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 6 ฤทธิ์การยับยั้งการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์ทดสอบ

รหัสเชื้อ	บริเวณการยับยั้ง (มิลลิเมตร)					
	<i>B.subtilis</i>	<i>M.luteus</i>	<i>S.aureus</i>	<i>E.coli</i>	<i>Ps.aeruginosa</i>	<i>C.albicans</i>
CP3-13	20	30	28	32	27	29
PK3-16	27	22	27	22	25	28
PK4-91	21	20	22	20	22	20
PK5-212	18	14	16	15	18	20
RN3-114-1	15	25	40	25	16	15
CH3-33	18	25	28	26	25	22
KB3-40	25	20	24	24	25	24
PK1-79	17	5	21	15	19	18
PK2-71	15	20	23	21	20	20
PK4-1	24	21	25	14	22	24
RN3-114	40	20	21	24	25	40
RN3-4	40	40	40	40	42	40
RN1-7	-	-	-	-	-	-
TR2-2	-	-	-	-	-	-
CH4-414	30	30	30	30	31	30
CP2-3	-	-	-	-	-	-
RN3-114-3	-	-	-	-	-	-
CH3-339	16	25	27	22	21	20
PK2-35	-	-	-	-	-	-
PK3-92	-	-	-	-	-	-
RN1-712	-	-	-	-	-	-
PK3-117	-	-	-	-	-	-
PK3-343	-	-	-	-	-	-
CP2-5	-	-	-	-	-	-
PK2-29	-	-	-	-	-	-

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

หมายเหตุ *B.subtilis* = *Bacillus subtilis* ATCC 6633, *M.luteus* = *Micrococcus luteus* ATCC 9341,
S.aureus = *Staphylococcus aureus* ATCC 25923,
E.coli = *Escherichia coli* ATCC 25922,
Ps.aeruginosa = *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853,
C.albican = *Candida albicans* ATCC 10231 และ - = ไม่มีการยับยั้งเกิดขึ้น

4.3 ลักษณะทางฟิโนไทป์ของเชื้อที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพ

จากเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทั้งหมด 25 ไอโซเลต พบว่าสามารถสร้างสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพที่มีฤทธิ์ยับยั้งเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบได้ 14 ไอโซเลต จากนั้นจึงนำเชื้อทั้ง 25 ไอโซเลตไปศึกษาลักษณะทางอนุกรมวิธาน โดยทำการศึกษาลักษณะต่างๆดังนี้

4.3.1 ลักษณะการเจริญและสัณฐานวิทยาของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่คัดแยกได้
 ซึ่งเป็นการทดสอบลักษณะสีของเส้นใยอากาศและเส้นใยอาหาร เมื่อทำการเลี้ยงในอาหาร ISP ชนิดต่างๆ ได้ผลดังแสดงในตารางที่ 7

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและสัณฐานวิทยาของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์บนอาหารแข็งชนิดต่างๆ

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
CP3-13	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	O.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	T.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	ปานกลาง	เหลืองอ่อน	เหลืองอ่อน	-
	Cz.sucrose	น้อย	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
	N.A.	ดี	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
P.I.A.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-	

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและสัณฐานวิทยาของเชื้อแอสคิโนมัยซีที่สับบนอาหารแข็งชนิดต่างๆ (ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
PK3-16	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	O.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	T.A.	ดี	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	Cz.sucrose	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	N.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
P.I.A.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	เหลืองอมม่วง	-	
PK4-91	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	O.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	T.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	Cz.sucrose	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	N.A.	ดี	น้ำตาลอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
P.I.A.	ดี	ม่วงอ่อน	น้ำตาล	-	
PK5-212	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	O.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	T.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	Cz.sucrose	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	N.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	เหลืองอมม่วง	-
P.I.A.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	เหลืองอมม่วง	-	

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและสัณฐานวิทยาของเชื้อแอสคิโนมัยซีที่สับบนอาหารแข็งชนิดต่างๆ (ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
RN3-114-I	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	O.M.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	เขียวใบไม้	-
	T.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	ปานกลาง	เหลืองอ่อน	เหลืองอ่อน	-
	Cz.sucrose	น้อย	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
	N.A.	ดี	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
CH3-33	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	O.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	ปานกลาง	เหลืองอ่อน	เหลืองอ่อน	-
	Cz.sucrose	น้อย	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
	N.A.	ดี	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
KB3-40	Y.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	O.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	Cz.sucrose	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
	N.A.	ดี	ขาวอมเทา	น้ำเงินเข้ม	-
P.I.A.	น้อย	ขาวอมเทา	น้ำตาล	-	

เอกสารนี้เป็นเอกสารทสงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้เผยแพร่หรือใช้ประโยชน์ทางการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและต้นฐานวิทยาของเชื้อแอสคิโนมัยซีที่สับบนอาหารแข็งชนิดต่างๆ

(ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
PK1-79	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	O.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาล	-
	Glu.A.	น้อย	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาลอมม่วง	-
	Cz.sucrose	น้อย	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาลอมม่วง	-
	N.A.	ดี	น้ำตาลอมม่วง	น้ำเงินเข้ม	-
	P.I.A.	ดี	ม่วงอ่อน	น้ำตาล	-
PK2-71	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	O.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาล	-
	Glu.A.	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	Cz.sucrose	น้อย	น้ำตาลอมเทา	น้ำตาลอมเทา	-
	N.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมเทา	เหลืองอมม่วง	-
	P.I.A.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	เหลืองอมม่วง	-
PK4-1	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	O.M.	น้อย	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ดี	ม่วงอมเทา	เทาอมเหลือง	-
	Gly.A.	น้อย	ม่วงอมเทา	เทาอมเหลือง	-
	Glu.A.	น้อย	ม่วงอมเทา	เทาอมเหลือง	-
	Cz.sucrose	น้อย	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
	N.A.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-
	P.I.A.	น้อย	ม่วงอมเทา	ม่วงอมเทา	-

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่ลงบนเว็บไซต์เพื่อให้บริการเท่านั้น เพื่อการรักษาสภาพเอกสาร เมื่อผู้ยืมได้เห็นว่าเอกสารชำรุดเสียหาย หรือสูญหาย กรุณาแจ้งเจ้าหน้าที่บริการทันที
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและต้นฐานวิทยาของเชื้อแอสคิโนมัยซีที่สับบนอาหารแข็งชนิดต่างๆ
(ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
RN3-114	Y.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	O.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ดี	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาล	-
	Glu.A.	ปานกลาง	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาล	-
	Cz.sucrose	น้อย	น้ำตาลอมม่วง	น้ำตาลอมม่วง	-
	N.A.	ดี	น้ำตาลอมม่วง	น้ำเงินเข้ม	-
P.I.A.	ดี	ม่วงอ่อน	น้ำตาล	-	
RN3-4	Y.M.	ปานกลาง	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	เหลืองส้ม
	O.M.	ดี	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	I.S.	ดีมาก	ม่วงอมเทา	น้ำตาล	-
	T.A.	ปานกลาง	เหลืองอมม่วง	เหลืองเข้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	เหลืองอมม่วง	เหลืองเข้ม	-
	Glu.A.	น้อย	เหลืองอมม่วง	เหลืองอมม่วง	-
	Cz.sucrose	ปานกลาง	เหลืองอมม่วง	เหลืองเข้ม	-
	N.A.	ดี	เหลืองเข้ม	เหลืองเข้ม	-
P.I.A.	ปานกลาง	เหลืองอ่อน	เหลืองอ่อน	-	
RN1-7	Y.M.	น้อย	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	O.M.	น้อย	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	I.S.	น้อย	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	T.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
	Gly.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
	Glu.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	Cz.sucrose	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
	N.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ส้ม	-
P.I.A.	น้อย	ชมพูอมม่วง	น้ำตาลอ่อน	-	

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์ไว้เพื่อการศึกษาเท่านั้น เมื่อผู้ยืมได้เห็นใบใช้บวระของเจ้าหน้าที่การึกษา
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและสัณฐานวิทยาของเชื้อแอสคิโนมัซิทส์บนอาหารแข็งชนิดต่างๆ
(ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของ เส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของ เส้นใยอาหาร	สิ่งควัดดู ที่สร้าง
TR2-2	Y.M.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	O.M.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	I.S.	น้อย	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	T.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
	Gly.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
	Glu.A.	ปานกลาง	ชมพูอมม่วง	ชมพูอมม่วง	-
	Cz.sucrose	ปานกลาง	ชมพูอมม่วง	ชมพูอมม่วง	-
	N.A.	น้อย	ขาวอมเทา	ขาวอมเทา	-
CH4-414	Y.M.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	เกล็ดส้ม
	O.M.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	I.S.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	T.A.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	Gly.A.	ดี	น้ำตาลปนเหลืองอ่อน	น้ำตาลปนเหลืองอ่อน	-
	Glu.A.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	Cz.sucrose	ดี	เหลืองอ่อน	เหลืองอ่อน	-
	N.A.	ดี	เหลืองอ่อน	เหลืองอ่อน	-
CP2-3	Y.M.	ดีมาก	ขาวอมเทา	ส้ม	เกล็ดส้ม
	O.M.	ดีมาก	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	I.S.	ดีมาก	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	T.A.	ดีมาก	เหลืองเข้ม	น้ำตาล	-
	Gly.A.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	Glu.A.	ดี	เหลืองเข้ม	น้ำตาล	-
	Cz.sucrose	น้อย	เหลืองเข้ม	น้ำตาล	-
	N.A.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	-
P.I.A.	ดีมาก	ขาวอมเทา	ส้ม	-	

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและตั้งฐานวิทยาของเชื้อแอคติโนมัยซีทต้นบนอาหารแข็งชนิดต่างๆ (ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของ เส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของ เส้นใยอาหาร	รูปร่าง ที่สร้าง
RN3-114-3	Y.M.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	O.M.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	I.S.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	T.A.	ดี	ขาวอมเทา	เหลือง	-
	Gly.A.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	Glu.A.	ดี	ขาวอมเทา	เหลือง	-
	Cz.sucrose	ปานกลาง	ขาวอมเทา	เหลือง	-
	N.A.	ดี	ขาวอมเทา	ส้ม	-
	P.I.A.	ปานกลาง	ขาวอมเทา	ส้ม	-
CH3-339	Y.M.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	เหลือง
	O.M.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	-
	I.S.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	-
	T.A.	ดีมาก	-	ส้ม	-
	Gly.A.	ดี	-	ส้ม	-
	Glu.A.	ดี	-	ส้ม	-
	Cz.sucrose	ปานกลาง	-	ส้ม	-
	N.A.	ดี	-	ส้มเข้ม	-
	P.I.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้ม	-
PK2-35	Y.M.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	เหลือง
	O.M.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	-
	I.S.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	-
	T.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้ม	-
	Gly.A.	น้อย	-	ส้มเข้ม	-
	Glu.A.	น้อย	-	ส้มเข้ม	-
	Cz.sucrose	น้อย	-	ส้มเข้ม	-
	N.A.	ปานกลาง	-	ส้ม	-
	P.I.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้ม	-

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและลักษณะของเชื้อแอคติโนมัยซิท์บนอาหารแข็งชนิดต่างๆ (ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
PK3-92	Y.M.	ปานกลาง	-	ส้มเข้ม	-
	O.M.	ปานกลาง	-	ส้มเข้ม	-
	I.S.	ดีมาก	-	ส้มเข้ม	-
	T.A.	ดีมาก	-	ส้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	-	ส้ม	-
	Glu.A.	ดี	-	ส้ม	-
	Cz.sucrose	น้อย	-	ส้มเข้ม	-
	N.A.	ดี	-	ส้ม	-
P.I.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้ม	-	
RN1-712	Y.M.	ดี	-	ส้ม	เหลือง
	O.M.	ดี	-	ส้ม	-
	I.S.	ดี	-	เหลืองอมเขียวแก่	-
	T.A.	ดี	-	ส้ม	-
	Gly.A.	ปานกลาง	-	ส้ม	-
	Glu.A.	น้อย	-	กุหลาบ	-
	Cz.sucrose	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	N.A.	ปานกลาง	-	ขาวอมเทา	-
P.I.A.	น้อย	-	ชมพูอมเหลืองแก่	-	
PK3-117	Y.M.	ดี	-	เหลืองสด	เหลือง
	O.M.	ดี	-	เหลืองสด	-
	I.S.	น้อย	-	เหลืองสด	-
	T.A.	น้อย	-	เหลืองอมม่วง	-
	Gly.A.	น้อย	-	เหลืองสด	-
	Glu.A.	น้อย	-	เหลืองสด	-
	Cz.sucrose	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	N.A.	ดี	-	เหลืองสด	-
P.I.A.	ดี	-	เหลืองสด	-	

ตารางที่ 7 ลักษณะการเจริญและต้นฐานวิทยาของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์บนอาหารแข็งชนิดต่างๆ (ต่อ)

รหัสเชื้อ	อาหาร	การเจริญ	ลักษณะสีของเส้นใยอากาศ	ลักษณะสีของเส้นใยอาหาร	สีรงควัตถุที่สร้าง
PK3-343	Y.M.	ดี	-	เหลืองสด	เหลือง
	O.M.	ดี	-	เหลืองสด	-
	I.S.	น้อย	-	เหลืองสด	-
	T.A.	ปานกลาง	-	เหลืองสด	-
	Gly.A.	ดี	-	เหลืองสด	-
	Glu.A.	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	Cz.sucrose	ปานกลาง	-	เหลืองสด	-
	N.A.	ดีมาก	-	เหลืองสด	-
	P.I.A.	ปานกลาง	-	ขาวแกมน้ำเงิน	-
CP2-5	Y.M.	ปานกลาง	-	ขาวอมเหลือง	-
	O.M.	ปานกลาง	-	ขาวอมเหลือง	-
	I.S.	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	T.A.	ดี	-	ขาวอมเทา	-
	Gly.A.	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	Glu.A.	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	Cz.sucrose	น้อย	-	ขาวอมเทา	-
	N.A.	ดี	-	ขาวอมเหลือง	-
	P.I.A.	ดี	-	ขาวอมเหลือง	-
PK2-29	Y.M.	ปานกลาง	-	ขาวอมเหลือง	-
	O.M.	น้อย	-	ขาวอมเหลือง	-
	I.S.	น้อย	-	ขาวอมเหลือง	-
	T.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้มอมแดง	-
	Gly.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้มอมแดง	-
	Glu.A.	ปานกลาง	-	ส้มเข้มอมแดง	-
	Cz.sucrose	ปานกลาง	-	ชมพูอมม่วง	-
	N.A.	น้อย	-	ส้มเข้มอมแดง	-
	P.I.A.	น้อย	-	ขาวอมเหลือง	-

หมายเหตุ

Y.M. = Yeast extract malt extract agar, O.M. = Oatmeal agar,

I.S. = Inorganic salts starch agar, T.A. = Tyrosine agar,

Gly.A. = Glycerol-Asparagine agar, Glu.A. = Glucose-Asparagine agar,

Cz.sucrose = Czapek sucros agar, N.A. = Nutrient agar and P.I.A. = Peptone iron agar,

- = ไม่สร้างเส้นใยอากาศหรือรงควัตถุ

4.3.2 ลักษณะทางสรีรวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอสเพอติโนมัยซีทส์

เมื่อทำการตรวจสอบทางสรีรวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอสเพอติโนมัยซีทส์ทั้ง 25 ไอโซเลต จากนั้นทำการจัดกลุ่มโดยใช้ลักษณะการเจริญและสรีรวิทยาของเชื้อ, การสร้างรงควัตถุและลักษณะของสปอร์บนอาหาร Yeast extract-malt extract (YM) สามารถจัดกลุ่มเชื้อแอสเพอติโนมัยซีทส์ทั้ง 25 ไอโซเลตได้ 12 กลุ่ม ดังแสดงในตารางที่ 8 และ 9 ดังนี้

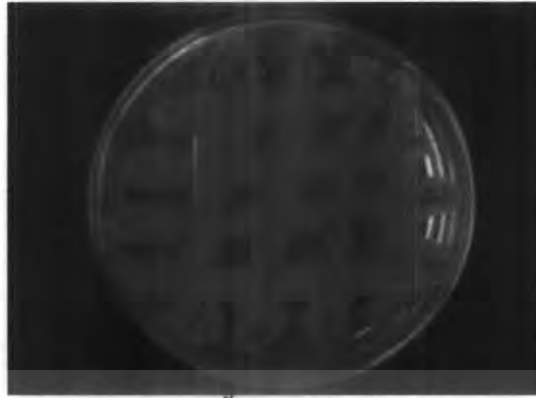
กลุ่มที่ 1 เป็นกลุ่มของเชื้อแอสเพอติโนมัยซีทส์ที่สร้างเส้นใยอากาศสีม่วงอมเทา, เส้นใยอาหารสีเขียวใบไม้, ไม่มีการสร้างรงควัตถุและลักษณะสปอร์เป็นสายโซ่ยาวแบบเกลียว (Spiral type) ได้แก่ CP3-13, PK3-16, PK4-91, PK5-212, RN3-114-1

ไอโซเลต CP3-13 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 5-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต CP3-13 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 9 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสเพอติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP3-13

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 10 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP3-13



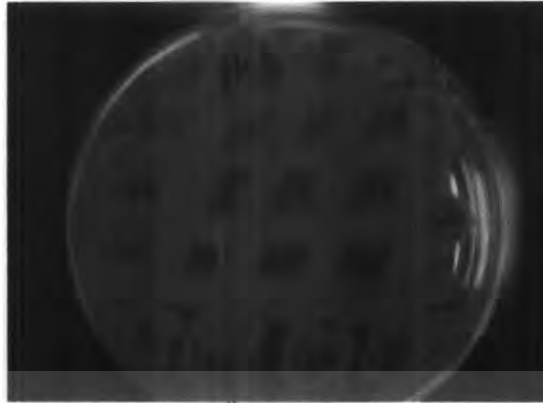
รูปที่ 11 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP3-13

ไอโซเลต PK3-16 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 37 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK3-16 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 12 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-16

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 13 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-16



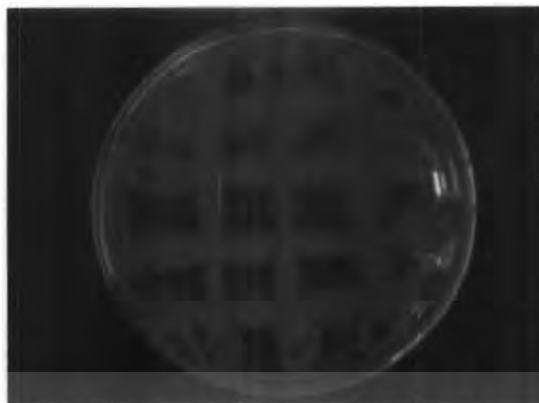
รูปที่ 14 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-16

ไอโซเลต PK4-91 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK4-91 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้

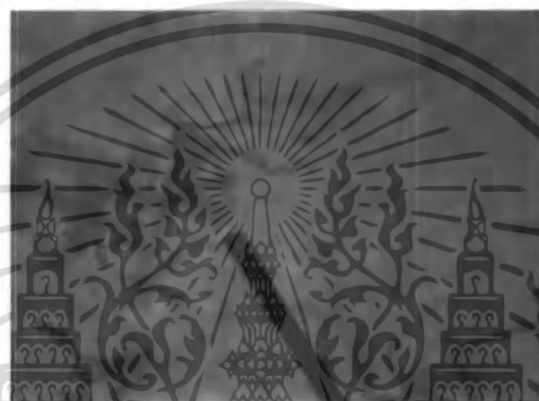


รูปที่ 15 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-91

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 16 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-91



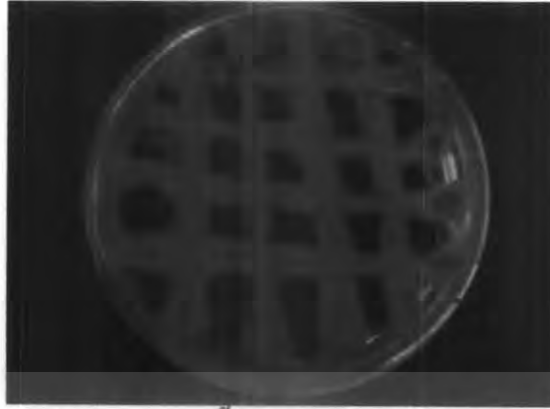
รูปที่ 17 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-91

ไอโซเลต PK5-212 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 37 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK5-212 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 18 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK5-212

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

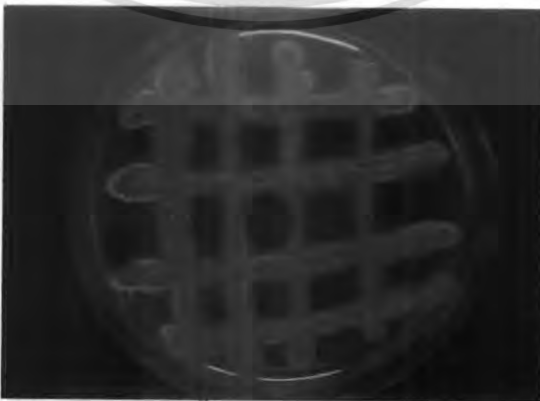


รูปที่ 19 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK5-212



รูปที่ 20 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK5-212

ไอโซเลต RN3-114-1 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 5-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต RN3-114-1 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 21 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-1

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



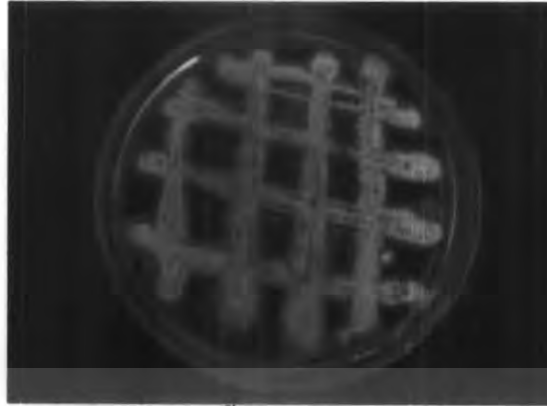
รูปที่ 22 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-1



รูปที่ 23 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-1

กลุ่มที่ 2 เป็นกลุ่มของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ที่สร้างเส้นใยอากาศสีม่วงอมเทา, เส้นใยอาหารสีน้ำตาล, ไม่มีการสร้างรงควัตถุและลักษณะสปอร์เป็นสายโซ่ยาวแบบเกลียว (Spiral type) ได้แก่ CH3-33, KB3-40, PK1-79, PK2-71, PK4-1, RN3-114

ไอโซเลต CH3-33 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 5-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต CH3-33 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 24 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-33



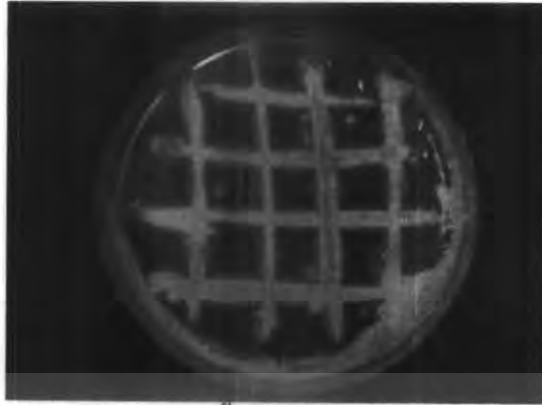
รูปที่ 25 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-33



รูปที่ 26 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-33

ไอโซเลต KB3-40 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต KB3-40 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 27 เส้นใยอากาศของเชื้อแบคทีเรีย Clostridium botulinum สายพันธุ์ KB3-40



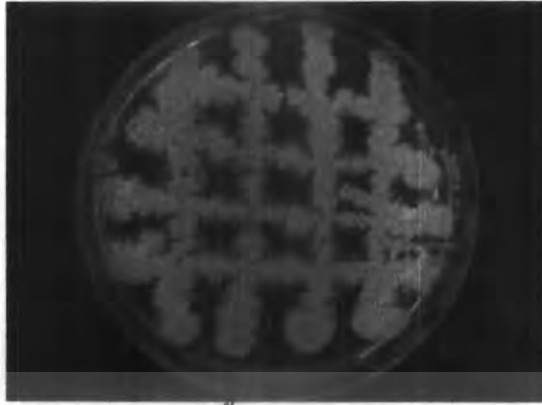
รูปที่ 28 เส้นใยอาหารของเชื้อแบคทีเรีย Clostridium botulinum สายพันธุ์ KB3-40



รูปที่ 29 สปอร์ของเชื้อแบคทีเรีย Clostridium botulinum สายพันธุ์ RN3-114-1

ไอโซเลต PK1-79 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK1-79 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 30 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK1-79



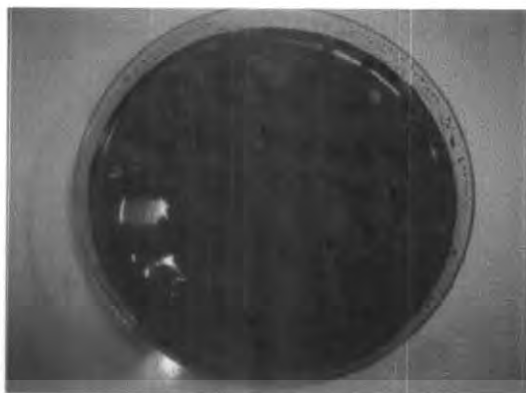
รูปที่ 31 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK1-79



รูปที่ 32 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK1-79

ไอโซเลต PK2-71 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 45 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK2-71 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 33 เส้นใยอากาศของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ไอโซเลต PK2-71



รูปที่ 34 เส้นใยอาหารของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ไอโซเลต PK2-71



รูปที่ 35 สปอร์ของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ไอโซเลต PK2-71

ไอโซเลต PK4-1 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-6 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK4-1 สามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 36 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-1



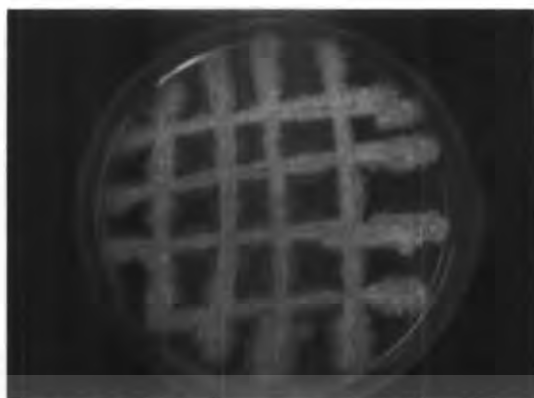
รูปที่ 37 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-1



รูปที่ 38 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-1

ไอโซเลต RN3-114 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต RN3-114 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 39 เส้นใยอากาศของเรือแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114



รูปที่ 40 เส้นใยอาหารของเรือแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114



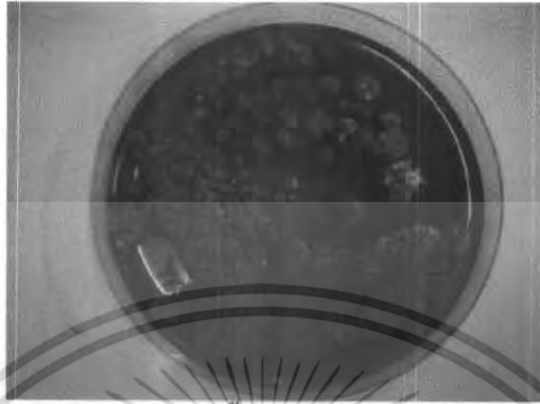
รูปที่ 41 สปอร์ของเรือแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114

กลุ่มที่ 3 เป็นกลุ่มของเรือแอคติโนมัยซีทส์ที่สร้างเส้นใยอากาศสีม่วงอมเทา, เส้นใยอาหารสีน้ำตาล, มีการสร้างรงควัตถุสีเหลืองส้มและลักษณะสปอร์เป็น โซ่ยาวแบบเกลียว (Spiral type) ได้แก่ RN3-4

ไอโซเลต RN3-4 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 37 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต RN3-4 สามารถเปลี่ยน

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ในเครทเป็นไนโตรที่ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 42 เส้นใยอากาศของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-4



รูปที่ 43 เส้นใยอาหารของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-4



รูปที่ 44 สปอร์ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-4

กลุ่มที่ 4 เป็นกลุ่มของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ที่สร้างเส้นใยอากาศสีขาวอมเทา, เส้นใยอาหารสีส้ม, ไม่มีการสร้างรงควัตถุและลักษณะสปอร์เป็นสายโซ่ยาวแบบแตกกิ่งก้าน (fragmenting branched aerial hypha) ได้แก่ RN1-7, TR2-2

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไอโซเลต RN1-7 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ ร้อยละ 6 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-5 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งได้ พบว่าไอโซเลต RN1-7 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 45 เส้นใยอากาศของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-7



รูปที่ 46 เส้นใยอาหารของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-7

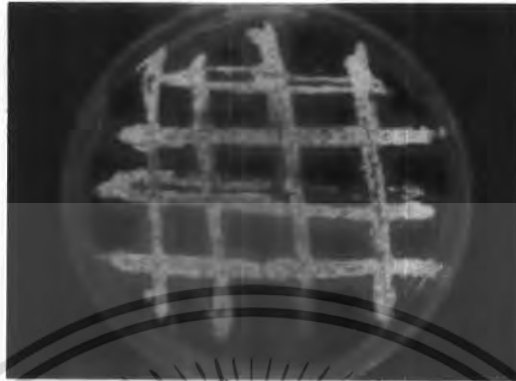


รูปที่ 47 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-7

ไอโซเลต TR2-2 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 45 องศา

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เซลล์เซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมได้ พบว่าไอโซเลต TR2-2 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 48 เส้นใยอากาศของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ไอโซเลต TR2-2



รูปที่ 49 เส้นใยอาหารของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ไอโซเลต TR2-2



รูปที่ 50 สปอร์ของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ไอโซเลต TR2-2

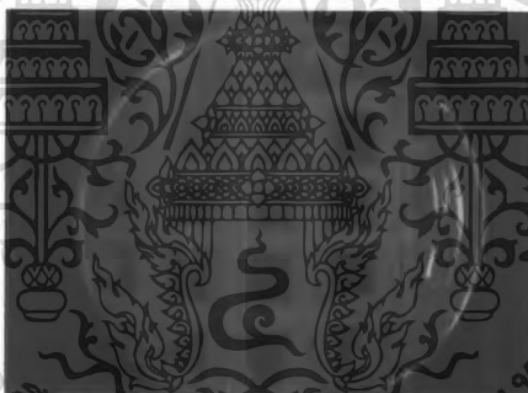
กลุ่มที่ 5 เป็นกลุ่มของเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus thuringiensis* ที่สร้างเส้นใยอากาศสีขาวอมเทา, เส้นใยอาหารสีส้ม, มีการสร้างรงควัตถุสีเหลืองส้มและลักษณะสปอร์เป็นสายโซ่ยาวแบบเกลียว (Spiral type) ได้แก่ CH4-414

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไอโซเลต CH4-414 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 5-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต CH4-414 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 51 เส้นใยอากาศของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH4-414



รูปที่ 52 เส้นใยอาหารของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH4-414



รูปที่ 53 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH4-414

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 6 เป็นกลุ่มของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่สร้างเส้นใยอากาศสีขาวอมเทา, เส้นใยอาหารสีส้ม, มีการสร้างรงควัตถุสีเหลืองส้มและลักษณะสปอร์เป็นสายโซ่ยาวแบบเกลียว (Spiral type) ได้แก่ CP2-3

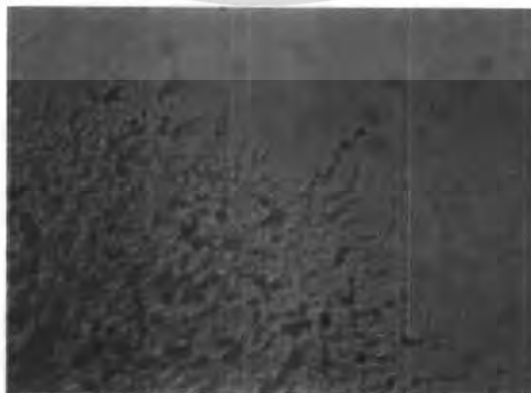
ไอโซเลต CP2-3 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-5 อุณหภูมิต่ำสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต CP2-3 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 54 เส้นใยอากาศของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-3



รูปที่ 55 เส้นใยอาหารของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-3



รูปที่ 56 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-3

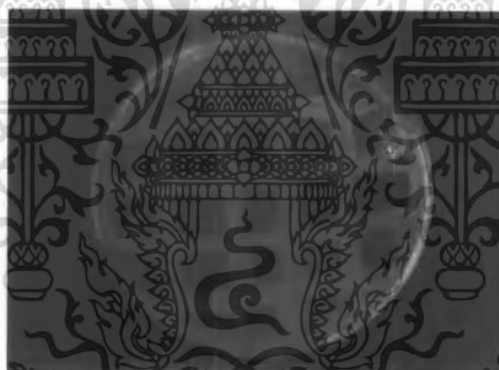
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 7 เป็นกลุ่มของเชื้อแอคทีโนมัยซีทส์ที่สร้างเส้นใยอากาศสีขาวอมเทา, เส้นใยอาหารสีส้ม, ไม่มีการสร้างรงควัตถุและลักษณะสปอร์เป็นแบบมีถุงหุ้มสปอร์ ได้แก่ RN3-114-3

ไอโซเลต RN3-114-3 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิต่ำสุดที่เจริญได้คือ 45 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายแป้งได้ พบว่าไอโซเลต RN3-114-3 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 57 เส้นใยอากาศของเชื้อแอคทีโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-3



รูปที่ 58 เส้นใยอาหารของเชื้อแอคทีโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-3



รูปที่ 59 สปอร์ของเชื้อแอคทีโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN3-114-3

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 8 เป็นกลุ่มของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ที่ไม่สร้างเส้นใยอากาศ, เส้นใยอาหารที่สัมผัส, มีการสร้างรงควัตถุสีเหลืองและลักษณะสปอร์กลมเดี่ยวอยู่บนเส้นใยอาหาร ได้แก่ CH3-339, PK2-35

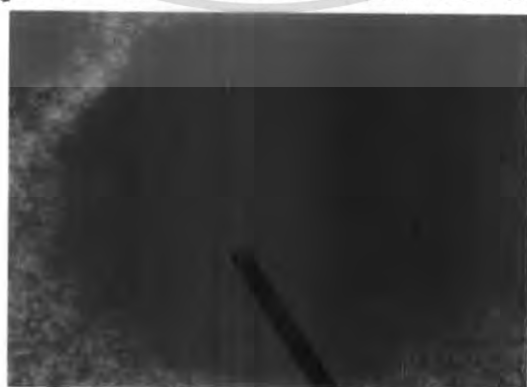
ไอโซเลต CH3-339 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 6 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-6 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งได้ พบว่าไอโซเลต CH3-339 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้ และสามารถสร้างสารออกมายับยั้งการเจริญของเชื้อ *B.subtilis*, *M.luteus*, *S.aureus*, *E.coli*, *Ps.aeruginosa* และ *C.albicans* ได้



รูปที่ 60 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339



รูปที่ 61 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339



รูปที่ 62 สปอร์ของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไอโซเลต PK2-35 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 5 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-6 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK2-35 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 63 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-35



รูปที่ 64 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-35



รูปที่ 65 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-35

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 9 เป็นกลุ่มของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่ไม่สร้างเส้นใยอากาศ, เส้นใยอาหารสีส้ม, ไม่มีการสร้างรงควัตถุและไม่มีการสร้างสปอร์บนอาหาร YM (ISP2) เมื่อเลี้ยงเป็นเวลา 2 สัปดาห์ ได้แก่ PK3-92

ไอโซเลต PK3-92 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 6 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-5 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้ พบว่าไอโซเลต PK3-92 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 66 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92



รูปที่ 67 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92



รูปที่ 68 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 10 เป็นกลุ่มของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ที่ไม่สร้างเส้นใยอากาศ, เส้นใยอาหารสีส้ม, มีการสร้างรงควัตถุสีเหลืองและไม่มีการสร้างสปอร์บนอาหาร YM (ISP2) เมื่อเลี้ยงเป็นเวลา 2 สัปดาห์ ได้แก่ RN1-712

ไอโซเลต RN1-712 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 2 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-5 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 37 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้



รูปที่ 69 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-712



รูปที่ 70 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-712



รูปที่ 71 สปอร์ของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต RN1-712

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 11 เป็นกลุ่มของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่ไม่สร้างเส้นใยอากาศ, เส้นใยอาหารสีเหลืองสด, ไม่มีการสร้างรงควัตถุและไม่สร้างสปอร์ ได้แก่ PK3-117, PK3-343

ไอโซเลต PK3-117 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 4 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-6 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้



รูปที่ 72 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-117



รูปที่ 73 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-117



รูปที่ 74 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-117

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไอโซเลต PK3-343 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 4 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-4.5 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 37 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งรวมทั้งเจลาตินได้



รูปที่ 75 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-343



รูปที่ 76 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-343



รูปที่ 77 สปอร์ของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-343

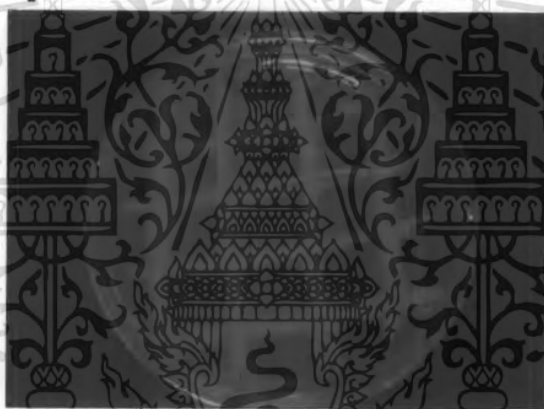
กลุ่มที่ 12 เป็นกลุ่มของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ที่ไม่สร้างเส้นใยอากาศ, เส้นใยอาหารสีขาวอมเหลือง ได้แก่ CP2-5, PK2-29

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไอโซเลต CP2-5 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ ร้อยละ 4 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4.5-6 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้



รูปที่ 78 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-5



รูปที่ 79 เชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-5



รูปที่ 80 สปอร์ของเชื้อแอกติโนมัยซีทส์ไอโซเลต CP2-5

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไอโซเลต PK2-29 สามารถเจริญบนอาหาร YM (ISP2) ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 เจริญในช่วงความเป็นกรด-ด่างที่พีเอช 4-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนมรวมทั้งเจลาตินได้พบว่าไอโซเลต PK2-29 สามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ได้



รูปที่ 81 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-29



รูปที่ 82 เชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-29



รูปที่ 83 สปอร์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK2-29

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 8 ลักษณะทางสรีระวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอคติโนมัยซีท

กลุ่มที่	รหัสเชื้อ	ความเข้มข้นของเกลือ(%)									พีเอช		อุณหภูมิ (°C)					Skim milk		Gelatin liquefaction	Nitrate reduction	Starch hydrolysis	Antimicrobial activities																												
		1.5	2	3	4	5	6	7	4	4.5	5	6	9	20	37	40	45	50	Peptonization				Coagulation	<i>B. subtilis</i>	<i>M. luteus</i>	<i>S. aureus</i>	<i>E. coli</i>	<i>P. aeruginosa</i>	<i>C. albicans</i>																						
1	CP3-13	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+									
	PK3-16	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+					
	PK4-91	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+				
	PK5-212	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+			
	RN3-114-1	+	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+				
2	CH3-33	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+		
	KB3-40	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
	PK1-79	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
	PK2-71	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
	PK4-1	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
3	RN3-114	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
	RN3-4	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
4	RN1-7	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+
	TR2-2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 9 การใช้แหล่งคาร์บอนของเชื้อแอกคิโนไมซีทีทส์

แหล่งคาร์บอน	กลุ่มที่																									
	1				2				3	4	5	6	7	8	9	10	11	12								
Utilization of :	PK3-13	PK3-16	PK4-91	PK5-212	RN3-114-1	CH3-33	KB3-40	PK1-79	PK2-71	PK4-1	RN3-114	RN3-4	RN1-7	TR2-2	CH4-14	CP2-3	RN3-114-3	CH3-339	PK2-35	PK3-92	RN1-712	PK3-117	PK3-343	CP2-5	PK2-29	
D-mannitol	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+
D-ribose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+
L-rhamnose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+
D-melibiose	-	-	±	-	-	+	+	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
D-raffinose	-	-	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	±	±	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
Glycerol	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
Salicin	-	+	+	+	-	-	-	+	-	+	-	-	-	+	±	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
Lactose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
D-galactose	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
L-arabinose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
Cellobiose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
D-fructose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	±	±	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	
D-xylose	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	

หมายเหตุ + = positive reaction, - = negative reaction, ± = weakly reaction

4.4 ผลการวิเคราะห์ลำดับเบสบนสายดีเอ็นเอในช่วง 16S rRNA gene และการวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ

จากข้อมูลการเจริญ สรีระวิทยา และชีวเคมี ตลอดจนการทดสอบฤทธิ์การต้านเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบเบื้องต้น ได้ทำการเลือกเชื้อแอคติโนมัยซีท์ไฮโซเลตที่น่าสนใจมา 6 ไฮโซเลต คือ PK3-117 PK3-92 CH3-339 RN3-4 PK4-1 และ RN1-7 เพื่อทำการวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ในช่วง 16s rRNA gene เนื่องจากเชื้อทั้งหกไฮโซเลตมีฤทธิ์ยับยั้งการเจริญเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบอย่างมีประสิทธิภาพและมีลักษณะที่ของโคโลนีที่น่าสนใจ ต่างจากไฮโซเลตอื่นๆ พบว่าเชื้อแอคติโนมัยซีท์

ไฮโซเลต CH3-339 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Micromonospora endolithica* DSM 44398^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 97.5 (ดังตารางที่ 10) ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 56 (ดังรูปที่ 84)

ไฮโซเลต PK3-117 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Agromyces mediolanus* DSM 20152^T และ *Agromyces aurantiacus* DSM 14598^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 97.4 (ดังตารางที่ 11) ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 61 (ดังรูปที่ 85)

ไฮโซเลต PK3-92 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Actinomadura mexicana* DSM 44485^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 99.2 (ดังตารางที่ 12) ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 9 (ดังรูปที่ 86)

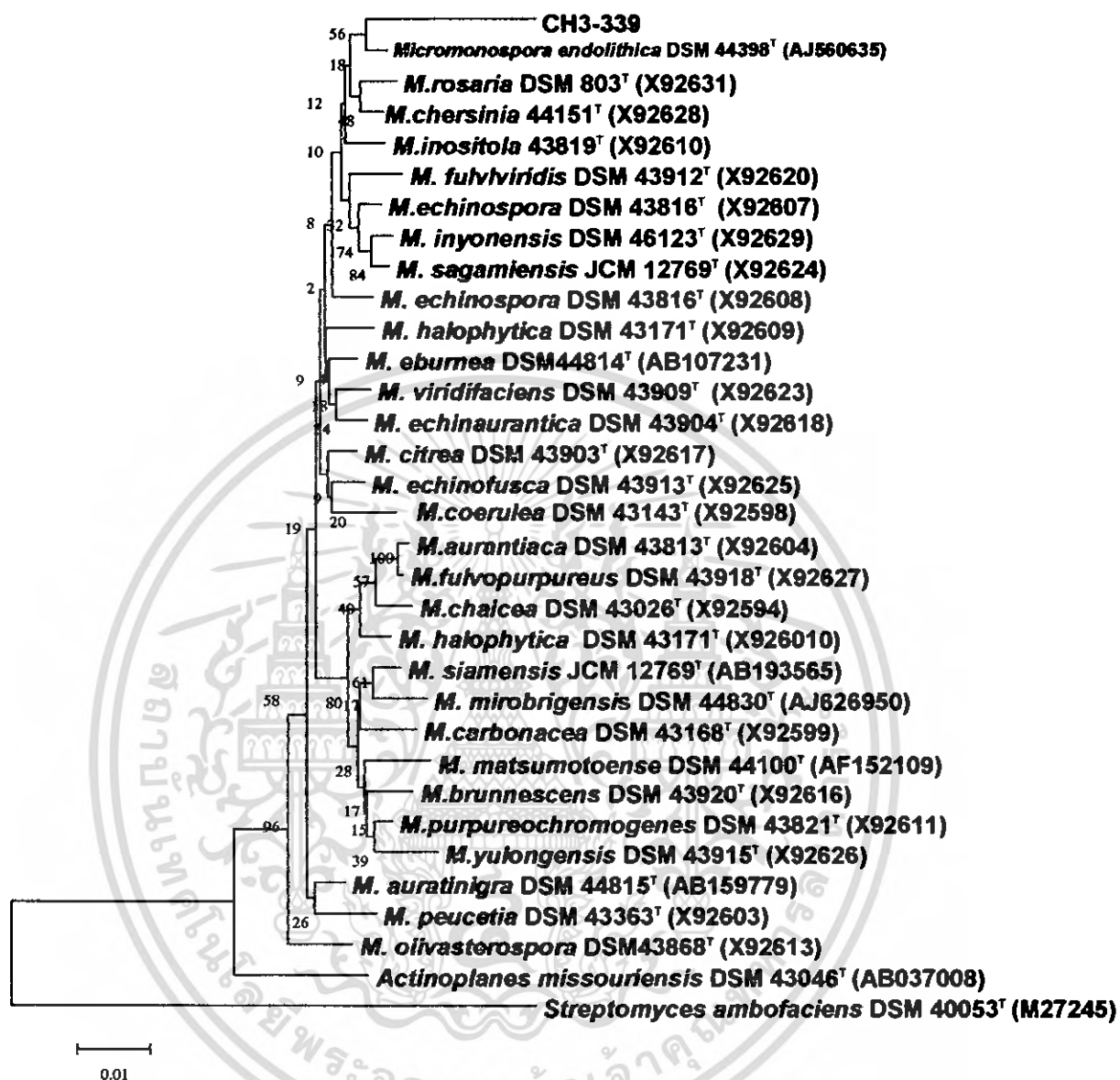
ไฮโซเลต RN3-4 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces parvulus* DSM 40048^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 99.7 (ดังตารางที่ 13) ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 99 (ดังรูปที่ 87)

ไฮโซเลต RN1-7 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces rubrogriseus* DSM 41477^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 98.8 (ดังตารางที่ 14) ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 51 (ดังรูปที่ 88)

ไฮโซเลต PK4-1 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces albus* subsp. *albus* DSM 40313^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 97.4 (ดังตารางที่ 15) ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 87 (ดังรูปที่ 89)

ตารางที่ 10 ตารางแสดงค่าความคล้ายคลึง (similarity value) ของเชื้อไฮไลต์ CH3-339 เทียบกับเชื้อ *Micromonospora* สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด

	<i>M. stamensis</i> JCM 12769 ^T	100	98.9	98.8	98.3	98.7	97.9	98.5	98.6	98.3	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>Micromonospora stamensis</i> JCM 12769 ^T	98.9	100	98	98.3	98.7	98.0	98.5	98.6	98.3	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. microbigena</i> DSM 4420 ^T	98.8	98	100	98	98.6	98.4	98.3	98.4	98.3	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. austriacensis</i> DSM 44100 ^T	98.3	98	100	98	98.5	98.2	98.5	98.2	98.3	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. eburae</i> DSM 44814 ^T	98.3	98	98	100	98.3	98.1	98.1	98.2	98	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. parvibacilliformis</i> DSM 43821 ^T	98.7	98.6	98.5	98.3	100	98.9	99	98.6	99.2	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. japonensis</i> DSM 43915 ^T	97.9	98	98.3	97.7	98.9	100	98.5	98.3	98.5	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. tramsnensis</i> DSM 43920 ^T	98.5	98.3	98.5	98.1	99	98.5	100	98.7	98.5	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. carbonacea</i> D: M 43168 ^T	98.6	98.4	98.2	98.2	98.6	98.3	98.7	98.4	98.4	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. americana</i> DSM 43813 ^T	98.3	98.3	97.9	98	99.2	98.5	98.5	98.4	99.8	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. fulvoviridis</i> DSM 43918 ^T	98.4	98.3	98	98.1	99.3	98.5	98.5	98.5	99.8	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. chubica</i> DSM 43026 ^T	98.5	97.7	98.1	98.1	98.5	97.9	98	97.9	99.1	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. holophylla</i> DSM 43171 ^T	98.5	98.4	98.1	98.6	99.1	98.3	98.6	98.8	99.1	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. inyoensis</i> DSM 40123 ^T	98	97.5	97.2	98.8	97.6	96.9	97.7	97.6	97.6	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. zugmensis</i> JCM 12769 ^T	98	97.5	97.2	98.8	97.7	97	97.5	97.7	97.7	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. chacoensis</i> DSM 43816 ^T	98.1	97.7	97.3	98.9	97.8	97.2	98	98	99.7	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. fulvoviridis</i> DSM 43912 ^T	98.4	97.3	97.5	98.5	97.7	96.6	97.7	97.3	97.4	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	CH3-339	96.4	95.6	96.2	96.8	95.2	95.8	96.6	96.4	95.8	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. rosaria</i> DSM 803 ^T	98.2	97.4	98	98.7	98.1	97.4	97.6	97.7	98.1	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. cherticola</i> 44151 ^T	98.3	97.3	98	98.8	98.2	97.5	98	97.6	97.6	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. endobiblica</i> DSM 44398 ^T	98.3	97.5	98	98.7	98.1	97.4	98	97.5	97.9	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. velutigena</i> DSM 43909 ^T	97.9	98	97.5	99.1	98.3	97.5	98	98.4	98	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. echinamantica</i> DSM 43904 ^T	98	98	97.4	99.1	98.4	97.6	98	98.2	98.3	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. thorbolia</i> 43819 ^T	98.1	97.3	97.7	98.7	98	97.2	97.7	97.9	97.7	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. echinospora</i> DSM 43816 ^T	98.1	97.8	97.5	98.8	98.1	97.5	98	98.2	98	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. holophylla</i> DSM 43171 ^T	97.9	97.7	97.3	99	98.2	97.6	97.5	97.8	98.2	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. echinospora</i> DSM 43913 ^T	98.1	98	97.4	98.9	98.3	97.7	97.7	97.8	98.3	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100
	<i>M. coronata</i> DSM 43143 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.5	97.5	<i>M. rubiginosa</i> DSM 44830 ^T	97.6	97.9	97.2	98.3	98.3	98	97.6	97.7	98.1	98.2	98.2	98.2	98.2	98.7	100



รูปที่ 84 แสดงลักษณะของ Phylogenetic trees ของเชื้อแอคทีโนมัยซีทส์ไอโซเลต CH3-339

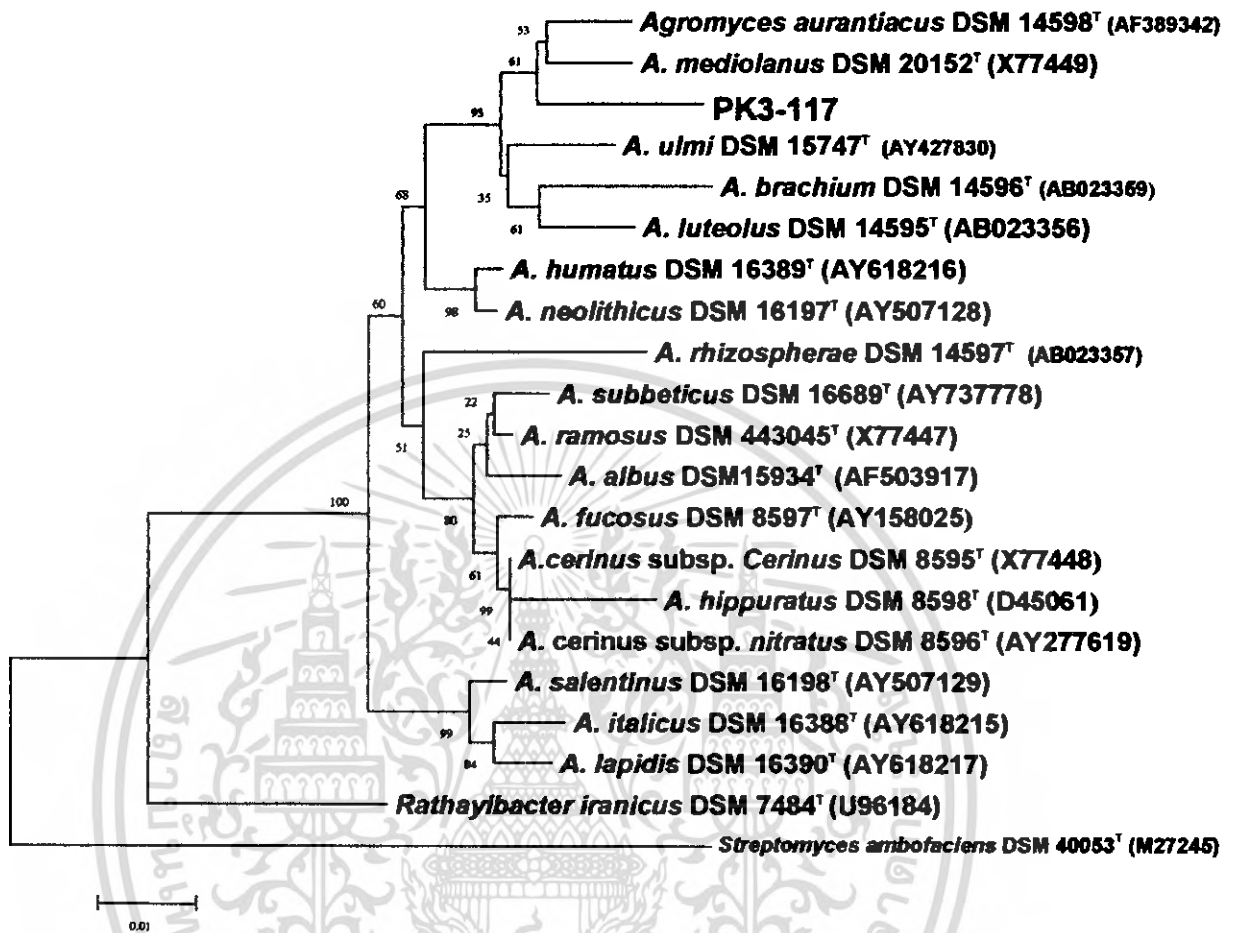
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 11 ตารางแสดงค่าความคล้ายคลึง (similarity value) ของเชื้อไฮโดรไลต์ PK3-117 เทียบกับเชื้อ *Agromyces* สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด

	<i>A. guineensis</i> DSM 14598 ¹	98.3	97.4	96.7	97.8	97.3	96.9	97.1	96.5	96.1	95.3	95.7	96.7	96.5	96.7	96.5	96.6	96.5	95.9	95.6	93.7	
<i>Agromyces samuilovii</i> DSM 14398 ⁷		100																				
<i>A. medii</i> DSM 20152 ⁷		98.3	100	96	97.3	98	96.7	97.1	96.4	97.1	95.9	96.2	96.6	96.6	96.6	96.5	96.6	96.6	96	95.9	93.6	
PK3-117		97.4	97.4	95.5	97.3	96.8	95.9	96.4	95.7	95.1	95	95.2	96	96	96	95.8	96	96	95.3	94.9	93.2	
<i>A. brechium</i> DSM 14596 ¹		96.7	100	97.3	97.3	96.8	96.6	96.9	96.5	94.5	95.1	95.2	96.4	95.6	96.4	96	95.9	96.2	95.3	95	92.6	
<i>A. brechium</i> DSM 14596 ²		96.7	96	100	97.3	96.8	96.6	96.9	96.5	94.5	95.1	95.2	96.4	95.6	96.4	96	95.9	96.2	95.3	95	92.6	
<i>A. brechium</i> DSM 14595 ³		97.8	97.3	97.3	100	97.8	97.1	97.3	96.6	95.1	95.5	96.2	96.4	96.4	96.4	96.5	96.8	96.9	96.2	95.6	92.6	
<i>A. medii</i> DSM 15747 ¹		97.3	98	96.8	97.8	100	97.7	98.1	96.9	96	96.4	96.6	96.6	96.5	96.5	96.8	96.8	96.1	96.1	95.5	92.9	
<i>A. humicola</i> DSM 16389 ⁷		96.9	96.7	95.9	96.6	97.1	100	99.5	98.7	96.6	97.4	97.5	97.5	97.7	97.7	98.1	97.7	98.2	97.5	96.1	93.5	
<i>A. medii</i> DSM 16197 ¹		97.1	97.1	96.4	96.9	98.1	99.5	100	98.6	96.6	97.3	97.5	97.7	97.7	98	98.1	97.7	98.3	97.5	96.4	93.6	
<i>A. subbotinii</i> DSM 16689 ⁷		96.5	96.4	95.7	96.5	96.9	98.7	98.6	100	96.6	97.2	97.5	98.7	98.7	99.2	98.7	98.7	99.3	98.6	96.4	93.9	
<i>A. halicus</i> DSM 16388 ⁷		96.1	97.1	95.1	94.5	96	96.6	96.6	96.6	100	98.7	98.6	96.4	96.4	96.7	96.4	96.5	95.6	95.6	95.3	94.3	
<i>A. lapidib</i> DSM 16390 ⁷		95.3	95.9	95	95.1	96.4	97.4	97.3	97.2	98.7	100	99	95	96.4	96.4	96.4	96.8	96.1	95	95.9	93.9	
<i>A. salicinus</i> DSM 16198 ⁷		95.7	96.2	95.2	96.2	96.6	97.5	97.5	97.5	98.6	99	100	95.8	97.2	97	97.2	97.6	96.9	95.6	94.4	94.4	
<i>A. hypericinus</i> DSM 8595 ⁷		95.3	95.3	94.6	94.2	95	95.1	96.3	97.3	95	95	95.8	100	98.6	98.1	98.6	97.8	97.4	95.7	92.8	92.8	
<i>A. aceris</i> subsp. <i>Carabus</i> DSM 8595 ⁷		96.7	96.6	96	95.6	96.4	97.7	97.7	98.7	96.4	96.4	97.2	98.6	100	99.5	98.8	99.3	98.9	97.1	94.2	94.2	
<i>A. ficus</i> DSM 8597 ⁷		96.5	96.5	95.8	96.1	96.2	98.1	98	99.2	96.7	96.9	97	98.1	99.5	100	99.5	98.8	98.4	96.6	93.9	93.9	
<i>A. certinus</i> subsp. <i>nitrosus</i> DSM 8596 ⁷		96.7	96.6	96	95.6	96.4	97.7	97.7	98.7	96.4	96.4	97.2	98.6	99.5	100	99.3	98.9	98.9	97.1	94.2	94.2	
<i>A. ramosus</i> DSM 443045 ¹		96.5	96.6	96	95.9	96.8	98.2	98.3	99.3	96.5	96.8	97.6	97.6	99.3	98.8	99.3	100	99.1	97	94.2	94.2	
<i>A. albus</i> DSM15934 ¹		95.9	96	95.3	96.2	96.1	97.5	97.5	98.6	95.6	96.1	96.9	98.4	98.9	98.4	98.9	99.1	100	96.4	93.4	93.4	
<i>A. rhizosphericus</i> DSM 14597 ¹		95.6	95.9	94.9	95	95.6	96.1	96.4	96.4	95.3	95	95.6	97.1	97.1	96.6	97.1	97	96.4	100	93.5	93.5	
<i>R. bruciclus</i> DSM 7484 ¹		93.7	93.6	93.2	92.6	92.9	93.5	93.6	93.9	94.3	93.9	94.4	92.8	94.2	93.9	94.2	94.2	93.4	93.4	93.5	100	100

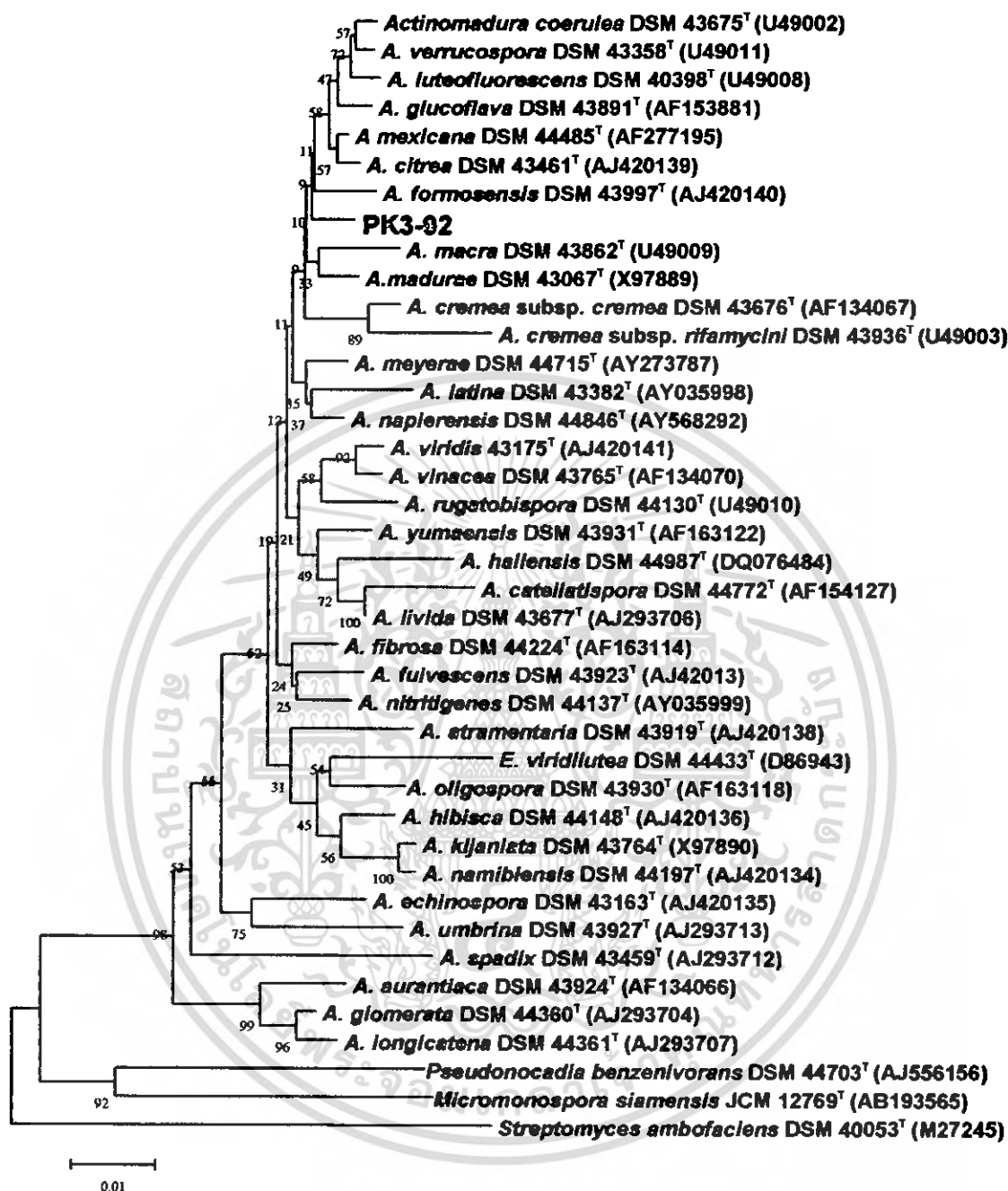
การนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับ
 วิทยาลัยเทคโนโลยีภาคใต้

การ
 ใช้



รูปที่ 85 แสดงลักษณะของ Phylogenetic trees ของเชื้อแอกติโนมัยซีทีไอ โซเลต PK3-117

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

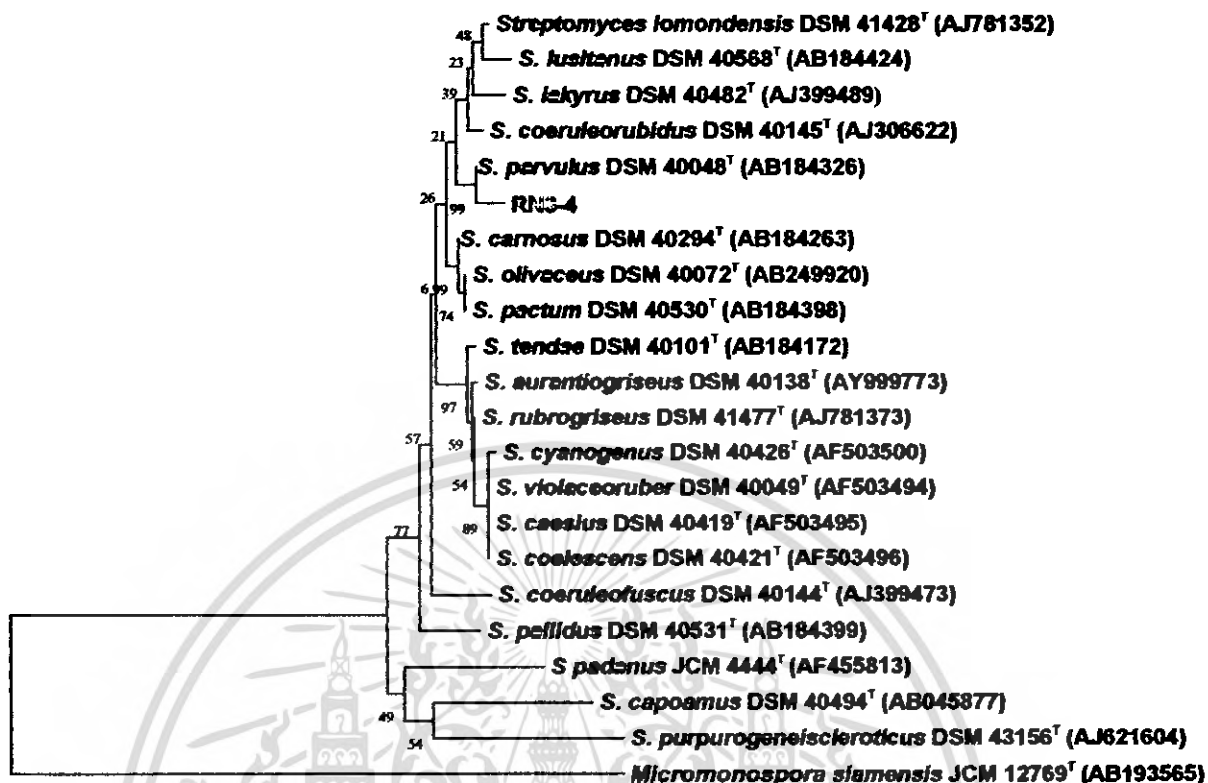


รูปที่ 86 แสดงลักษณะของ Phylogenetic trees ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK3-92

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 13 ตารางแสดงค่าความคล้ายคลึง (similarity value) ของเชื้อโคโนซเลต RN3-4 เทียบกับเชื้อ Streptomyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด

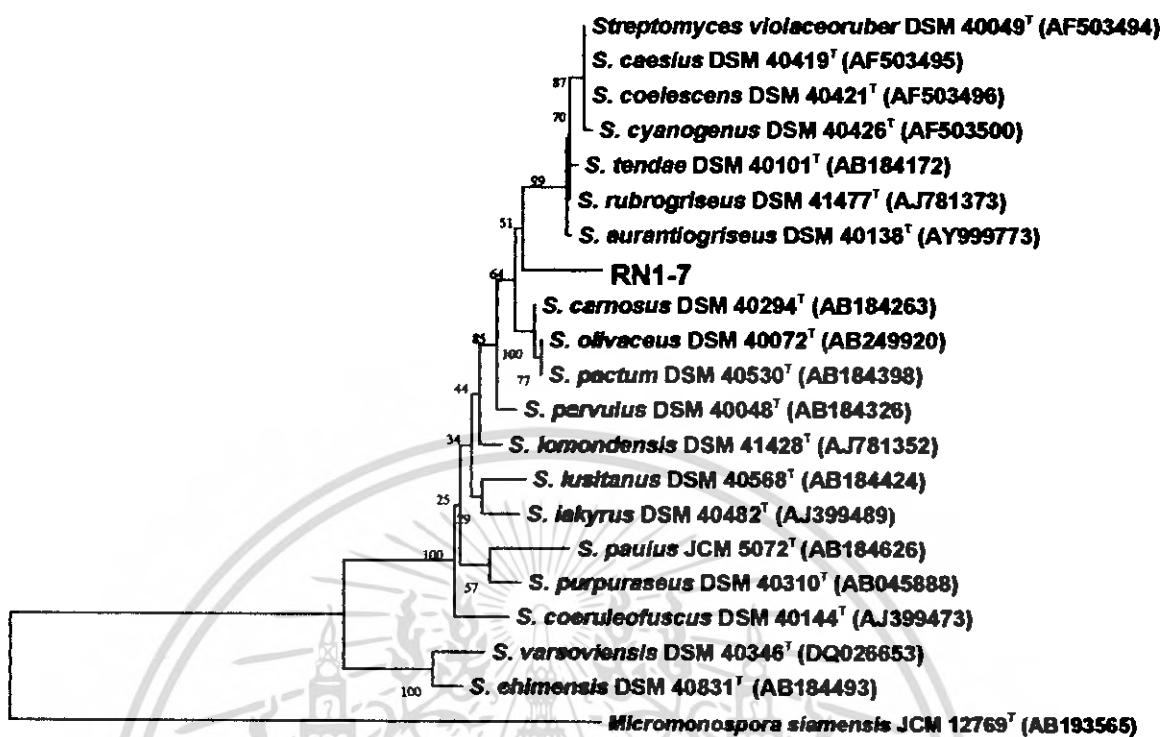
<i>Streptomyces labyrus</i> DSM 40482 ^T	100	99.4	98.9	99.3	99.4	99.3	99	99	99.1	99	98.6	98.5	98.8	98.8	98.8	98.8	98.5	96.9	97.2	96.9	97.2	96.3	96	89.6	
<i>S. coeruleorubidus</i> DSM 40145 ^T	99.4	100	98.9	99.5	99.4	99.4	99.1	99.5	99.5	99.4	98.8	98.9	99.1	99.1	99.1	99.1	98.9	96.9	97.4	96.9	97.4	96.3	96.2	96	89.8
<i>S. coeruleofuscus</i> DSM 40144 ^T	98.9	98.9	100	99.1	98.9	98.8	98.7	98.8	98.8	98.6	98.6	98.7	98.8	99	98.8	98.8	98.5	96.5	97.2	96.5	97.2	96.3	96.3	96.3	89.7
<i>S. lomondensis</i> DSM 41428 ^T	99.3	99.5	99.6	100	99.6	99.2	99.3	99.3	99.3	99.2	98.8	99.1	99.1	99.1	98.9	98.9	99.1	97.1	97.4	97.1	97.1	96.4	96.4	96.4	89.9
<i>S. lustratus</i> DSM 40568 ^T	99.4	99.4	99.4	99.6	100	99.3	99	99.6	99.6	99.6	99.3	99.3	99.6	99.6	98.9	98.3	98.4	97	97.4	97.7	97	96.3	96.3	96.3	89.8
<i>S. parvulus</i> DSM 40048 ^T	99.3	99.6	99.6	99.6	100	99.6	99.7	99.6	99.6	99.6	99.6	99.7	99.6	99.6	98.9	98.9	98.4	99	97.1	97.4	97	96.3	96.4	96.4	89.7
<i>S. olivaceus</i> DSM 40072 ^T	99	99.4	98.8	99.2	98.9	99.6	99.3	99.9	99.9	99.9	99.1	99.3	99.6	99.6	99.1	98.9	99.2	98.8	97.1	97.4	97	96.3	96.4	96.4	89.7
RN3-4	99	99.1	98.7	99.3	99	99.7	100	99.3	99.3	99.3	99.3	99.3	99.3	99.3	99.1	99.2	98.8	96.8	97.1	97.4	97	96.3	96.3	96.3	89.4
<i>S. carnosus</i> DSM 40294 ^T	99.1	99.5	98.8	99.3	99	99.6	99.3	100	99.9	99.9	99.2	99.9	99.9	99.9	99.2	99.3	98.8	97	97.3	97.3	97.2	96.5	96.6	96.6	89.5
<i>S. pactum</i> DSM 40530 ^T	99	99.4	98.8	99.2	98.9	99.6	99.3	99.9	99.9	100	99.1	99.3	99.6	99.6	99.2	99.3	98.8	96.8	97.5	97.5	97.2	96.5	96.5	96.5	89.6
<i>S. cyanogenus</i> DSM 40426 ^T	98.6	98.8	98.6	98.8	98.3	98.9	98.6	99.2	99.2	100	99.9	99.6	99.6	99.6	99.6	99.8	98.5	96.8	97.5	97.5	97.2	96.5	96.7	96.7	89.5
<i>S. caesioides</i> DSM 40419 ^T	98.5	98.9	98.7	98.8	98.4	99	98.7	99.3	99.3	99.9	99.9	99.2	99.2	99.2	99.7	99.7	98.6	96.8	97.5	97.5	97.2	96.5	96.8	96.8	89.4
<i>S. rubrogriseus</i> DSM 41477 ^T	98.7	99.1	98.8	99	98.5	99.1	98.8	99.4	99.4	99.4	99.8	99.6	99.6	99.6	99.9	99.9	98.8	96.7	97.5	97.7	97.7	96.9	96.9	96.9	89.4
<i>S. tendae</i> DSM 40101 ^T	98.8	98.9	99	99.1	98.7	99.3	99	99.3	99.3	99.2	99.9	98.8	98.8	98.8	99.9	99.9	98.8	96.7	97.7	97.7	97.7	96.9	96.9	96.9	89.4
<i>S. aurantigriseus</i> DSM 40136 ^T	98.8	99.1	98.8	98.9	98.7	99.1	98.8	99.4	99.4	99.3	99.6	99.7	99.7	99.7	99.7	99.7	98.6	96.7	97.8	97.8	97.8	96.9	96.9	96.9	89.4
<i>S. pallidus</i> DSM 40531 ^T	98.5	98.9	98.5	99.1	98.6	98.8	98.5	98.8	98.8	98.8	98.5	98.6	98.7	98.7	98.7	98.6	100	97.4	96.9	96.9	96.9	96.9	96.9	96.9	89.3
<i>S. capouanus</i> DSM 40494 ^T	96.9	96.9	96.5	97.1	97	97.1	96.8	97	97	98.8	98.5	98.6	98.6	98.6	98.7	98.7	100	97.4	96.9	96.9	96.9	96.7	96.7	96.7	89.5
<i>S. padanus</i> JCM 4444 ^T	97.2	97.4	97.2	97.4	97.7	97.4	97.1	97.3	97.3	97.2	97.5	96.7	96.7	96.7	96.9	96.9	96.7	100	97	97	97	96.3	96.3	96.3	88.2
<i>S. purpurogeniscleroticus</i> DSM 43156 ^T	96	96.2	96.3	96.4	96.3	96.4	96.5	96.6	96.6	96.5	96.7	96.8	96.9	96.9	96.9	96.9	96.9	96.9	97	97	97	96.3	96.3	96.3	89.1
<i>M. stamensis</i> JCM 12769 ^T	89.6	89.8	89.7	89.9	89.8	89.7	89.6	89.4	89.5	89.6	89.5	89.4	89.4	89.4	89.3	89.5	88.2	88.4	88.2	88.2	88.2	88.2	88.4	88.4	100



รูปที่ 87 แสดงลักษณะของ Phylogenetic trees ของเชื้อแอสคิโนไมซีทีลไฮโซเลต RN3-4

ตารางที่ 14 ตารางแสดงค่าความคล้ายคลึง (similarity value) ของเชื้อ โยโคเดด RN1-7 เทียบกับเชื้อ Streptomyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด

<i>S. varsovienis</i> DSM 40346 ^T	100	99.2	96.6	96.3	96.2	96.5	96.3	96.3	96.3	96.7	96.6	96.8	97	97	96.8	96.5	96.4	96.9	90.3
<i>S. chitimensis</i> DSM 40831 ^T	99.2	100	96.9	96.3	96.5	96.6	96.5	96.5	96.5	97	96.9	96.9	97.2	97.3	97.1	96.9	96.7	97.2	90.4
<i>S. olivaceus</i> DSM 40072 ^T	96.6	96.9	100	98.8	99	99.2	99.1	99.2	99.2	99.9	98.8	99.4	99	98.6	98.1	98.6	98.7	98.3	89.6
RN1-7	96.3	96.3	98.8	100	98.6	98.8	98.7	98.6	98.6	98.8	99.1	98.8	98.8	98.2	97.6	98	98.3	97.9	89.2
<i>S. cyanogenus</i> DSM 40426 ^T	96.2	96.5	99	98.6	100	99.8	99.7	99.6	99.6	99.9	99	99	99.1	98.1	97.5	98	98.4	98.1	89.5
<i>S. rubrogriseus</i> DSM 41477 ^T	96.5	96.6	99.2	98.8	99.8	100	99.9	99.9	99.9	99.9	99.2	99.1	98.9	98.3	97.8	98.3	98.5	98.4	89.5
<i>S. tendae</i> DSM 40101 ^T	96.3	96.5	99.1	98.7	99.7	100	99.8	99.8	99.8	99.7	99.2	99.2	98.8	98.2	97.6	98.1	98.4	98.3	89.3
<i>S. aurantiogriseus</i> DSM 40138 ^T	96.3	96.5	99.2	98.6	99.6	100	99.8	100	99.7	99.3	99.2	99	98.8	98.4	97.6	98.2	98.6	98.3	89.3
<i>S. violaceoruber</i> DSM 40049 ^T	96.3	96.4	99.1	98.6	99.9	99.8	99.8	99.7	100	99.1	99.1	98.8	98.8	98.1	97.6	98.1	98.3	98.2	89.4
<i>S. carnosus</i> DSM 40294 ^T	96.7	97	99.9	98.8	99.1	99.3	99.2	99.3	99.1	100	99.9	99.5	99.1	98.6	98.1	98.7	98.8	98.4	89.6
<i>S. pactum</i> DSM 40530 ^T	96.6	96.9	99.9	98.8	99	99.2	99.1	99.2	99.1	99.9	100	99.4	99	98.6	98.1	98.6	99	98.3	89.6
<i>S. parvulus</i> DSM 40048 ^T	96.8	96.9	99.4	98.8	98.8	99.1	98.9	99	98.8	99.5	99.4	100	99.4	99	98.4	99	99	98.5	89.8
<i>S. lomonensis</i> DSM 41428 ^T	97	97.2	99	98.8	98.7	98.9	98.8	98.8	98.8	99.1	99	99.4	99.4	99	99.4	99	99.1	98.7	90
<i>S. lustratus</i> DSM 40568 ^T	97	97.3	98.6	98.2	98.1	98.3	98.2	98.4	98.1	98.6	98.6	99	99.4	100	98.1	99	99.1	98.6	89.8
<i>S. paulus</i> JCM 5072 ^T	96.8	97.1	98.1	97.6	98	98.3	98.1	98.2	97.6	98.1	98.1	98.4	98.3	98.1	100	98.9	98.2	98.6	89.6
<i>S. purpuraceus</i> DSM 40310 ^T	96.5	96.9	98.6	98	98	98.3	98.1	98.2	98.1	98.7	98.6	99	99	99	98.9	100	98.7	98.3	89.6
<i>S. iakyrus</i> DSM 40482 ^T	96.4	96.7	98.7	98.3	98.4	98.5	98.4	98.6	98.3	98.8	98.7	99	99.1	99.1	98.2	98.7	100	98.5	89.7
<i>S. coeruleofuscus</i> DSM 40144 ^T	96.9	97.2	98.3	97.9	98.1	98.4	98.3	98.3	98.2	98.4	98.3	98.5	98.7	98.6	98.6	98.3	98.5	100	89.8
<i>M. siamensis</i> JCM 12769 ^T	90.3	90.4	89.6	89.2	89.5	89.5	89.3	89.3	89.4	89.6	89.6	89.8	90	89.8	89.6	89.6	89.7	89.8	100

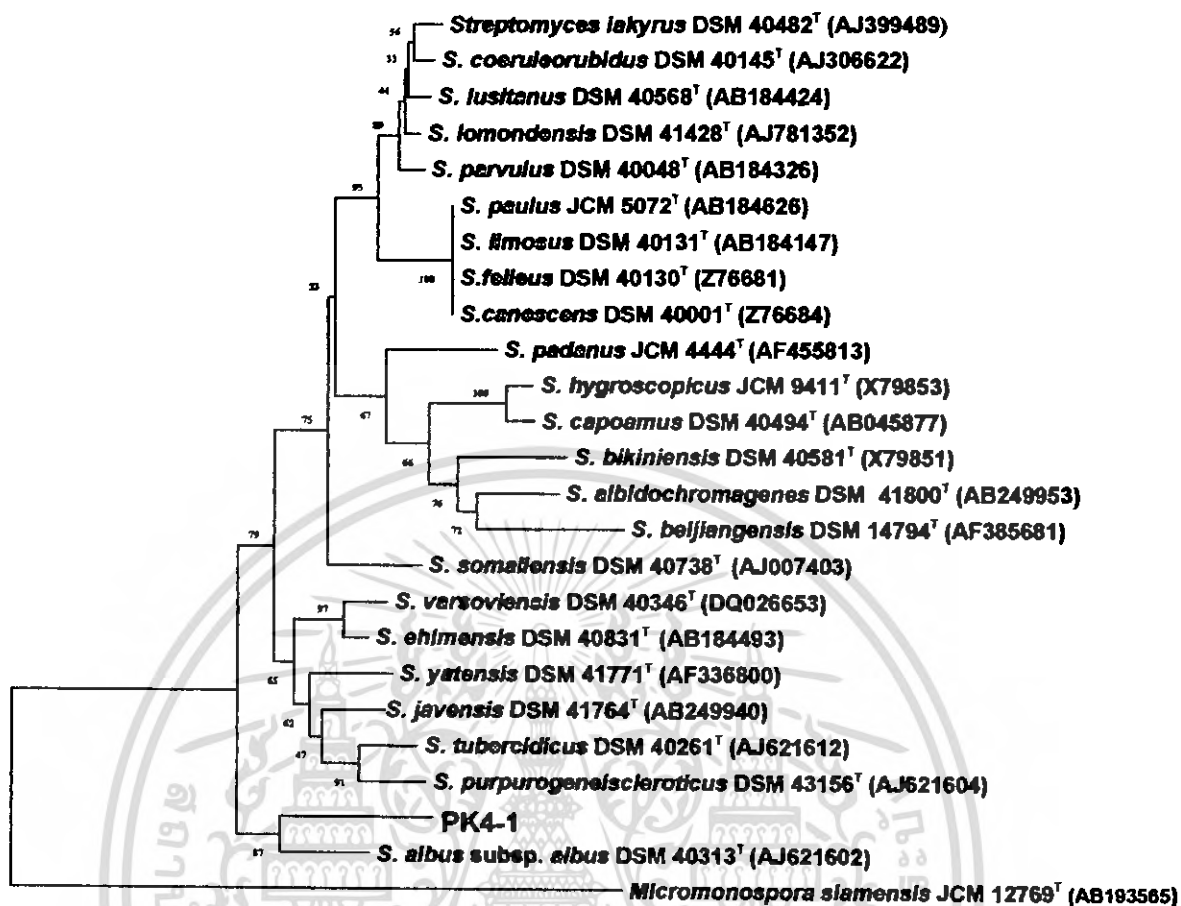


รูปที่ 88 แสดงลักษณะของ Phylogenetic trees ของเชื้อแอกติโนมัยซีทีไอ โซเลค RN1-7

ตารางที่ 15 ตารางแสดงค่าความคล้ายคลึง (similarity value) ของเชื้อ โย โสเดด PK4-1 เทียบกับเชื้อ Streptomyces สายพันธุ์ที่ใกล้เคียงที่สุด

<i>Streptomyces javensis</i> DSM 41764 ^T	100	98.5	98.6	98	40346 ^T	40831 ^T	PK4-1	40482 ^T	<i>S. coelicolor</i> DSM 40145 ^T	<i>S. lomondensis</i> DSM 41428 ^T	<i>S. lustrans</i> DSM 40568 ^T	<i>S. parvulus</i> DSM 40048 ^T	<i>S. paulus</i> JCM 5072 ^T	<i>S. somaliensis</i> DSM 40738 ^T	<i>S. hygroscopicus</i> JCM 9411 ^T	<i>S. capomus</i> DSM 40494 ^T	<i>S. albidochromogenes</i> DSM 41800 ^T	<i>S. beijingensis</i> DSM 14794 ^T	<i>S. bialikensis</i> DSM 40581 ^T	<i>S. padanus</i> JCM 4444 ^T
<i>S. yatenis</i> DSM 41771 ^T	98.5	100	97.8	97.6	98.1	98.1	96.4	96.5	96.8	96.7	96.6	97	97.7	97.3	97	96.5	96.6	96.2	96.6	96
<i>S. tubercidicus</i> DSM 40261 ^T	98.6	97.8	100	98.6	98.1	98.1	96	96.2	96.5	96.4	96.5	97	97.1	96.8	96.2	96.3	96.9	96.5	96.7	95.7
<i>S. purpurogenescleroticus</i> DSM 43156 ^T	98	97.6	98.6	100	98.1	97.8	95.7	96.2	96.2	96.4	96.4	96.5	97	97.1	96.8	97	96.2	96.2	96.8	96.1
<i>S. varsovianis</i> DSM 40346 ^T	98.1	97.8	98.1	98.1	100	99.3	97.1	96.8	97	97	97	97	97	97.5	96.5	96.7	97	96.3	97.5	96.2
<i>S. ektimeris</i> DSM 40831 ^T	98.1	98.1	98.1	97.8	99.3	100	97.2	97.2	97.3	97.3	97.3	97.3	97.3	97.4	96.7	96.8	97.6	96.6	97.5	96.5
PK4-1	96.4	96.5	96	95.7	97.1	97.2	100	95.8	96.2	95	96.1	95.9	95.7	96.1	94.4	94.4	95.4	95.2	95.5	95
<i>S. iakyrus</i> DSM 40482 ^T	96.5	96.8	96.2	96.1	96.8	97.2	95.8	100	99.4	99.4	99.4	99.2	98.6	98.1	96.8	96.9	96.4	95.2	96.2	97.2
<i>S. coelicolor</i> DSM 40145 ^T	96.8	96.9	96.5	96.2	97	97.3	96.2	99.4	100	99.6	99.4	99.4	98.6	97.9	97	97.1	96.4	95.5	96.3	97.3
<i>S. lomondensis</i> DSM 41428 ^T	96.7	97	96.4	96.4	97	97.3	96	99.4	99.6	100	99.6	99.6	98.8	98	97.1	97.3	96.5	95.5	96.4	97.4
<i>S. lustrans</i> DSM 40568 ^T	96.6	97	96.5	96.4	97	97.3	96.1	99.4	99.4	99.6	100	99.3	98.6	98.1	97	97.1	96.5	95.6	96.3	97.7
<i>S. parvulus</i> DSM 40048 ^T	96.8	97	96.4	96.5	97	97.3	95.9	99.2	99.4	99.6	99.3	100	98.8	98.1	97.1	97.3	96.8	95.4	96.4	97.4
<i>S. paulus</i> JCM 5072 ^T	97.7	97.1	97.1	97	97	97.3	95.7	98.6	98.6	98.8	98.1	98.8	100	97.6	97	97.1	96.2	95.6	95.8	97.1
<i>S. somaliensis</i> DSM 40738 ^T	97.3	97.4	96.8	96.8	97.5	97.4	96.1	98.1	97.9	98	98.1	98.1	97.6	100	96.7	97	96.9	95.1	97.2	97
<i>S. Hygroscopicus</i> JCM 9411 ^T	97	96.2	97.5	96.8	96.5	96.7	94.4	96.8	97	97.1	97	97.1	97	96.7	100	99.4	97.8	96.6	97.6	97.5
<i>S. capomus</i> DSM 40494 ^T	96.5	96.3	97	96.6	96.7	96.8	95.4	96.4	96.4	96.5	96.5	96.8	97.1	97	99.4	100	97.6	96.3	97.5	97.1
<i>S. albidochromogenes</i> DSM 41800 ^T	96.6	96.7	96.9	96.2	97	97.6	96.6	96.4	96.4	96.5	96.5	96.8	96.2	96.9	97.8	97.6	100	97.5	98	96.8
<i>S. beijingensis</i> DSM 14794 ^T	96.2	96	96.5	96.2	96.3	96.6	95.2	95.2	95.5	95.5	95.6	95.4	95.6	95.1	96.6	96.3	97.5	100	96.9	96.3
<i>S. bialikensis</i> DSM 40581 ^T	96.6	96.2	96.7	96.8	97.5	97.5	95.5	96.2	96.3	96.4	96.3	96.4	95.8	97.2	97.6	97.5	98	96.9	100	97.2
<i>S. padanus</i> JCM 4444 ^T	96	95.7	95.8	96.1	96.2	96.5	95	97.2	97.3	97.4	97.7	97.4	97.1	97	97.5	97.1	96.8	96.3	97.2	100

สารานเป็นเอกสารที่
การณโดย ห่งส่น อี



รูปที่ 89 แสดงลักษณะของ Phylogenetic trees ของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ไอโซเลต PK4-1

บทที่ 5

สรุปผลและวิจารณ์ผลการทดลอง

จากการศึกษาพบว่ามากกว่าร้อยละ 50 ของเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ทั้งหมดสามารถสร้างสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพที่มีผลยับยั้งการเจริญของเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบ โดยที่ไอโซเลต RN3-4 มีฤทธิ์ยับยั้งได้ดีที่สุด

เชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ส่วนใหญ่ที่ทำการทดลองสามารถเจริญบนอาหาร YM ที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 7 ในช่วงพีเอชที่ 4.5 ถึง 9 อุณหภูมิที่เจริญได้ที่ช่วง 20 องศาเซลเซียสถึง 45 องศาเซลเซียส สามารถย่อยสลายโปรตีนในนม, แป้งและเจลาตินได้ และสามารถไนเตรทเป็นไนโตรเจนได้

เมื่อทำการเลือกเชื้อแอสคิโนมัยซีทส์ไอโซเลตที่น่าสนใจมา 6 ไอโซเลต คือ PK3-117, PK3-92, CH3-339, RN3-4, PK4-1 และ RN1-7 เพื่อวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ในช่วง 16s rRNA gene พบว่า

ไอโซเลต CH3-339 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Micromonospora echinaurantica* DSM 43904^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 97.5 ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 56

ไอโซเลต PK3-117 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Agromyces mediolanus* DSM 20152^T *Agromyces aurantiacus* DSM 14598^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 97.4 ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 61(ดังรูปที่ 56)

ไอโซเลต PK3-92 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Actinomadura mexicana* DSM 44485^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 99.2 ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 11

ไอโซเลต RN3-4 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces parvulus* DSM 40048^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 99.7 ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 99

ไอโซเลต RN1-7 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces rubrogriseus* DSM 41477^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 98.8 ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 51

ไอโซเลต PK4-1 มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces albus* subsp. *albus* DSM 40313^T มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์(%similarity) ร้อยละ 97.4 ที่ระดับความเชื่อมั่นของ bootstrap values บน phylogenetic tree ที่ร้อยละ 87

วิจารณ์ผลการทดลอง

จากการศึกษาทำให้ทราบว่าป่าชายเลนเป็นแหล่งทรัพยากรป่าไม้ที่สำคัญแห่งหนึ่ง ซึ่งมีความหลากหลายทางชีวภาพค่อนข้างสูง เหมาะสำหรับการศึกษาเพื่อวิจัยลักษณะทางอนุกรมวิธาน และความหลากหลายทางชีวภาพ ใช้ค้นหาสารทุติยภูมิที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพชนิดใหม่ที่ดี เพื่อเป็นข้อมูลสำหรับวิทยาศาสตร์สุขภาพต่อไป

ผลการทดลองที่ได้พบว่าเชื้อแอคติโนมัยซิฟที่คัดแยกจากป่าชายเลนมีการสร้างสารทุติยภูมิที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพได้ดี อาจเนื่องมาจากป่าชายเลนมีความหลากหลายทางชีวภาพจึงสามารถคัดแยกเชื้อที่สร้างสารทุติยภูมิที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพอยู่ในธรรมชาติได้มากกว่าดินจากแหล่งอื่น

ในการทดลองกับเชื้อแอคติโนมัยซิฟจากที่เก็บตัวอย่างมาหลายๆที่ พบว่าเชื้อมีลักษณะที่แตกต่างกันมากหรือมีความหลากหลายทางชีวภาพสูง ทำให้เวลาแบ่งกลุ่มด้วยสีของเส้นใยอากาศ, สีของเส้นใยอาหาร, การสร้างรงควัตถุ และลักษณะของสปอร์ ทำให้ได้หลายกลุ่มมากขึ้นไป

เอกสารอ้างอิง

- งามนิจ นนทโส. 2537. Systematic Bacteriology Laboratory. ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น.
- ชนิกานต์ คุ้มนก. 2544. การแยกและคัดเลือกแอสคิโนมัยซีที่สร้างสารปฏิชีวนะ. สาขาวิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี สถาบันราชภัฏพิบูลสงคราม.
- นันทวุฒิ นิยมวงษ์. 2548. การคัดเลือกแอสคิโนมัยซีที่ผลิตสารปฏิชีวนะจากดิน. สาขาเทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง.
- นิพนธ์ ทวีชัย. 2538. งานวิจัยในปัจจุบันด้านการใช้แบคทีเรียบางชนิดควบคุมโรคพืชโดยวิธีชีวภาพ. ในสมคิด สถาพร (ผู้รวบรวม). เชื้อจุลินทรีย์ควบคุมศัตรูพืช. กรุงเทพฯ. สำนักงานกองทุนสนับสนุนการวิจัยและกรมวิชาการเกษตร: 118-129.
- บัญญัติ สุขศรีงาม. 2521. จุลชีววิทยาทั่วไป. ภาควิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยศรีนครินทรวิโรฒ บางแสน ชลบุรี.
- วชิร ใจภักดี. 2544. การคัดแยกแอสคิโนมัยซีที่สร้างสารต่อต้านเชื้อราจากดินในประเทศไทย และตรวจสอบลำดับเบสของ 16S rRNA. วิทยานิพนธ์ปริญญาโท มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. กรุงเทพฯ.
- วารุณี ประดิษฐ์ศรีกุล. 2526. การศึกษาและคัดเลือกเชื้อแอสคิโนมัยซีที่สามารถผลิตสารปฏิชีวนะที่มีผลยับยั้งการเจริญของเชื้อราบางชนิด. วิทยานิพนธ์ปริญญาโท มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. กรุงเทพฯ.
- สายสนม เอนกผลิน. 2535. การคัดเลือกเชื้อแอสคิโนมัยซีที่สร้างสารปฏิชีวนะยับยั้งเชื้อราสาเหตุโรคพืชบางชนิด. วิทยานิพนธ์ปริญญาโท มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. กรุงเทพฯ.
- Arai, T. 1975. Culture Media for Actinomycetes. The society for Actinomycetes. Japan.
- Anderson, A.S. and Wellington, E.M.H. 2001. The taxonomy of Streptomyces and related genera. IJSEM 51:797-814.
- Goodfellow, M. 1988. Actinomycetes in Biotechnology San Diego. Academic Press: 1-30.
- Hayakawa M., Sadakata T., Kajiura T. and Nonomura H. 1991. New methods for the highly selective isolation of Micromonospora and Microbispora from soil. Journal of Fermentation and Bioengineering. 72(5): 320-326.

- Hayakawa, M., Yoshida, Y. and Jimura, Y. 2004. Selective isolation of bioactive soil actinomycetes belonging to the *Streptomyces violaceusniger* phenotypic cluster *Journal of Applied Microbiology*: 973-981.
- Holt, J. G. 1989. Filamentous Actinomycetes and Related Bacteria. In S.T. Williams, M. E. Sharpe, and J. G. Holt (eds.), *Bergey's Manual of Systematic Bacteriology*, vol. 4. Baltimore: Williams & Wilkins: 2333-2450.
- Horan, A. C., and Brodsky, B. C. 1986. *Micromonospora rosaria* sp. nov., nom. rev., the rosaramicin producer. *Int. J. Syst. Bacteriol.* 36: 478-480.
- Kawamoto, I. 1989. Genus *Micromonospora*. In Williams, S. T., Sharpe, M. E. and Holt, J. G. (eds.), *Bergey's Manual of Systematic Bacteriology*, vol. 4. Baltimore: Williams & Wilkins: 2442-2450.
- Krsek, M., Morris, N., Egan, S and Wellington, E.M.H. 2000. Actinomycetes. *Encyclopedia of microbiology 2^o edition Volume I A-C*: 28-40.
- Koch, C., Kroppenstedt, R. M., and Stackebrandt, E. 1996a. Intrageneric relationships of the actinomycete genus *Micromonospora*. *Int. J. Syst. Bacteriol.* 46: 383-387.
- Koch, C., Kroppenstedt, R. M., Rainey, F. A., and Stackebrandt, E. 1996b. 16S ribosomal DNA analysis of the genera *Micromonospora*, *Actinoplanes*, *Catellatospora*, *Catenuloplanes*, *Couchioplanes*, *Dactylosporangium* and *Pilimelia* and emendation of the family *Micromonosporaceae*. *Int. J. Syst. Bacteriol.* 46: 765-768.
- Shirling, E. B., and Gottlieb, D. 1966. Methods for Characterization of *Streptomyces* species. *Int. J. Syst. Bacteriol.* 16: 313-340.
- Stackebrandt, E., and Goebel, B. M. 1994. Taxonomic note: a place for DNA-DNA reassociation and 16S rDNA sequence analysis in the present species definition in bacteriology. *Int. J. Syst. Bacteriol.* 44: 846-849.
- Tamaoka, J. 1994. Determination of DNA Base Composition. In M. Goodfellow, and A. G. O'Donnell (eds.), *Chemical Methods in Prokaryotic Systematics*: 463-470.
- Williams, S. T., and Cross, T. 1971. Actinomycetes. In C. Booth (ed.), *Methods in Microbiology*, vol. 4. London. Academic Press: 295-334.
- Williams ST, Sharpe, M. E. and Holt, J.G. 1989. *Bergey's Manual of Systematic Bacteriology*, Vol 4. Williams and Wilkins Co, Baltimore : 2299-2648.

ภาคผนวก ก

สูตรอาหารเลี้ยงเชื้อ

สูตรอาหารเลี้ยงเชื้อแต่ละชนิดต่อไปนี้เตรียมโดยใช้น้ำกลั่น 100 มิลลิลิตร อาหารส่วนใหญ่ หนึ่งฆ่าเชื้อโดยใช้ความดันไอน้ำร้อน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว ที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที ยกเว้นการเตรียมน้ำตาลในการทดสอบการใช้แหล่งคาร์บอน โดยใช้ความร้อนฆ่าเชื้อที่ อุณหภูมิ 110 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที

1. Sodium-caseinate agar (SCN)

Sodium caseinate	0.2	กรัม
Glucose	0.1	กรัม
K ₂ HPO ₄	0.02	กรัม
MgSO ₄	0.02	กรัม
Agar	1.5-1.8	กรัม

2. Yeast extract-malt extract agar (YMA), ISP medium no.2

Yeast extract	0.4	กรัม
Malt extract	1.0	กรัม
Glucose	0.4	กรัม
Agar	1.5	กรัม
pH 7.3		

3. Oatmeal agar, ISP medium no. 3

Oatmeal	2.0	กรัม
Agar	1.8	กรัม

4. Inorganic salts-starch agar, ISP medium no. 4

Soluble starch	1.0	กรัม
K ₂ HPO ₄	0.1	กรัม
MgSO ₄ ·7H ₂ O	0.1	กรัม
NaCl	0.1	กรัม

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

$(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$	0.2	กรัม
CaCO_3	0.2	กรัม
Trace salts solution (A)	0.1	มิลลิลิตร
Agar	2.0	กรัม
pH 7.0-7.4		

5. Glycerol-asparagine agar, ISP medium no.5

Glycerol	1.0	กรัม
L-Asparagine	0.1	กรัม
K_2HPO_4	0.1	กรัม
Trace salts solution (A)	0.1	มิลลิลิตร
Agar	2.0	กรัม

6. Tyrosine agar, ISP medium no. 7

Glycerol	1.5	กรัม
L-Tyrosine (Difco)	0.05	กรัม
L-Asparagine (Difco)	0.1	กรัม
K_2HPO_4	0.05	กรัม
$\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$	0.05	กรัม
NaCl	0.05	กรัม
$\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$	0.01	กรัม
Trace salts solution (A)	0.1	มิลลิลิตร
Agar	2.0	กรัม

pH 7.2-7.4

Trace salt solution (A)

$\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$	0.1	กรัม
$\text{MnCl}_2 \cdot 4\text{H}_2\text{O}$	0.1	กรัม
$\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$	0.1	กรัม
Distilled water	100	มิลลิลิตร

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

7. Peptone KNO₃ broth

Peptone	1.0	กรัม
KNO ₃	0.1	กรัม
NaCl	0.5	กรัม
pH 7.0		

8. Carbon utilization medium, ISP medium no. 9

Carbohydrate	1.0	กรัม
(NH ₄) ₂ SO ₄	0.264	กรัม
K ₂ HPO ₄ ·3H ₂ O	0.565	กรัม
KH ₂ PO ₄ anhydrous	0.238	กรัม
MgSO ₄ ·7H ₂ O	0.1	กรัม
Pridham and Gottlieb trace salts (B)	0.1	มิลลิกรัม
Agar	1.5	กรัม
pH 6.8-7.0		
Trace salts solution (B)		
CuSO ₄ ·5H ₂ O	0.64	กรัม
FeSO ₄ ·7H ₂ O	0.11	กรัม
MnCl ₂ ·4H ₂ O	0.79	กรัม
ZnSO ₄ ·7H ₂ O	0.15	กรัม

9. Boullion gelatin broth

Peptone	1.0	กรัม
Meat extract	0.5	กรัม
NaCl	0.5	กรัม
Gelatin	15.0	กรัม
pH 7.0-7.2		

10. Peptonization and Coagulation test medium

Skim milk (Difco)	10.0	กรัม
-------------------	------	------

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

11. Mueller-Hinton agar (Difco)

Beef infusion from	30	กรัม
Casamino acid, Technical	1.75	กรัม
Starch	0.15	กรัม
Agar	1.7	กรัม
pH 7.3		

12. Sabouraud's dextrose agar (Difco)

Neopeptone	1.0	กรัม
Dextrose	4.0	กรัม
Agar	1.5	กรัม
pH 5.6-5.8		

13. Seed medium

Yeast extract	0.4	กรัม
Glucose	0.4	กรัม
Malt extract	1.0	กรัม
pH 7.3		

14. Production medium

Yeast extract	0.4	กรัม
Glucose	0.4	กรัม
Malt extract	1.0	กรัม
CaCO ₃	0.1	กรัม
pH 7.3		

15. Peptone-yeast extract iron agar

Bacto-Peptone Iron Agar, dehydrated (Difco)	3.6	กรัม
Bacto-Yeast Extract (Difco)	0.1	กรัม
pH 7.0-7.2		

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

16. Glucose asparagines agar

Glucose	1	กรัม
Asparagine	0.05	กรัม
K_2HPO_4	0.05	กรัม
Bacto-agar	1.5	กรัม
pH 6.8-7.0		

17. Nutrient agar

Meat extract	1	กรัม
Peptone	1	กรัม
NaCl	0.1-0.2	กรัม
Agar	1.5	กรัม

18. Czapek's sucrose agar

Sucrose	3	กรัม
K_2HPO_4	0.1	กรัม
$MgSO_4$	0.05	กรัม
KCl	0.05	กรัม
$FeSO_4$	0.001	กรัม
Agar	1.5-1.7	กรัม
pH 7.0-7.2		

19. phosphate buffer

KH_2PO_4	0.680	กรัม
Na_2HPO_4	0.71	กรัม
DW.	1	ลิตร

**ใช้ KH_2PO_4 เป็นตัวปรับพีเอช

20. Humic acid Vitamin Agar

Humic acid	1	กรัม
Na_2HPO_4	0.5	กรัม

เอกสารนี้เป็นเอกสารทสงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

KCl	1.71 กรัม
MgSO ₄ ·7H ₂ O	50 มิลลิกรัม
FeSO ₄ ·7H ₂ O	10 มิลลิกรัม
CaCO ₃	20 มิลลิกรัม
Vitamin B	10 มิลลิลิตร
Agar	15 กรัม
DW.	1 ลิตร

pH 7.3

เกลือ 3 เปอร์เซ็นต์

** Humic acid ละลายใน 10 มล. 0.2N NaOH

**Vitamin B

Thiamine-HCl	10 มิลลิกรัม
Riboflavin	10 มิลลิกรัม
Nicotinate	10 มิลลิกรัม
Pyridoxine-HCl	10 มิลลิกรัม
Inositol	10 มิลลิกรัม
Ca-Pantprenate	10 มิลลิกรัม
p-Aminobenzoate	10 มิลลิกรัม
d-Biotin	5 มิลลิกรัม
DW	200 มิลลิลิตร

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ภาคผนวก ข

สารละลายที่ใช้ในการสกัด DNA

1. Saline- Na_2 EDTA

0.1 M NaCl

20 mM EDTA.2Na (pH 8.0)

2. 1 M Tris-HCl pH 8.0

ละลาย tris 121.1 กรัม ในน้ำกลั่น 800 มิลลิลิตร จากนั้นปรับให้ได้ pH โดยเติม HCl เข้มข้น 42 มิลลิลิตร หลังจากนั้นปล่อยให้แห้งที่อุณหภูมิห้อง สุดท้ายจึงเติมน้ำกลั่นให้ครบ 1000 มิลลิลิตร จึงนำไปฆ่าเชื้อโดยการ autoclave

3. 0.1 M Tris-HCl buffer, pH 9

Tris	1.21	มิลลิกรัม
------	------	-----------

Distilled water	100	มิลลิลิตร
-----------------	-----	-----------

4. Phenol:Chloroform (1:1 v/v)

ละลายสาร Phenol ที่อยู่ในขวด ในอ่างน้ำปรับอุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส และผสมกับ chloroform ในอัตราส่วน 1:1 (v/v) เก็บสารละลายในภาชนะที่บดแสง

5. RNase A solution

RNase A	20	มิลลิกรัม
---------	----	-----------

0.15 M NaCl	10	มิลลิลิตร
-------------	----	-----------

ละลาย RNase A 20 มิลลิกรัม ใน 0.15 M NaCl 10 มิลลิลิตร และอุ่นที่ 95 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5-10 นาที เก็บ RNase A solution ไว้ที่อุณหภูมิ 20 องศาเซลเซียส

6. RNase T₁ solution

RNase T ₁	80	ไมโครลิตร
----------------------	----	-----------

0.1 M Tris-HCl (pH 7.5)	10	มิลลิลิตร
-------------------------	----	-----------

ผสม RNase T₁ 80 ไมโครลิตรกับ 0.1 M Tris-HCl (pH 7.5) 10 มิลลิลิตร และอุ่นที่อุณหภูมิ 95 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 5 นาที แล้วเก็บ RNase T₁ solution ไว้ที่อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

1. Multiple Sequence Alignment ของไฮโซลิต CH3-339

```

AB193565_Micromonospora_siamen -----
AJ626950_Micromonospora_mirobr --TAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
AF152109_Micromonospora_matsum --AGAGTTTGATCATGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
AB107231_Micromonospora_eburne -----CAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92611_M.purpureochromogenes -----TGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92626_M.yulongensis -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92616_M.brunnescens -----TTGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92599_M.carbonacea -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92604_M.aurantiaca -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92627_M.fulvopurpureus -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92594_M.chalcea -----TGATCCTGGCTCAGGCCGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92601_Micromonospora_halophyt -----TGATCCTGGCTCAGGCCGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92629_Micromonospora_inyonens -----TTGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92624_Micromonospora_sagamien -----TTGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92607_M.echinospora -----TGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92620_Micromonospora_fulvivir -----TTGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
CH3-339_align -----
X92631_M.rosaria -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92628_M.chersinia -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
AJ560635_M_endolithica_DSM_44 -----CCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92623_Micromonospora_viridifa -----TGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92618_Micromonospora_echinaur -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92610_M.inositola -----TGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92608_M.echinospora -----TGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92609_M.halophytica -----TGATCCTGGCGCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92625_Micromonospora_echinofu -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92598_M.coerulea -----TGATCCTGGCTCAGGCCGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92617_Micromonospora_citrea_D -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
AB159779_Micromonospora_aurati --AGAGTTTGATCATGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92603_Micromonospora_peucetia -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
X92613_Micromonospora_olivaste -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
AB037008_Actinoplanes_missouri -----GACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA
M27245_Streptomyces_ambifacien --GAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTA

```

```

AB193565_Micromonospora_siamen -----TCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
AJ626950_Micromonospora_mirobr ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
AF152109_Micromonospora_matsum ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
AB107231_Micromonospora_eburne ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92611_M.purpureochromogenes ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92626_M.yulongensis ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92616_M.brunnescens ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92599_M.carbonacea ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92604_M.aurantiaca ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92627_M.fulvopurpureus ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92594_M.chalcea ACACATGCAATCGAAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92601_Micromonospora_halophyt ACACATGCAATCGAAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92629_Micromonospora_inyonens ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92624_Micromonospora_sagamien ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92607_M.echinospora ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92620_Micromonospora_fulvivir ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
CH3-339_align -----
X92631_M.rosaria ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92628_M.chersinia ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
AJ560635_M_endolithica_DSM_44 ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92623_Micromonospora_viridifa ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92618_Micromonospora_echinaur ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92610_M.inositola ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92608_M.echinospora ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92609_M.halophytica ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92625_Micromonospora_echinofu ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92598_M.coerulea ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92617_Micromonospora_citrea_D ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
AB159779_Micromonospora_aurati ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92603_Micromonospora_peucetia ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
X92613_Micromonospora_olivaste ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCC--TTCGGGGTACTCGAGCGGCGAA
AB037008_Actinoplanes_missouri ACACATGCAATCGAGCGGAAAGGCTC---CGGGTACTCGAGCGGCGAA
M27245_Streptomyces_ambifacien ACACATGCAATCGAACGATGAACCAC--TTCGGTGGGGATTAGTGGCGAA
          **** * * * * * * * *

```

```

AB193565_Micromonospora_siamen CGGGTGAGTA-CAGGTGAGCA-CCTGCCCT-AGGTTGGGATAACCCCG

```

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษเท่านั้น ไม่นิยญาติให้ไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

X92610_M.inositola
 X92608_M.echinospora
 X92609_M.halophytica
 X92625_Micromonospora_echinofu
 X92598_M.coerulea
 X92617_Micromonospora_citreata_D
 AB159779_Micromonospora_aurati
 X92603_Micromonospora_peucetia
 X92613_Micromonospora_olivaste
 AB037008_Actinoplanes_missouri
 M27245_Streptomyces_ambifacien

CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 CGTGAGGGATGA-CGGCCTTCGGGTGTAACCTCTTTCAGCAGGGACGA
 ***** ** *****

AB193565_Micromonospora_siamen
 AJ626950_Micromonospora_mirobr
 AF152109_Micromonospora_matsum
 AB107231_Micromonospora_eburne
 X92611_M.purpureochromogenes
 X92626_M.yulongensis
 X92616_M.brunnescens
 X92599_M.carbonacea
 X92604_M.aurantiaica
 X92627_M.fulvopurpureus
 X92594_M.chalcea
 X92601_Micromonospora_halophyt
 X92629_Micromonospora_inyonens
 X92624_Micromonospora_sagamien
 X92607_M.echinospora
 X92620_Micromonospora_fulvivir
 CH3-339_align
 X92631_M.rosaria
 X92628_M.chersinia
 AJ560635_M_endolithica_DSM_44
 X92623_Micromonospora_viridifa
 X92618_Micromonospora_echinaur
 X92610_M.inositola
 X92608_M.echinospora
 X92609_M.halophytica
 X92625_Micromonospora_echinofu
 X92598_M.coerulea
 X92617_Micromonospora_citreata_D
 AB159779_Micromonospora_aurati
 X92603_Micromonospora_peucetia
 X92613_Micromonospora_olivaste
 AB037008_Actinoplanes_missouri
 M27245_Streptomyces_ambifacien

AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 AGCGAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCACCGGCAACTACGTGCCAG
 ***** ** *****

AB193565_Micromonospora_siamen
 AJ626950_Micromonospora_mirobr
 AF152109_Micromonospora_matsum
 AB107231_Micromonospora_eburne
 X92611_M.purpureochromogenes
 X92626_M.yulongensis
 X92616_M.brunnescens
 X92599_M.carbonacea
 X92604_M.aurantiaica
 X92627_M.fulvopurpureus
 X92594_M.chalcea
 X92601_Micromonospora_halophyt
 X92629_Micromonospora_inyonens
 X92624_Micromonospora_sagamien
 X92607_M.echinospora
 X92620_Micromonospora_fulvivir
 CH3-339_align
 X92631_M.rosaria
 X92628_M.chersinia
 AJ560635_M_endolithica_DSM_44
 X92623_Micromonospora_viridifa
 X92618_Micromonospora_echinaur
 X92610_M.inositola
 X92608_M.echinospora
 X92609_M.halophytica
 X92625_Micromonospora_echinofu
 X92598_M.coerulea
 X92617_Micromonospora_citreata_D
 AB159779_Micromonospora_aurati

CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT
 CAGCCGCGGTAAAGACGTAGGGTGCGAGCGTTGTCCGGATTTATTGGGCGT


```

X92610_M.inositola          AGCCGTACCGG-----
X92608_M.echinospora      AGCCG-----
X92609_M.halophytica      -----
X92625_Micromonospora_echinofu AGCCGT-----
X92598_M.coerulea        AGCCGTACCG-----
X92617_Micromonospora_citre D AGCCGTACCG-----
AB159779_Micromonospora_aurati AGCCGTAAT-----
X92603_Micromonospora_peucetia AGCCGTACCG-----
X92613_Micromonospora_olivaste AGCCGTACCGG-----
AB037008_Actinoplanes_missouri AGCCGTACCGGAAGGTGC-----
M27245_Streptomyces_ambifacien AGCCGTACCGGAAGGTGCGGCTGGATCCCTCTTCT

```

2. Multiple Sequence Alignment ของไลโซเลค PK3-117

```

AF389342_Agromyces_aurantiacus -----ACGATAGCTGCGGCGTGCTT
X77449_Agromyces_mediolanus_DS -----GACGAACGCTGCGGCGTGCTT
PK3-117_align GTTTGAGTTTTGTCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AB023359_Agromyces_brachium_DS -----TTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AB023356_Agromyces_luteolus_DS -----TTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157 --TAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AY618216_Agromyces_humatus_DSM -----
AY507128_Agromyces_neolithicus -----CAASC GCGGCGTGTC
AY737778_Agromyces_subbeticus -----CCTTGATCCCTC
AY618215_Agromyces_italicus_DS -----CCTCCTTA
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM -----CTGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AY507129_Agromyces_salentinus -----
D45061_Agromyces_hippuratus_DS -----GACGAACGCTGCGGCGTGCTT
X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu -----GACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AY158025_Agromyces_fucosus_DSM -----GCAACCTGCGGCGTGCTT
AY277619_Agromyces_cerinus_sub -----CTGCGGCGTGCTT
X77447_Agromyces_ramosus_DSM_4 -----GACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AF503917_Agromyces_albus_DSM15 ----GAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
AB023357_Agromyces_rhizospha -----TTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT
U96184_Rathayibacter_iranicus -----
M27245 --GGAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGCGGCGTGCTT

```

```

AF389342_Agromyces_aurantiacus ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAAGCCC-AGCTTGCTG--GGTGGATTAG
X77449_Agromyces_mediolanus_DS ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACCTGGAGCTTGCTCT-GGGGATTAG
PK3-117_align ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAAGCCT-AGCTTGCTG--GGTGGATTAG
AB023359_Agromyces_brachium_DS ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACCGGCTGCTTGCTCC-GTGGGATTAG
AB023356_Agromyces_luteolus_DS ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACCGGCTGCTTGCTCC-GTGGGATTAG
AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157 ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACCGGCTGCTTGCTCC-GTGGGATTAG
AY618216_Agromyces_humatus_DSM --CTGCGGCTGGATCCCTCCTTAACCGGAAGATTGCACT--GGGGATTAG
AY507128_Agromyces_neolithicus TAACCATGCAAGTCGTYCGATGAACCGGCTGCTTGCACT--GGGGATTAG
AY737778_Agromyces_subbeticus TTACATGACAAGTCCAACGATGAAGCCCA-GCTTGCTGG--GTGGATTAG
AY618215_Agromyces_italicus_DS ATATACTGCATAACGATCGATGAAGCTGGAGCTTGCTCT-GGTGGATTAG
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM ACACA-TGCAAGTCGAACGATGATCCCGGAGCTTGCTCTAGGGGATTAG
AY507129_Agromyces_salentinus -----TGCTCT-GGGGATTAG
D45061_Agromyces_hippuratus_DS ACACA-TACAAGTCGAACGATGAACCTGGAGCTTGCTCT-GGGGATTAG
X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACCTGGAGCTTGCTCT-GGGGATTAG
AY158025_Agromyces_fucosus_DSM CCA---TGCAAGTCGCACGATGAACCTGGAGCTTGCTCT-GGGGATTAG
AY277619_Agromyces_cerinus_sub CCA---TGCAAGTCGCACGATGAACCTGGAGCTTGCTCT-GGGGATTAG
X77447_Agromyces_ramosus_DSM_4 ACACA-TGCAAGTCGAACGATGATCTGGCAGCTTGCTGCG--GTGGATTAG
AF503917_Agromyces_albus_DSM15 ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACC--GGAGCTTGCTCC--GGGGATTAG
AB023357_Agromyces_rhizospha ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACC--GGGCTTGCTCC--GGGGATTAG
U96184_Rathayibacter_iranicus -----
M27245 ACACA-TGCAAGTCGAACGATGAACC-----ACTTCGGT--GGGGATTAG

```

```

AF389342_Agromyces_aurantiacus TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
X77449_Agromyces_mediolanus_DS TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
PK3-117_align TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AB023359_Agromyces_brachium_DS TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AB023356_Agromyces_luteolus_DS TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157 TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY618216_Agromyces_humatus_DSM TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY507128_Agromyces_neolithicus TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY737778_Agromyces_subbeticus TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY618215_Agromyces_italicus_DS TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
AY507129_Agromyces_salentinus TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA
D45061_Agromyces_hippuratus_DS TGCGCAACGGGTGAGTAACACGTGAGTAACCTGCCCTGGACTCTGGGATA

```

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นิยมนำไปใช้ประโยชน์ทางการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดลอกเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
 AY277619_Agromyces_cerinus_sub
 X77447_Agromyces_amosus_DSM_4
 AF503917_Agromyces_albus_DSM15
 AB023357_Agromyces_rhizosphaera
 U96184_Rathayibacter_iranicus
 M27245

GAAATCCCAGGCTCAACCTCG-----
 GAAATCCCAGGCTCAACCTCG-----
 GAAATCCCAGGCTCAACCTCG-----
 GAAATCCCAGGCTCAACCTCG-----
 GAAAACCCAGGCTCAACCTCG-----
 GAAAACCCAGGCTCAACCTCG-----
 GAAAGCCCCGGGCTTAAACCCC-----

AF389342_Agromyces_aurantiacus
 X77449_Agromyces_mediolanus_DS
 PK3-117_align
 AB023359_Agromyces_brachium_DS
 AB023356_Agromyces_luteolus_DS
 AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157
 AY618216_Agromyces_humatus_DSM
 AY507128_Agromyces_neolithicus
 AY737778_Agromyces_subbeticus
 AY618215_Agromyces_italicus_DS
 AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
 AY507129_Agromyces_salentinus
 D45061_Agromyces_hippuratus_DS
 X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
 AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
 AY277619_Agromyces_cerinus_sub
 X77447_Agromyces_amosus_DSM_4
 AF503917_Agromyces_albus_DSM15
 AB023357_Agromyces_rhizosphaera
 U96184_Rathayibacter_iranicus
 M27245

---GAGGT-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 AGAGGCTCAACCTCTAGCCTGCAGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGT-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----GTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---AGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGT-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGT-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGT-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---AGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---AGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---AGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---CGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGC-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 ---GGT-----CTGCGGTGGGTACGGGCAGACTTGAGTGGTGT
 * * * * * ***** * * * * *

AF389342_Agromyces_aurantiacus
 X77449_Agromyces_mediolanus_DS
 PK3-117_align
 AB023359_Agromyces_brachium_DS
 AB023356_Agromyces_luteolus_DS
 AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157
 AY618216_Agromyces_humatus_DSM
 AY507128_Agromyces_neolithicus
 AY737778_Agromyces_subbeticus
 AY618215_Agromyces_italicus_DS
 AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
 AY507129_Agromyces_salentinus
 D45061_Agromyces_hippuratus_DS
 X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
 AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
 AY277619_Agromyces_cerinus_sub
 X77447_Agromyces_amosus_DSM_4
 AF503917_Agromyces_albus_DSM15
 AB023357_Agromyces_rhizosphaera
 U96184_Rathayibacter_iranicus
 M27245

AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA
 AGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGA

AF389342_Agromyces_aurantiacus
 X77449_Agromyces_mediolanus_DS
 PK3-117_align
 AB023359_Agromyces_brachium_DS
 AB023356_Agromyces_luteolus_DS
 AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157
 AY618216_Agromyces_humatus_DSM
 AY507128_Agromyces_neolithicus
 AY737778_Agromyces_subbeticus
 AY618215_Agromyces_italicus_DS
 AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
 AY507129_Agromyces_salentinus
 D45061_Agromyces_hippuratus_DS
 X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
 AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
 AY277619_Agromyces_cerinus_sub
 X77447_Agromyces_amosus_DSM_4
 AF503917_Agromyces_albus_DSM15
 AB023357_Agromyces_rhizosphaera
 U96184_Rathayibacter_iranicus
 M27245

GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA
 GGAACACCGATGGCGAAGGCAGGTCTCTGGGCACCTACTGACGCTGAGGA

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น มิอนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ทางการค้า
 ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AY737778_Agromyces_subbeticus_
AY618215_Agromyces_italicus_DS
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
AY507129_Agromyces_salentinus_
D45061_Agromyces_hippuratus_DS
X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
AY277619_Agromyces_cerinus_sub
X77447_Agromyces_ramosus_DSM_4
AF503917_Agromyces_albus_DSM15
AB023357_Agromyces_rhizosphaera
U96184_Rathayibacter_iranicus
M27245

TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGTACACACCGCCCGTCAAGTCATGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCAG
TTGT

AF389342_Agromyces_aurantiacus
X77449_Agromyces_mediolanus_DS
PK3-117_align
AB023359_Agromyces_brachium_DS
AB023356_Agromyces_luteolus_DS
AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157
AY618216_Agromyces_humatus_DSM
AY507128_Agromyces_neolithicus
AY737778_Agromyces_subbeticus
AY618215_Agromyces_italicus_DS
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
AY507129_Agromyces_salentinus_
D45061_Agromyces_hippuratus_DS
X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
AY277619_Agromyces_cerinus_sub
X77447_Agromyces_ramosus_DSM_4
AF503917_Agromyces_albus_DSM15
AB023357_Agromyces_rhizosphaera
U96184_Rathayibacter_iranicus
M27245

TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA
TGGCCTAACCCCTT-GTGG-AGGGAGCCGTCGAAGGTGGGATCGGTGTA

AF389342_Agromyces_aurantiacus
X77449_Agromyces_mediolanus_DS
PK3-117_align
AB023359_Agromyces_brachium_DS
AB023356_Agromyces_luteolus_DS
AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157
AY618216_Agromyces_humatus_DSM
AY507128_Agromyces_neolithicus
AY737778_Agromyces_subbeticus
AY618215_Agromyces_italicus_DS
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
AY507129_Agromyces_salentinus_
D45061_Agromyces_hippuratus_DS
X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
AY277619_Agromyces_cerinus_sub
X77447_Agromyces_ramosus_DSM_4
AF503917_Agromyces_albus_DSM15
AB023357_Agromyces_rhizosphaera
U96184_Rathayibacter_iranicus
M27245

GGAC-TAAGTCGTACGGAG-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGA-----
GGAAATAAGTCCCTT-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGAAGGTGCCGTGGATCACC
TGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGA-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGAAGGTGCCGTGGATCACC
GGAC-TAAGTCGAAAGACCGACCGAA-----
GGAC-TAAGTTATCGGTCCGCTCAGA-----
GGAC-TAAGTCGT-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAACC-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGAAGGTGC-----
GGAC-TAAGTC-TACGGGCCGACCGAAG-----
GGAC-TAAGTC-GACGGGCCGACCGAAG-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGAAGGTGC-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAAG-----
GGAC-TAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGAATGTGCCGTGGCACTCC
GGAC-GAAGTCGTACGGAGCCGTACCGGAAGGTGCCGTGGATCAC

AF389342_Agromyces_aurantiacus
X77449_Agromyces_mediolanus_DS
PK3-117_align
AB023359_Agromyces_brachium_DS
AB023356_Agromyces_luteolus_DS
AY427830_Agromyces_ulmi_DSM157
AY618216_Agromyces_humatus_DSM
AY507128_Agromyces_neolithicus
AY737778_Agromyces_subbeticus_
AY618215_Agromyces_italicus_DS
AY618217_Agromyces_lapidis_DSM
AY507129_Agromyces_salentinus_
D45061_Agromyces_hippuratus_DS
X77448_A.cerinus_subsp._Cerinu
AY158025_Agromyces_fucosus_DSM
AY277619_Agromyces_cerinus_sub

T-----
TCCTTA---


```

X77447_Agromyces_ramosus_DSM_4      -----
AF503917_Agromyces_albus_DSM15      -----
AB023357_Agromyces_rhizosphera      TCCTA-----
U96184_Rathayibacter_iranicus      -----
M27245                                CTCCTTCT

```

3. Multiple Sequence Alignment ของไฮโซเลต PK3-92

```

AJ293704_Actinomadura_glomerat      -AGAGTTTGATCCTGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
AJ293707_Actinomadura_longicat      -AGAGTTTGATCCTGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
AF134066_Actinomadura_aurantia      -----GGCGCGTGCTTAA
X97890_A.kijaniata                   -----CGCTGGCGCGTGCTTAA
AJ420134_Actinomadura_namibien      -----TGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
D86943_Excelsospora_viridilute      -----GACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
AF163118_Actinomadura_oligospo      -----GGCGCGTGCTTAA
AJ420138_Actinomadura_atrament      -----CGCTGGCGCGTGCTTAA
AJ420137_Actinomadura_fulvesce      -----CGTGGCGCGTGCTTAA
AJ420136_Actinomadura_hibisca      -----CGTGGCGCGTGCTTAA
PK3-92                                TTGAGTTTGTCTGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
AF277195_Actinomadura_mexicana      -----GTGCTTAA
AJ420139_Actinomadura_citrea        -----CGTGGCGCGTGCTTAA
AJ420140_Actinomadura_formosen      -----CGCTGGCGCGTGCTTAA
AF153881_Actinomadura_glucofla     -----TCCTTCGAAACGGGGCGCTTTGCTTAA
U49008_Actinomadura_luteofluor     -----
U49002_Actinomadura_coerulea      -----
U49011_Actinomadura_verrucospo     -----
U49009_Actinomadura_macra          -----
X97889_A.madurae                   -----CGTGGCGCGTGCTTAA
AJ420141_Actinomadura_viridis      -----CGTGGCGCGTGCTTAA
AF134070_Actinomadura_vinacea      -----GACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
ARU49010_Actinomadura_rugatobi     -----
AF154127_Actinomadura_catellat     -----GTTCACGCTCGCGTTTGTCTTAA
AJ293706_Actinomadura_livida       -AGAGTTTGATCCTGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
DQ076484_Actinomadura_hallensi     -AGAGTTTGATCATGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
AF163122_Actinomadura_yumaensi     -----GGCGCGTGCTTAA
AF134067_Actinomadura_cremea_s     -----GGCGCGTGCTTAA
U49003_Actinomadura_cremea_rif     -----
AF163114_Actinomadura_fibrosa      -----GGCGCGTGCTTAA
AY035998_Actinomadura_Latina      -----
AY568292_Actinomadura_napieren     -----
AY273787_Actinomadura_meyerii     -----TTCCGCGTGCTTAA
AY035999_Actinomadura_nitritig     -----TTAA
AJ420135_Actinomadura_echinosp     -----CGCTGGCGCGTGCTTAA
AJ293713_Actinomadura_umbrina      -----GGCGCGTGCTTAA
AJ293712_Actinomadura_spadix      -----GCTGGCGCGTGCTTAA
AJ556156_Pseudonocardia_benzen     AGAGTTTGTATCATGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
AB193565_Micromonospora_siamen     GAGAGTTTGATCCTGGCTCAGACGAACGCTGGCGCGTGCTTAA
M27245

```

```

AJ293704_Actinomadura_glomerat      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG--CCCTTCGGGG-TACTCGAGCGGCGA
AJ293707_Actinomadura_longicat      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG--CCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AF134066_Actinomadura_aurantia      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG--CCCTTCGGGG-TACTCGAGCGGCGA
X97890_A.kijaniata                   CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420134_Actinomadura_namibien      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
D86943_Excelsospora_viridilute      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGS-GC--TTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AF163118_Actinomadura_oligospo      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCC-TTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420138_Actinomadura_atrament      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420137_Actinomadura_fulvesce      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420136_Actinomadura_hibisca      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
PK3-92                                CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AF277195_Actinomadura_mexicana      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420139_Actinomadura_citrea        CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420140_Actinomadura_formosen      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AF153881_Actinomadura_glucofla     CACATGCAAGTCGAGCGAAAAGGCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
U49008_Actinomadura_luteofluor     -----GCAAGTCGAGCGGAAAGG--CCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
U49002_Actinomadura_coerulea      -----GCAAGTCGAGCGGAAAGG--CCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
U49011_Actinomadura_verrucospo     -----GCAAGTCGAGCGGAAAGG--CCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
U49009_Actinomadura_macra          -----GCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCTTT-GGGAGTACTCGAGCGGCGA
X97889_A.madurae                   CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA
AJ420141_Actinomadura_viridis      CACATGCAAGTCGAGCGGAAAGG-CCCCTTCGGGGGTACTCGAGCGGCGA

```

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษเท่านั้น เมื่อนำไปเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาตให้ผู้อื่นใช้โดยไม่ได้รับอนุญาต
 ไม่วารณใด ๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดลอกเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AF153881_Actinomadura_glucofla	GAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
U49008_Actinomadura_luteoflor	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
U49002_Actinomadura_coerulea	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
U49011_Actinomadura_verrucospo	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
U49009_Actinomadura_macra	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
X97889_A.madurae	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AJ420141_Actinomadura_viridis	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AF134070_Actinomadura_vinacea	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
ARU49010_Actinomadura_rugatobi	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AF154127_Actinomadura_catellat	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AJ293706_Actinomadura_livida	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
DQ076484_Actinomadura_hallensi	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AF163122_Actinomadura_yumaensi	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AF134067_Actinomadura_creema_s	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
U49003_Actinomadura_creema_rif	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AF163114_Actinomadura_fibrosa	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AY035998_Actinomadura_Latina	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AY568292_Actinomadura_napiere	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AY273787_Actinomadura_meyerii	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AY035999_Actinomadura_nitritig	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AJ420135_Actinomadura_echinosp	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AJ293713_Actinomadura_umbrina	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AJ293712_Actinomadura_spadix	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AJ556156_Pseudonocardia_benzen	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
AB193565_Micromonospora_siamen	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
M27245	GGAAAC TGGGTC TAATACCGGATATAA-CCCTGGTCTCATGATCGGGTG
	***** * * *
AJ293704_Actinomadura_glomerat	GTGGAAGTTTTT---CGGTCAGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ293707_Actinomadura_longicat	GTGGAAGTTTTT---CGGTCAGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF134066_Actinomadura_aurantia	GTGGAAGTTTTT---CGGTCAGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
X97890_A.kijaniata	GTGGAAGTTTTT---T-CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420134_Actinomadura_namibien	GTGGAAGTTTTT---TTCGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
D86943_Excellospora_viridilute	GTGGAAGTTTTT---TTCGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF163118_Actinomadura_oligospo	GTGGAAGTTTTT---TTCGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420138_Actinomadura_atrament	GTGGAAGTTTTT---TCGGTCGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ240137_Actinomadura_fulvesce	GTGGAAGTTTTT---TCGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420136_Actinomadura_hibisca	GTGGAAGTTTTT---TCGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
EK3-92	GTGGAAGTTTTT---TCGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF277195_Actinomadura_mexicana	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420139_Actinomadura_citrea	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420140_Actinomadura_formosen	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF153881_Actinomadura_glucofla	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
U49008_Actinomadura_luteoflor	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
U49002_Actinomadura_coerulea	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
U49011_Actinomadura_verrucospo	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
U49009_Actinomadura_macra	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
X97889_A.madurae	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420141_Actinomadura_viridis	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF134070_Actinomadura_vinacea	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
ARU49010_Actinomadura_rugatobi	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF154127_Actinomadura_catellat	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ293706_Actinomadura_livida	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
DQ076484_Actinomadura_hallensi	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF163122_Actinomadura_yumaensi	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF134067_Actinomadura_creema_s	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
U49003_Actinomadura_creema_rif	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AF163114_Actinomadura_fibrosa	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AY035998_Actinomadura_Latina	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AY568292_Actinomadura_napiere	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AY273787_Actinomadura_meyerii	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AY035999_Actinomadura_nitritig	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ420135_Actinomadura_echinosp	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ293713_Actinomadura_umbrina	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ293712_Actinomadura_spadix	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AJ556156_Pseudonocardia_benzen	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
AB193565_Micromonospora_siamen	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
M27245	GTGGAAGTTTTT---CGGTTGGGGATGGGCTCGCGCCATCAGCTTGT
	* * * * *
AJ293704_Actinomadura_glomerat	TGGTGGGGTAGTGGCTACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG
AJ293707_Actinomadura_longicat	TGGTGGGGTAGTGGCCACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG
AF134066_Actinomadura_aurantia	TGGTGGGGTAGTGGCCACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG
X97890_A.kijaniata	TGGTGGGGTAGTGGCCACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG
AJ420134_Actinomadura_namibien	TGGTGGGGTAGTGGCCACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG
D86943_Excellospora_viridilute	TGGTGGGGTAGTGGCCACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG
AF163118_Actinomadura_oligospo	TGGTGGGGTAGTGGCCACCAAGGCGACGACGGGTAGCCGGCTGAGAGG

U49003 Actinomadura cremea rif
 AF163114 Actinomadura fibrosa
 AY035998 Actinomadura Latina
 AY568292 Actinomadura napiieren
 AY273787 Actinomadura meyerii
 AY035999 Actinomadura nitritig
 AJ420135 Actinomadura echinosp
 AJ293713 Actinomadura umbrina
 AJ293712 Actinomadura spadix
 AJ556156 Pseudonocardia benzen
 AB193565 Micromonospora siamen
 M27245

GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTATGGCGCA-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG
 ACCGGCCAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAAGACGTAGGGTGCG-AGCG
 GCCGGCTAAGTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAGGGCGCA-AGCG

AJ293704 Actinomadura glomerat
 AJ293707 Actinomadura longicat
 AF134066 Actinomadura aurantia
 X97890 A.kijaniata
 AJ420134 Actinomadura namibien
 D86943 Excellospora viridilute
 AF163118 Actinomadura oligospo
 AJ420138 Actinomadura atrament
 AJ420137 Actinomadura fulvesce
 AJ420136 Actinomadura hibisca
 PK3-92
 AF277195 Actinomadura mexicana
 AJ420139 Actinomadura citrea
 AJ420140 Actinomadura formosen
 AF153881 Actinomadura glucofla
 U49008 Actinomadura luteofluor
 U49002 Actinomadura coerulea
 U49011 Actinomadura verrucospo
 U49009 Actinomadura macra
 X97889 A.madurae
 AJ420141 Actinomadura viridis
 AF134070 Actinomadura vinacea
 ARU49010 Actinomadura rugatobi
 AF154127 Actinomadura catellat
 AJ293706 Actinomadura livida
 DQ076484 Actinomadura hallensi
 AF163122 Actinomadura yumaensi
 AF134067 Actinomadura cremea s
 U49003 Actinomadura cremea rif
 AF163114 Actinomadura fibrosa
 AY035998 Actinomadura Latina
 AY568292 Actinomadura napiieren
 AY273787 Actinomadura meyerii
 AY035999 Actinomadura nitritig
 AJ420135 Actinomadura echinosp
 AJ293713 Actinomadura umbrina
 AJ293712 Actinomadura spadix
 AJ556156 Pseudonocardia benzen
 AB193565 Micromonospora siamen
 M27245

TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC
 TTGTCGGGAATTATTGGGCGTAAAGAGCTC-GTAGGGCGCTGTGCGCTC

AJ293704 Actinomadura glomerat
 AJ293707 Actinomadura longicat
 AF134066 Actinomadura aurantia
 X97890 A.kijaniata
 AJ420134 Actinomadura namibien
 D86943 Excellospora viridilute
 AF163118 Actinomadura oligospo
 AJ420138 Actinomadura atrament
 AJ420137 Actinomadura fulvesce
 AJ420136 Actinomadura hibisca
 PK3-92
 AF277195 Actinomadura mexicana
 AJ420139 Actinomadura citrea
 AJ420140 Actinomadura formosen
 AF153881 Actinomadura glucofla
 U49008 Actinomadura luteofluor
 U49002 Actinomadura coerulea
 U49011 Actinomadura verrucospo
 U49009 Actinomadura macra
 X97889 A.madurae
 AJ420141 Actinomadura viridis

GG-ACGTGAAAGCTCAGGGCTAACCCTGAGTCTGCGTTCGATACGGGCA
 GG-ACGTGAAAGCTCAGGGCTAACCCTGAGTCTGCGTTCGATACGGGCA
 GG-ATGTGAAAGCTCAGGGCTAACCCTCGGGTCTGCATCCGATACGGGCA
 GG-TTGTAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 GG-TTGTAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 GG-ATGTGAAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 GG-GTGTGAAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 GG-GTGTGAAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 GG-TTGTAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 CG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 TG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA
 CG-TCGTGAAGGCCACGGCTAACCCTGAGTCTGCATCCGATACGGGCA

AJ420138_Actinomadura_atrament
AJ420137_Actinomadura_fulvesce
AJ420136_Actinomadura_hibisca
PK3-92
AF277195_Actinomadura_mexicana
AJ420139_Actinomadura_citreaa
AJ420140_Actinomadura_formosen
AF153881_Actinomadura_glucofla
U49008_Actinomadura_luteofluor
U49002_Actinomadura_coerulea
U49011_Actinomadura_verrucospo
U49009_Actinomadura_macra
X97889_A.maduraa
AJ420141_Actinomadura_viridis
AF134070_Actinomadura_vinacea
ARU49010_Actinomadura_rugatobi
AF154127_Actinomadura_catellat
AJ293706_Actinomadura_livida
DQ076484_Actinomadura_hallensi
AF163122_Actinomadura_yumaensi
AF134067_Actinomadura_cremaa_s
U49003_Actinomadura_cremaa_rif
AF163114_Actinomadura_fibrosa
AY035998_Actinomadura_Latina
AY568292_Actinomadura_napieren
AY273787_Actinomadura_meyerii
AY035999_Actinomadura_nitritig
AJ420135_Actinomadura_echinosp
AJ293713_Actinomadura_umbriina
AJ293712_Actinomadura_spadix
AJ556156_Pseudonocardia_benzen
AB193565_Micromonospora_siamen
M27245

AJ293704_Actinomadura_glomerat
AJ293707_Actinomadura_longicat
AF134066_Actinomadura_aurantia
X97890_A.kijaniata
AJ420134_Actinomadura_namibien
D86943_Excellospora_viridilute
AF163118_Actinomadura_oligospo
AJ420138_Actinomadura_atrament
AJ420137_Actinomadura_fulvesce
AJ420136_Actinomadura_hibisca
PK3-92
AF277195_Actinomadura_mexicana
AJ420139_Actinomadura_citreaa
AJ420140_Actinomadura_formosen
AF153881_Actinomadura_glucofla
U49008_Actinomadura_luteofluor
U49002_Actinomadura_coerulea
U49011_Actinomadura_verrucospo
U49009_Actinomadura_macra
X97889_A.maduraa
AJ420141_Actinomadura_viridis
AF134070_Actinomadura_vinacea
ARU49010_Actinomadura_rugatobi
AF154127_Actinomadura_catellat
AJ293706_Actinomadura_livida
DQ076484_Actinomadura_hallensi
AF163122_Actinomadura_yumaensi
AF134067_Actinomadura_cremaa_s
U49003_Actinomadura_cremaa_rif
AF163114_Actinomadura_fibrosa
AY035998_Actinomadura_Latina
AY568292_Actinomadura_napieren
AY273787_Actinomadura_meyerii
AY035999_Actinomadura_nitritig
AJ420135_Actinomadura_echinosp
AJ293713_Actinomadura_umbriina
AJ293712_Actinomadura_spadix
AJ556156_Pseudonocardia_benzen
AB193565_Micromonospora_siamen
M27245

CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC
CCCTGGTAGT-CCACGCCGTAACGTTGGGCG-CTAGGTGTGGG-TCC

TCCACGGTTTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGTTTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGTTTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGGTTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG
TCCACGGATTCCGCGCGCAGCTAACGCATTAAGCGCCCCGCTGGGGAG

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AJ293713 Actinomadura umbrina CGGCGGAGCATGTTGCTTAATTCGACGCAACGCGAAGAACCTTACCAAGG
 AJ293712 Actinomadura spadix CGGCGGAGCATGTTGCTTAATTCGACGCAACGCGAAGAACCTTACCAAGG
 AJ556156 Pseudonocardia benzen CGGCGGAGCATGTTGCTTAATTCGATGCAACGCGAAGAACCTTACCTGGG
 AB193565 Micromonospora siamen CGGCGGAGCATGTTGCTTAATTCGACGCAACGCGAAGAACCTTACCAAGG
 M27245 ***** * * ***** * ***** * ***** * *

AJ293704 Actinomadura glomerat CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ293707 Actinomadura longicat CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF134066 Actinomadura aurantia CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 X97890 A.kijaniata CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420134 Actinomadura namibien CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 D86943 Excellospora viridilute CTTGACATCACT-CGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF163118 Actinomadura oligospor CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420138 Actinomadura atrament CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420137 Actinomadura fulvesce CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420136 Actinomadura hibisca CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 PK3-92 CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF277195 Actinomadura mexicana CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420139 Actinomadura citrea CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420140 Actinomadura formosen CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF153881 Actinomadura glucofla CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 U49008 Actinomadura luteofluor CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 U49002 Actinomadura coerulea CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 U49011 Actinomadura verrucospor CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 U49009 Actinomadura macra CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 X97889 A.madurae CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420141 Actinomadura viridis CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF134070 Actinomadura vinacea CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 ARU49010 Actinomadura rugatobi CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF154127 Actinomadura catellat CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ293706 Actinomadura livida CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 DQ076484 Actinomadura hallensi CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF163122 Actinomadura yumaensi CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF134067 Actinomadura cremaea s CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 U49003 Actinomadura cremaea rif CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AF163114 Actinomadura fibrosa CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AY035998 Actinomadura Latina CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AY568292 Actinomadura napieren CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AY273787 Actinomadura meyerii CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AY035999 Actinomadura nitritig CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ420135 Actinomadura echinosp CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ293713 Actinomadura umbrina CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ293712 Actinomadura spadix CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AJ556156 Pseudonocardia benzen CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 AB193565 Micromonospora siamen CTTGACATCGCC-GGAAAACCTCGCAGAGATGCGGGGTCCCTTT--TGGGCC
 M27245 ***** * * ***** * ***** * ***** * *

AJ293704 Actinomadura glomerat GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ293707 Actinomadura longicat GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF134066 Actinomadura aurantia GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 X97890 A.kijaniata GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420134 Actinomadura namibien GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 D86943 Excellospora viridilute GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF163118 Actinomadura oligospor GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420138 Actinomadura atrament GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420137 Actinomadura fulvesce GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420136 Actinomadura hibisca GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 PK3-92 GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF277195 Actinomadura mexicana GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420139 Actinomadura citrea GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420140 Actinomadura formosen GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF153881 Actinomadura glucofla GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 U49008 Actinomadura luteofluor GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 U49002 Actinomadura coerulea GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 U49011 Actinomadura verrucospor GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 U49009 Actinomadura macra GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 X97889 A.madurae GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ420141 Actinomadura viridis GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF134070 Actinomadura vinacea GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 ARU49010 Actinomadura rugatobi GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF154127 Actinomadura catellat GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AJ293706 Actinomadura livida GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 DQ076484 Actinomadura hallensi GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF163122 Actinomadura yumaensi GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG
 AF134067 Actinomadura cremaea s GGTGACAGGTGGTGATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTGGG

U49003_Actinomadura_cremae_rif
 AF163114_Actinomadura_fibrosa
 AY035998_Actinomadura_Latina
 AY568292_Actinomadura_naplieren
 AY273787_Actinomadura_meyerii
 AY035999_Actinomadura_nitritig
 AJ420135_Actinomadura_echinosp
 AJ293713_Actinomadura_umbrina
 AJ293712_Actinomadura_spadix
 AJ556156_Pseudonocardia_benzen
 AB193565_Micromonospora_siamen
 M27245

AJ293704_Actinomadura_glomerat
 AJ293707_Actinomadura_longicat
 AF134066_Actinomadura_aurantia
 X97890_A.kijaniata
 AJ420134_Actinomadura_namibien
 D86943_Excellospora_viridilute
 AF163118_Actinomadura_oligospo
 AJ420138_Actinomadura_atrament
 AJ420137_Actinomadura_fulvesce
 AJ420136_Actinomadura_hibisca
 PK3-92
 AF277195_Actinomadura_mexicana
 AJ420139_Actinomadura_citrea
 AJ420140_Actinomadura_formosen
 AF153881_Actinomadura_glucofla
 U49008_Actinomadura_luteofluor
 U49002_Actinomadura_coerulea
 U49011_Actinomadura_verrucospo
 U49009_Actinomadura_macra
 X97889_A.madurae
 AJ420141_Actinomadura_viridis
 AF134070_Actinomadura_vinacea
 ARU49010_Actinomadura_rugatobi
 AF154127_Actinomadura_catellat
 AJ293706_Actinomadura_livida
 DQ076484_Actinomadura_hallensi
 AF163122_Actinomadura_yumaensi
 AF134067_Actinomadura_cremae_s
 U49003_Actinomadura_cremae_rif
 AF163114_Actinomadura_fibrosa
 AY035998_Actinomadura_Latina
 AY568292_Actinomadura_naplieren
 AY273787_Actinomadura_meyerii
 AY035999_Actinomadura_nitritig
 AJ420135_Actinomadura_echinosp
 AJ293713_Actinomadura_umbrina
 AJ293712_Actinomadura_spadix
 AJ556156_Pseudonocardia_benzen
 AB193565_Micromonospora_siamen
 M27245

AJ293704_Actinomadura_glomerat
 AJ293707_Actinomadura_longicat
 AF134066_Actinomadura_aurantia
 X97890_A.kijaniata
 AJ420134_Actinomadura_namibien
 D86943_Excellospora_viridilute
 AF163118_Actinomadura_oligospo
 AJ420138_Actinomadura_atrament
 AJ420137_Actinomadura_fulvesce
 AJ420136_Actinomadura_hibisca
 PK3-92
 AF277195_Actinomadura_mexicana
 AJ420139_Actinomadura_citrea
 AJ420140_Actinomadura_formosen
 AF153881_Actinomadura_glucofla
 U49008_Actinomadura_luteofluor
 U49002_Actinomadura_coerulea
 U49011_Actinomadura_verrucospo
 U49009_Actinomadura_macra
 X97889_A.madurae
 AJ420141_Actinomadura_viridis

GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GGTGACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GT-CACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 GTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGCGTGTGAGATGTTGGG
 * ***** * ** *****

TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAACACC
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAACACC
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCA----
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGGTG-
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGGTG-
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCGGGTT-
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGCTC
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGGTG-
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAACACC
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAACACC
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCACAC-
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGC-AC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGT---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 TTAAGTCCC-GCAACGAGCGCAACCCTCGTTCATGTTGCCAGCAGC---
 ***** ***** * ** * *****

TT--CGGGTGGTTGGGG--ACTCATGGGAGA--CTGCCGGGGTCAACTCG
 TT--CGGGTGGTTGGGG--ACTCATGGGAGA--CTGCCGGGGTCAACTCG
 ----CGTAATGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CTGCCGGGGTCAACTCG
 -----ATGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----ATGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----ATGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----ATGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 TTTC--GGGTGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 TTTC--GGGTGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG
 -----TTCGGGTGGGG--ACTCATGGGAGA--CCGCCGGGGTCAACTCG

เอกสารนี้เป็นเอกสารลิขสิทธิ์ภายใต้การดำเนินงานเพื่อการศึกษา โดยผู้จัดทำไม่ได้รับประโยชน์ใดๆ การค้า
 ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดลอกเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AJ293713_Actinomadura_umbrina	GTCGAAGGTGGGGCCCGATTGGGACGAAGAGGTAG-----
AJ293712_Actinomadura_spadix	GTCGAAGGTGGGGCCCGATTGGGACGAAGAGGTAGCCGTA
AJ556156_Pseudonocardia_benzen	GTCGAAGGTGGGACTCGATTGGGACGAAGAGGTAGCCGTA
AB193565_Micromonospora_siamen	GTCGAAGGTGGGGCTCGATTGGGACGAAGAGGTAGCCGTA
M27245	GTCGAAGGTGGGACTCGATTGGGACGAAGAGGTAGCCGTA

AJ293704_Actinomadura_glomerat	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
AJ293707_Actinomadura_longicat	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
AF134066_Actinomadura_aurantia	GCGG-----
X97890_A.kijaniata	-----
AJ420134_Actinomadura_namibien	-----
D86943_Excellospora_viridilute	CCGGAAGGTGC-----
AF163118_Actinomadura_oligospo	-----
AJ420138_Actinomadura_atrament	-----
AJ420137_Actinomadura_fulvesce	-----
AJ420136_Actinomadura_hibisca	-----
PK3-92	-----
AF277195_Actinomadura_mexicana	-----
AJ420139_Actinomadura_citrea	-----
AJ420140_Actinomadura_formosen	GTCGAAGGTGGGGCCGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAA
AF153881_Actinomadura_glucofla	-----
U49008_Actinomadura_luteofluor	-----
U49002_Actinomadura_coerulea	-----
U49011_Actinomadura_verrucospo	-----
U49009_Actinomadura_macra	-----
X97889_A.madurae	-----
AJ420141_Actinomadura_viridis	-----
AF134070_Actinomadura_vinacea	-----
ARU49010_Actinomadura_rugatobi	-----
AF154127_Actinomadura_catellat	-----
AJ293706_Actinomadura_livida	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
DQ076484_Actinomadura_hallensi	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
AF163122_Actinomadura_yumaensi	-----
AF134067_Actinomadura_cremea_s	-----
U49003_Actinomadura_cremea_rif	-----
AF163114_Actinomadura_fibrosa	-----
AY035998_Actinomadura_Latina	CCGGAAGG-GCGGTTG-ATAACTTCTTTT-----
AY568292_Actinomadura_napieren	-----
AY273787_Actinomadura_meyerii	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
AY035999_Actinomadura_nitritig	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
AJ420135_Actinomadura_echinosp	-----
AJ293713_Actinomadura_umbrina	-----
AJ293712_Actinomadura_spadix	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-----
AJ556156_Pseudonocardia_benzen	CCGGAAG-----
AB193565_Micromonospora_siamen	CCGGAAGGTGCGTGGAAATTC-----
M27245	CCGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTTTCT-----

4. Multiple Sequence Alignment ของไอโซเลต RN3-4

AJ399489_Streptomyces_iakyrus	-----
AJ306622_Streptomyces_coeruleo	-----
AJ399473_Streptomyces_coeruleo	-----
AJ781352_Streptomyces_lomonden	-----GCGGCGTGCTTAA
AB184424_Streptomyces_lusitanu	-----TAA
AB184326_Streptomyces_parvulus	-----ACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AB249920_Streptomyces_olivaceu	-----GACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
RN3-4_align	TTTGAGTTTGTCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AB184263_Streptomyces_carnosus	-----GAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AB184398_Streptomyces_pactum	-----CGCTGGCGGCGTGCTTAA
AF503500_Streptomyces_cyanogen	-----GAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AF503495_Streptomyces_caesius	-----TCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AF503494_Streptomyces_violaceo	-----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AF503496_Streptomyces_coelesce	-----TTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AJ781373_Streptomyces_rubrogri	-----GACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AB184172_Streptomyces_tendae	-----ACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AY999773_Streptomyces_aurantio	-----CTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AB184399_Streptomyces_pallidus	-----ACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AB045877_Streptomyces_capoamus	-----GCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AF455813_Streptomyces_padanus	GGAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAA
AJ621604_Streptomyces_purpurog	-----AACGCTGGCGGCGTGCTTAA

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไมอนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ทางการค้า
 ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

RN3-4_align
 AB184263_Streptomyces_carnosus
 AB184398_Streptomyces_pactum
 AF503500_Streptomyces_cyanogen
 AF503495_Streptomyces_caesius
 AF503494_Streptomyces_violaceo
 AF503496_Streptomyces_coeloesce
 AJ781373_Streptomyces_rubrogr
 AB184172_Streptomyces_tendae
 AY999773_Streptomyces_aurantio
 AB184399_Streptomyces_pallidus
 AB045877_Streptomyces_capoamus
 AF455813_Streptomyces_padanus
 AJ621604_Streptomyces_purpurog
 AB193565_Micromonospora_siamen

AGTGGGGAATATTGCACA-TGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT
 AGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGAAAGCCTGATGCAGCGACGCCCGGT

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
 AJ306622_Streptomyces_coeruleo
 AJ399473_Streptomyces_coeruleo
 AJ781352_Streptomyces_lomonden
 AB184424_Streptomyces_lusitanu
 AB184326_Streptomyces_parvulus
 AB249920_Streptomyces_olivaceu
 RN3-4_align
 AB184263_Streptomyces_carnosus
 AB184398_Streptomyces_pactum
 AF503500_Streptomyces_cyanogen
 AF503495_Streptomyces_caesius
 AF503494_Streptomyces_violaceo
 AF503496_Streptomyces_coeloesce
 AJ781373_Streptomyces_rubrogr
 AB184172_Streptomyces_tendae
 AY999773_Streptomyces_aurantio
 AB184399_Streptomyces_pallidus
 AB045877_Streptomyces_capoamus
 AF455813_Streptomyces_padanus
 AJ621604_Streptomyces_purpurog
 AB193565_Micromonospora_siamen

GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC
 GAGGGATGACGGCCTT-CGGGTTGTAACCTCTTTTCAGCAGGGAAGAAGC

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
 AJ306622_Streptomyces_coeruleo
 AJ399473_Streptomyces_coeruleo
 AJ781352_Streptomyces_lomonden
 AB184424_Streptomyces_lusitanu
 AB184326_Streptomyces_parvulus
 AB249920_Streptomyces_olivaceu
 RN3-4_align
 AB184263_Streptomyces_carnosus
 AB184398_Streptomyces_pactum
 AF503500_Streptomyces_cyanogen
 AF503495_Streptomyces_caesius
 AF503494_Streptomyces_violaceo
 AF503496_Streptomyces_coeloesce
 AJ781373_Streptomyces_rubrogr
 AB184172_Streptomyces_tendae
 AY999773_Streptomyces_aurantio
 AB184399_Streptomyces_pallidus
 AB045877_Streptomyces_capoamus
 AF455813_Streptomyces_padanus
 AJ621604_Streptomyces_purpurog
 AB193565_Micromonospora_siamen

GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG
 GAAAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACTACGTGCCAGCAG

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
 AJ306622_Streptomyces_coeruleo
 AJ399473_Streptomyces_coeruleo
 AJ781352_Streptomyces_lomonden
 AB184424_Streptomyces_lusitanu
 AB184326_Streptomyces_parvulus
 AB249920_Streptomyces_olivaceu
 RN3-4_align
 AB184263_Streptomyces_carnosus
 AB184398_Streptomyces_pactum
 AF503500_Streptomyces_cyanogen
 AF503495_Streptomyces_caesius

CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA
 CCCGGTAATACGTAGGGCGCAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAA

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์ไว้เพื่อการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น มิใช่เพื่อเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาต

ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coeleste
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siame

CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
CCGCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCGCGAATTATTGGGGCTAAA
***** ** *****

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coeleste
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siame

GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC
GAGCTCGTAGGCGGCTTGTACGTCGGTGTGAAAGCCCGGGCTTAACC

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coeleste
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siame

CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG
CCGGTCTGCAGTCGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGATCGG

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coeleste
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio

AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT
AATTCCTGGTGTAGCGGTGAAATGCCGAGATATCAGGAGGAACACCCGGT

เอกสาร
ไม่ว่าการ
การ
การ
การ

AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siamen

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coalesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogr
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siamen

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coalesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogr
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siamen

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coalesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogr
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpureog
AB193565_Micromonospora_siamen

AATTCTCTGGTGTAGCGGTGAAAATGCGCAGATATCAGGAGGAACACCCGGTG
AATTCTCTGGTGTAGCGGTGAAAATGCGCAGATATCAGGAGGAACACCCGGTG
AATTCTCTGGTGTAGCGGTGAAAATGCGCAGATATCAGGAGGAACACCCGGTG
AATTCTCTGGTGTAGCGGTGAAAATGCGCAGATATCAGGAGGAACACCCGGTG
AATTCTCTGGTGTAGCGGTGAAAATGCGCAGATATCAGGAGGAACACCCGGTG

GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG
GCGAAGGCCGATCTCTGGGCCGATACTGACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGG

GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC
GGAGCGAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGTGGGGC

ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
ACTAGGTTGTGGGCAACATTCCACGTTGTCCTGTCCCGTGCCGCAGCTAACGCATTA
GCTAGGTTGTGGGGCCCTCTCCGTTCCCTGTGCCGCAGCTAACGCATTA

เอกสารนี้เป็นทรัพย์สินทางปัญญาของสำนักงานหอการค้าจังหวัดสุพรรณบุรี

ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดลอกเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AF503496_Streptomyces_coelesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpurog
AB193565_Micromonospora_siamen

TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT
TGCAACTCGACCCCATGAAGTCGGAGTCGCTAGTAATCGCAGATCAGCAT

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coelesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpurog
AB193565_Micromonospora_siamen

TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA
TGCTGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACGTCA

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coelesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus
AB045877_Streptomyces_capoamus
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621604_Streptomyces_purpurog
AB193565_Micromonospora_siamen

CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG
CGAAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCC--TTGTGGG-AGG

AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN3-4_align
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503496_Streptomyces_coelesce
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AB184399_Streptomyces_pallidus

GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
GAGCTGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์การใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นิยมนำไปเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาต
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีกรนำไปใช้

```

AB045877_Streptomyces_capoamus      GAGCTGTCGAAGGTGGGACTACATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
AF455813_Streptomyces_padanus      GAGCTGTCGAAGGTGGGACCACATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
AJ621604_Streptomyces_purpurog     GAATCGTCGAAGGTGGGACTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
AB193565_Micromonospora_siamen     GAGCCGTCGAAGGTGGGGCTGCATTGGGACGAAGTCGTAACAAGGTAG
**      ***** * * *****

AJ399489_Streptomyces_iakyrus      CCGTACCGGAGG-----
AJ306622_Streptomyces_coeruleo     CCGTACCGGAGG-----
AJ399473_Streptomyces_coeruleo     CCGTACCGGAGG-----
AJ781352_Streptomyces_lomonden     CCGTACCGGAGG-----
AB184424_Streptomyces_lusitanu     -----
AB184326_Streptomyces_parvulus     CCGTACCGGAG-----
AB249920_Streptomyces_olivaceo     -----
RN3-4_align                          -----
AB184263_Streptomyces_carnosus     CCGTACCG-----
AB184398_Streptomyces_pactum       CC-----
AF503500_Streptomyces_cyanogen     -----
AF503495_Streptomyces_caesius      CCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-
AF503494_Streptomyces_violaceo     CCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-
AF503496_Streptomyces_coelesce     CCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-
AJ781373_Streptomyces_rubrogru     CCGTACCGGAGG-----
AB184172_Streptomyces_tendae       CCGTACCGGA-----
AY999773_Streptomyces_aurantio     CCGTACCGGAGGTGCGGCT-----
AB184399_Streptomyces_pallidus     CCGTACCGGAG-----
AB045877_Streptomyces_capoamus     CCGTACCGGAG-----
AF455813_Streptomyces_padanus      CCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-
AJ621604_Streptomyces_purpurog     CCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT-
AB193565_Micromonospora_siamen     CCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATTC-----

```

5. Multiple Sequence Alignment ของไลโซเทค PK4-1

```

AB249940_Streptomyces_javensis     -----GACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AF336800_Streptomyces_yatensis     -----GCTGGCGGCGTGCTT
AJ621612_Streptomyces_tubercid     -----AACGCTGGCGGCGTGCTT
AJ621604_Streptomyces_purpurog     -----AACGCTGGCGGCGTGCTT
DQ026653_Streptomyces_varsovie     -----AGTTTGATTC TGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AB184493_Streptomyces_ehimensi     -----ACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
PK4-1_align                          -TTTGAGTTTGTCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AJ399489_Streptomyces_iakyrus      -----
AJ306622_Streptomyces_coeruleo     -----
AJ781352_Streptomyces_lomonden     -----GCGGCGTGCTT
AB184424_Streptomyces_lusitanu     -----T
AB184326_Streptomyces_parvulus     -----ACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AB184626_Streptomyces_paulus       -----TGCTT
AB184147_Streptomyces_limosus       -----ACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
Z76681_S.felleus                     -----AACGCTGGCGGCGTGCTT
Z76684_S.canescens                   -----AACGCTGGCGGCGTGCTT
AJ007403_Streptomyces_somaliens     -----GCTGGCGGCGTGCTT
X79853_Streptomyces_hygroscopi     ---AGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AB045877_Streptomyces_capoamus     -----GCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AB249953_Streptomyces_albidoch     -----GACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AF385681_Streptomyces_beijiang     ATCAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
X79851_Streptomyces_bikiniensi     ---AGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AF455813_Streptomyces_padanus      -GGAGAGTTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTT
AJ621602_Streptomyces_albus_su     -----AACGCTGGCGGCGTGCTT
AB193565_Micromonospora_siamen     -----

```

```

AB249940_Streptomyces_javensis     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGGTTTCGGCCGGGGATTAGTGGCG
AF336800_Streptomyces_yatensis     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGGTTTCGGCCGGGGATTAGTGGCG
AJ621612_Streptomyces_tubercid     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCTCCTTCGGGAGGGGATTAGTGGCG
AJ621604_Streptomyces_purpurog     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCTCCTTCGGGAGGGGATTAGTGGCG
DQ026653_Streptomyces_varsovie     AACACATGCAAGTCGAACGATGAAGCCCTTC-GG-GGTGGATTAGTGGCG
AB184493_Streptomyces_ehimensi     AACACATGCAAGTCGAACGATGAAGCCCTTC-GG-GGTGGATTAGTGGCG
PK4-1_align                          AACACATGCAAGTCGAACGATGAAGCCCTTC-GGTGGTGGATTAGTGGCG
AJ399489_Streptomyces_iakyrus      -----CAAGTCGAACGATGAACCACTTC--GGTGGGATTAGTGGCG
AJ306622_Streptomyces_coeruleo     -----CAAGTCGAACGATGAACCACTTC--GGTGGGATTAGTGGCG
AJ781352_Streptomyces_lomonden     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCACTTC--GGTGGGATTAGTGGCG
AB184424_Streptomyces_lusitanu     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCACTTC--GGTGGGATTAGTGGCG
AB184326_Streptomyces_parvulus     AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCACTTC--GGTGGGATTAGTGGCG
AB184626_Streptomyces_paulus       AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGTTCGGCCGGGGATTAGTGGCG

```

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_s.felleus
Z76684_s.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
AACACATGCAAGTCGAACGATGAACCGCTTTCGGGCGGGGATTAGTGGCG
-----TCGAGCGGAAAGCCCTTC--GGGTACTCGAGCGGCG

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_s.felleus
Z76684_s.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC
AACGGGTGAGTAACACGTTGGGCAATCTGCCCTGCACTCTGGGACAAGCCC

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_s.felleus
Z76684_s.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGCACCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACACCCCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-CGACTACACCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-CGACACACCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-CGACCGCACCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTATACCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACCCACCGCATGGTGT
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-
TGGAACGGGGTCTAATACCGGATA-TGACTGACCTGGGCATCGAG-

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo

GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
TGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
TGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT
GGTAAAGCTCCGGCGGTGCAGGATGAGCCCGGGCTATCAGCTTGT

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์การใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นิยมนำไปเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาต
ไม่วารณี่ใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_S.felleus
Z76684_S.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

GCAGCCGGTAATACGTATGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG
GCAGCCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCG

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_S.felleus
Z76684_S.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT
TAAAGAGCTCGTAGGCCGGCTTGTCCGTCGGATGTGAAAGCCCAGGGGCTT

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_S.felleus
Z76684_S.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanus
AJ621602_Streptomyces_albus_su

AAC TCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC TCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
AAC CCCGGGCTG CATT CGATAC GGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA

AB193565_Micromonospora_siamen

AAC TCCAAGCCTGCGGTGATACGGGCAGGCTAGAGTTCGGTAGGGGAGA
*** ** * **** * ***** ** * ** * ** * *****

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_s.felleus
Z76684_s.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanu
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC
TCGGAATTCCTGGGTAGCGGTGAAATGCCAGATATCAGGAGGAACACC

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_s.felleus
Z76684_s.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch
AF385681_Streptomyces_beijiang
X79851_Streptomyces_bikiniensi
AF455813_Streptomyces_padanu
AJ621602_Streptomyces_albus_su
AB193565_Micromonospora_siamen

GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC
GGTGGCGAAGGCGGATCTCTGGGCCGATAGTACGCTGAGGAGCGAAAGC

AB249940_Streptomyces_javensis
AF336800_Streptomyces_yatensis
AJ621612_Streptomyces_tubercid
AJ621604_Streptomyces_purpurog
DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ306622_Streptomyces_coeruleo
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184326_Streptomyces_parvulus
AB184626_Streptomyces_paulus
AB184147_Streptomyces_limosus
Z76681_s.felleus
Z76684_s.canescens
AJ007403_Streptomyces_somalien
X79853_Streptomyces_hygroscopi
AB045877_Streptomyces_capoamus
AB249953_Streptomyces_albidoch

GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT
GTGGGAGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGTT

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์การใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น มิอนุญาตให้นำไปเผยแพร่ในทางการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AJ007403 Streptomyces_somalien
X79853 Streptomyces_hygroscopi
AB045877 Streptomyces_capoamus
AB249953 Streptomyces_albidoch
AF385681 Streptomyces_beijiang
X79851 Streptomyces_bikiniensis
AF455813 Streptomyces_padanus
AJ621602 Streptomyces_albus_su
AB193565 Micromonospora_siamen

ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA
ATTGACGGGGCCCGCACAAAGCGGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCA

AB249940 Streptomyces_javensis
AF336800 Streptomyces_yatensis
AJ621612 Streptomyces_tubercid
AJ621604 Streptomyces_purpurog
DQ026653 Streptomyces_varsovie
AB184493 Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489 Streptomyces_iakyrus
AJ306622 Streptomyces_coeruleo
AJ781352 Streptomyces_lomondan
AB184424 Streptomyces_lusitanu
AB184326 Streptomyces_parvulus
AB184626 Streptomyces_paulus
AB184147 Streptomyces_limosus
Z76681 S.felleus
Z76684 S.canescens

ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAC
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAC
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAC
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT
ACGCGAAGAACCCTTACCAAGGCTTGACATACACCGGAAAACCTGGAGAT

AJ007403 Streptomyces_somalien
X79853 Streptomyces_hygroscopi
AB045877 Streptomyces_capoamus
AB249953 Streptomyces_albidoch
AF385681 Streptomyces_beijiang
X79851 Streptomyces_bikiniensis
AF455813 Streptomyces_padanus
AJ621602 Streptomyces_albus_su
AB193565 Micromonospora_siamen

AGGGTCCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGGTGCCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
AGGGTCCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
AGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT
GGTGCSCCCCTTGTGGTCCGGTGTACAGGTGGTGCATGGCTGTGCTCAGCT

AB249940 Streptomyces_javensis
AF336800 Streptomyces_yatensis
AJ621612 Streptomyces_tubercid
AJ621604 Streptomyces_purpurog
DQ026653 Streptomyces_varsovie
AB184493 Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489 Streptomyces_iakyrus
AJ306622 Streptomyces_coeruleo
AJ781352 Streptomyces_lomondan
AB184424 Streptomyces_lusitanu
AB184326 Streptomyces_parvulus
AB184626 Streptomyces_paulus
AB184147 Streptomyces_limosus
Z76681 S.felleus
Z76684 S.canescens

CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC
CGTGTGCTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCCTTGTTC

AJ007403 Streptomyces_somalien
X79853 Streptomyces_hygroscopi
AB045877 Streptomyces_capoamus
AB249953 Streptomyces_albidoch
AF385681 Streptomyces_beijiang
X79851 Streptomyces_bikiniensis
AF455813 Streptomyces_padanus
AJ621602 Streptomyces_albus_su
AB193565 Micromonospora_siamen

AB249940 Streptomyces_javensis
AF336800 Streptomyces_yatensis
AJ621612 Streptomyces_tubercid
AJ621604 Streptomyces_purpurog
DQ026653 Streptomyces_varsovie
AB184493 Streptomyces_ehimensi
PK4-1_align
AJ399489 Streptomyces_iakyrus
AJ306622 Streptomyces_coeruleo
AJ781352 Streptomyces_lomondan
AB184424 Streptomyces_lusitanu
AB184326 Streptomyces_parvulus

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาค้นคว้า ไม่นอนุญาติให้นำไปเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาต
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้


```

AB249940_Streptomyces_javensis        GGTAGCCGTACCGGAGGTGC-----
AF336800_Streptomyces_yatensis        GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTTA
AJ621612_Streptomyces_tubercid        GGTACGGCTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTTT
AJ621604_Streptomyces_purpureoq      GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTTT
DQ026653_Streptomyces_varsovie       GGTAGCCGTACCGGAGGTG-----
AB184493_Streptomyces_ehimensi        GGTAGCCGTACCGGAGG-----
FK4-1_align
AJ399489_Streptomyces_iakyrus         GGTAGCCGTACCGGAGG-----
AJ306622_Streptomyces_coeruleo        GGTAGCCGTACCGGAGG-----
AJ781352_Streptomyces_lomonden        GGTAGCCGTACCGGAGG-----
AB184424_Streptomyces_lusitanu        GGTAG-----
AB184326_Streptomyces_parvulus        GGTAGCCGTACCGGAG-----
AB184626_Streptomyces_paulus          GGTAGCCGT-----
AB184147_Streptomyces_limosus         GGTAGCCGTACCGGAG-----
Z76681_S.felleus                       GGTAGCCGTACCGGAGGTT-----
Z76684_S.canescens                     GGTAGCCGTACCGGAGGTT-----
AJ007403_Streptomyces_somalien        GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGA-----
X79853_Streptomyces_hygroscopi        GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTT-
AB045877_Streptomyces_capoamus        GGTAGCCGTACCGGAGG-----
AB249953_Streptomyces_albidoch        GGTAGCCAA-----
AF385681_Streptomyces_beijiang       GGT-----
X79851_Streptomyces_bikiniensi        GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTT-
AF455813_Streptomyces_padanus         GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTT-
AJ621602_Streptomyces_albus_su        GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCCTCCTT
AB193565_Micromonospora_siamen        GGTAGCCGTACCGGAGGTGCGTGAATTC-----

```

6. Multiple Sequence Alignment ของไลโซเลต RN1-7

```

DQ026653_Streptomyces_varsovie       ----AGTTTGATTC TGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCTTAAC
AB184493_Streptomyces_ehimensi        -----ACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AB249920_Streptomyces_olivaceu        -----GACGAACGCTGGCGGGCGTGCTTAAC
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen        -----GAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AJ781373_Streptomyces_rubrogri        -----GACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AB184172_Streptomyces_tendae          -----ACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AY999773_Streptomyces_aurantio       -----CTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AF503494_Streptomyces_violaceo       -----TGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AF503495_Streptomyces_caesius        -----TCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AF503496_Streptomyces-coelesce       -----TTTGATCCTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AB184263_Streptomyces_carnosus        -----GAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AB184398_Streptomyces_pactum          -----CGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AB184326_Streptomyces_parvulus        -----ACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AJ781352_Streptomyces_lomonden        -----GCGGGCTGCTTAAC
AB184424_Streptomyces_lusitanu        -----TAAC
AB184626_Streptomyces_paulus          -----TGCTTAAC
AB045888_Streptomyces_purpuras        -----GCTCAGGACGAACGCTGGCGGGCTGCTTAAC
AJ399489_Streptomyces_iakyrus        -----
AJ399473_Streptomyces_coeruleo       -----
AB193565_Micromonospora_siamen        -----

```

```

DQ026653_Streptomyces_varsovie       ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184493_Streptomyces_ehimensi        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB249920_Streptomyces_olivaceu        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AJ781373_Streptomyces_rubrogri        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184172_Streptomyces_tendae          ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AY999773_Streptomyces_aurantio       ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AF503494_Streptomyces_violaceo       ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AF503495_Streptomyces-caesius        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AF503496_Streptomyces-coelesce       ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184263_Streptomyces_carnosus        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184398_Streptomyces_pactum          ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184326_Streptomyces_parvulus        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AJ781352_Streptomyces_lomonden        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184424_Streptomyces_lusitanu        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB184626_Streptomyces_paulus         ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AB045888_Streptomyces_purpuras        ACATGCAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AJ399489_Streptomyces_iakyrus        -----CAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC
AJ399473_Streptomyces_coeruleo       -----CAAGTCGAACGATGAGCCCTTC--GGGGTGGATTAGTGCGCAAC

```

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นิยมนำไปใช้เชิงพาณิชย์

ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้คัดลอกเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpurus
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA
AGGGATGACGGCCTTCGGGTGTAAACCTCTTTCAGCAGGGAAGAAGCGA

DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpurus
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC
AAGTGACGGTACCTGCAGAAGAAGCGCCGGCTAACACGTGCCAGCAGCC

DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpurus
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA
GCGGTAATACGTAGGGCGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGA

DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AJ781373_Streptomyces_rubrogri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpurus
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC
GCTCGTAGGCGGCTTGTGCGTCGGATGTGAAAGCCCGGGGCTTAACCCC

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นิยมนำไปใช้
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelcesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpuras
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC
AGCGAACAGGATTAGATACCCCTGGTAGTCCACGCCGTAACCGGTGGGCAC

DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AJ781373_Streptomyces_rubrogrri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelcesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpuras
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

TAGGTGTGGGCGACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCGACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCAACATTCACCGTTCGTCGCGCAGCTAACGCATTAAG
TAGGTGTGGGCGCCCTCCGTTCCCTGTGCCGCAGCTAACGCATTAAG

DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AJ781373_Streptomyces_rubrogrri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelcesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus
AJ781352_Streptomyces_lomonden
AB184424_Streptomyces_lusitanu
AB184626_Streptomyces_paulus
AB045888_Streptomyces_purpuras
AJ399489_Streptomyces_iakyrus
AJ399473_Streptomyces_coeruleo
AB193565_Micromonospora_siamen

TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC
TCCCCGCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGCTAAAAC TCAAAGGAATTGAC

DQ026653_Streptomyces_varsovie
AB184493_Streptomyces_ehimensi
AB249920_Streptomyces_olivaceu
RN1-7_align
AF503500_Streptomyces_cyanogen
AJ781373_Streptomyces_rubrogrri
AB184172_Streptomyces_tendae
AY999773_Streptomyces_aurantio
AF503494_Streptomyces_violaceo
AF503495_Streptomyces_caesius
AF503496_Streptomyces_coelcesce
AB184263_Streptomyces_carnosus
AB184398_Streptomyces_pactum
AB184326_Streptomyces_parvulus

GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA
GGGGGCCCGCACAAAGCAGCGGAGCATGTGGCTTAATTCGACGCAACCGGA

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่นอนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์อื่นใด
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้


```

AB184424_Streptomyces_lusitanu      AAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCCTTGTGGGAGGGAGC
AB184626_Streptomyces_paulus        AAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCCTTGTGGGAGGGAGC
AB045888_Streptomyces_purpuras      AAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCCTTGTGGGAGGGAGC
AJ399489_Streptomyces_iakyrus        AAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCCTTGTGGGAGGGAGC
AJ399473_Streptomyces_coeruleo       AAAGTCGGTAACACCCGAAGCCGGTGGCCCAACCCCTTGTGGGAGGGAGC
AB193565_Micromonospora_siamen       *****

DQ026653_Streptomyces_varsovie       CGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184493_Streptomyces_ehimensi       CGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB249920_Streptomyces_olivaceu       TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAG-----
RN1-7_align                           TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGAAAGAAGTCCTTTG-----
AF503500_Streptomyces_cyanogen        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AJ781373_Streptomyces_rubrogri        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184172_Streptomyces_tendae         TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AY999773_Streptomyces_aurantio       TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AF503494_Streptomyces_violaceo       TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AF503495_Streptomyces_caesius        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AF503496_Streptomyces_coelesce       TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184263_Streptomyces_carnosus        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184398_Streptomyces_pactum          TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184326_Streptomyces_parvulus        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AJ781352_Streptomyces_lomonden        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184424_Streptomyces_lusitanu        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB184626_Streptomyces_paulus          TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB045888_Streptomyces_purpuras        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AJ399489_Streptomyces_iakyrus         TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AJ399473_Streptomyces_coeruleo        TGTCGAAGGTGGGACTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
AB193565_Micromonospora_siamen        CGTCGAAGGTGGGCTGGCGATTGGGACGAAGTCGTAACAGGTAGCCGT
*****

DQ026653_Streptomyces_varsovie       ACCGGAGGTG-----
AB184493_Streptomyces_ehimensi       ACCGGAGG-----
AB249920_Streptomyces_olivaceu       -----
RN1-7_align                           -----
AF503500_Streptomyces_cyanogen        ACCGGAGG-----
AJ781373_Streptomyces_rubrogri        ACCGGA-----
AB184172_Streptomyces_tendae          ACCGGAGGTGCGGCT-----
AY999773_Streptomyces_aurantio       ACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT
AF503494_Streptomyces_violaceo       ACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT
AF503495_Streptomyces_caesius        ACCGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTT
AF503496_Streptomyces_coelesce       ACCG-----
AB184263_Streptomyces_carnosus        -----
AB184398_Streptomyces_pactum          ACCGGAG-----
AB184326_Streptomyces_parvulus        ACCGGAGG-----
AJ781352_Streptomyces_lomonden        -----
AB184424_Streptomyces_lusitanu        A-----
AB184626_Streptomyces_paulus          ACCGGAGG-----
AB045888_Streptomyces_purpuras        ACCGGAGG-----
AJ399489_Streptomyces_iakyrus         ACCGGAGG-----
AJ399473_Streptomyces_coeruleo        ACCGGAGG-----
AB193565_Micromonospora_siamen        ACCGGAGGTGCGTGAATTC-----

```

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้