

สำนักหอสมุดกลาง พระจอมเกล้าลาดกระบัง

การชักนำและการคัดเลือกเชื้อสายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus*
เพื่อเพิ่มผลผลิตเอนไซม์ไโซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูง



นางสาวนิรมล นิยมจันทร์
นางสาวอรชร เมฆเกิดชู

โครงการพิเศษเป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรวิทยาศาสตรบัณฑิต

ภาควิชาชีววิทยาประยุกต์

คณะวิทยาศาสตร์

สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าลาดกระบัง

ปีการศึกษา 2548

เลขหมู่.....
เลขทะเบียน..... 67295
วันเดือนปี..... 22 พ.ย. 2549

b..... 11663029
i.....

สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้เชิงพาณิชย์ในการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Induction and Selection Mutants of *Aspergillus fumigatus*
for enhanced Production of a thermostable xylanase



Niramol Niyomchan
Orachorn Mekkerdchoo

A special Project Submitted in Partial Fulfillment for the Degree of
Bachelor of Science

Department of Applied Biology




Faculty of Science

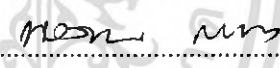
King Mongkut's Institute of Technology Ladkrabang

Academic Year 2005

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

โครงการพิเศษเรื่อง การชักนำและการคัดเลือกเชื้อสายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus*
 เพื่อเพิ่มผลผลิตเอนไซม์ไซลาเนสที่ทนอุณหภูมิสูง
 นักศึกษา นางสาวนิรมล นิยมจันทร์ รหัสประจำตัว 45050205
 นางสาวอรชร เมฆเกิดชู รหัสประจำตัว 45050262
 ภาควิชา ชีววิทยาประยุกต์
 สาขาวิชา เทคโนโลยีชีวภาพ
 อาจารย์ที่ปรึกษา ผู้ช่วยศาสตราจารย์อารี ฤทธิบุรณ์
 ภาควิชา ชีววิทยาประยุกต์
 คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง
 อนุมัติให้โครงการพิเศษนี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรวิทยาศาสตรบัณฑิต

คณะกรรมการตรวจสอบ	ลายมือชื่อ
ประธานกรรมการ รศ. ดร. พรรณี ฐิตาภิชิต	
กรรมการ รศ. สุขใจ ชูจันทร์	
กรรมการ ผศ. อารี ฤทธิบุรณ์	


 (รศ. ดร. นวลพรรณ ณ ระนอง)
 หัวหน้าภาควิชา

ลิขสิทธิ์เฉพาะภาควิชาชีววิทยาประยุกต์ คณะวิทยาศาสตร์
 สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
 ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

โครงการพิเศษเรื่อง	การชักนำและการคัดเลือกสายพันธุ์กลายจากเชื้อ <i>Aspergillus fumigatus</i> เพื่อเพิ่มผลผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูง
นักศึกษา	นางสาวนิรมล นิยมจันทร์ รหัสประจำตัว 45050205 นางสาวอรชร เมฆเกิคุช รหัสประจำตัว 45050262
ภาควิชา	ชีววิทยาประยุกต์
สาขาวิชา	เทคโนโลยีชีวภาพ
ปีการศึกษา	2548
อาจารย์ที่ปรึกษา	ผู้ช่วยศาสตราจารย์อารี ฤทธิบุรณ์

บทคัดย่อ

การวิจัยนี้ได้ศึกษาเกี่ยวกับการชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ของเชื้อ *A. fumigatus* ที่แยกได้จากดินในเขตภาคตะวันออกเฉียงของประเทศไทย คั้งนั้นเพื่อการคัดเลือกสายพันธุ์ที่มีประสิทธิภาพในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูงด้วยวิธีชักนำผ่านสารเคมี N-methyl-N-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 30 นาทีแล้วนำมาฉายแสงอัลตราไวโอเล็ตโดยใช้หลอดยูวี (256 nm) เป็นเวลา 3 นาที แล้วจึงนำไปเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน ทำการบ่มที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส จากนั้นจึงคัดเลือกเชื้อจุลินทรีย์ที่ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสสูงที่สุดทั้งในเชิงปริมาณและเชิงคุณภาพ โดยการวัดอัตราส่วนของวงใสต่อขนาดโคโลนีของเชื้อที่หยดเอนไซม์ลงบนอาหาร Czapek-Dox (CD) medium ที่มีไซแลนเป็นองค์ประกอบ และในเชิงคุณภาพโดยการวัดค่าการดูดกลืนแสงของเอนไซม์ที่ 550 นาโนเมตร โดยเทียบ กับกราฟมาตรฐานไซโลส และค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสต่ำสุดในเชิงปริมาณและคุณภาพ เพื่อต้องการเชื้อกลายพันธุ์ที่มีความสามารถผลิตเอนไซม์ไซลานเนสทนอุณหภูมิสูงที่ปราศจากเซลลูเลส พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายที่ 26 มีอัตราส่วนของวงใสต่อขนาดของโคโลนีเท่ากับ 5.133 เซนติเมตร และมีค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสสูงที่สุดที่ 100.6147 หน่วยต่อมิลลิลิตร พร้อมทั้งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสน้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมในเชิงปริมาณและเชิงคุณภาพ ในงานวิจัยนี้สามารถคัดเลือกเชื้อที่มีความสามารถผลิตเอนไซม์ไซลานเนสทนอุณหภูมิสูงที่ปราศจากเซลลูเลสสูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมทั้งหมด 18 สายพันธุ์ และได้นำไปเลี้ยงในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนที่เป็นวัสดุเหลือใช้ทางการเกษตร โดยวิเคราะห์ค่ากิจกรรมเอนไซม์ทั้งในเชิงปริมาณและคุณภาพ พบว่าสายพันธุ์กลายที่ 49 , 41 และ 26 มีประสิทธิภาพพหุมากที่สุดในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสทนอุณหภูมิสูงที่ปราศจากเซลลูเลสสูงที่สุด คือ 56.656 หน่วยต่อมิลลิลิตร และให้อัตราส่วนของวงใสต่อขนาดโคโลนีเท่ากับ 3.518 เซนติเมตร

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Special Project Title	Induction and Selection Mutants of <i>Aspergillus fumigatus</i> for enhanced Production of a thermostable xylanase	
Name	Miss Niramol	Niyomchan
	Miss Orachorn	Mekkerdchoo
Department	Applied Biology	
Academic year	2005	
Special Project Adviser	Assistant Professor Aree Rittiboon	

Abstract

Mutagenesis of *Aspergillus fumigatus* from soil located in northern Thailand by using 100 ug/ml (NTG) as chemical reagent and ultraviolet treatment (256 nm) was studied by inoculating spore suspension to NTG for 30 minutes and exposed to ultraviolet for 3 minutes. That 5% survival at 10^{-2} dilution of the treated spores population was studied. The 10^{-2} dilution was incubated on medium agar at 45°C for 4 days. Enzyme activity was then tested and selected by studying the xylanase activity in both their quantitatively and qualitatively. The quality activity was tested by checking the ratio of the clear zone/diameter of the colonies and the quantity activity was tested by OD test at the wave length of 550 nm, by comparing with the standard curve of xylose. From this experiment, it was found that the fungi mutant number 26 had the highest values of the ratio activity both of their quality and quantity for the medium using xylan as the C-source (the ratio of the clear zone/diameter of colony was 5.133 cm and the enzyme activity was 100.6147 unit/ ml) the mutant number 26 had the low activity of cellulase, therefore it can produce highest thermostable xylanase without cellulase. The selected mutant number 26 had the ability to produce highest tolerant xylanase without cellulase more than the wild type. For cultivation in medium corn cop medium, mutant number 49, 41 and 26 having the highest tolerant xylanase without cellulase both of qualitatively and quantitatively were selected. When it was compared between xylan medium and corn cop medium in the same mutant strain was compared, it was found that only mutant number 49 and 41 produce the enzyme xylanase more than the mutant strain in xylan medium.

กิตติกรรมประกาศ

โครงการพิเศษเล่มนี้จะมีสามารถสำเร็จลุล่วงไปได้ด้วยดีหากปราศจากบุคคลผู้ให้ความรู้
กำลังกายและกำลังใจเหล่านี้

ขอขอบพระคุณท่านอาจารย์ที่ปรึกษา ผู้ช่วยศาสตราจารย์อารี ฤทธิบูรณ์ ที่เสียสละเวลา
อันมีค่าให้คำปรึกษาและช่วยสนับสนุนอนุเคราะห์ข้อมูลความรู้ รวมถึงอุปกรณ์ทุกๆด้านในการทำ
โครงการพิเศษครั้งนี้

ขอขอบคุณท่านประธานกรรมการและกรรมการที่เสียสละเวลามาร่วมเข้าฟังโครงการพิเศษ
ในครั้งนี้

ขอขอบคุณที่ปริญญาโทที่ช่วยเอื้อเฟื้ออุปกรณ์และช่วยเสียสละเวลามาช่วยในการวิเคราะห์
ข้อมูลทางสถิติ

ขอขอบคุณห้องเครื่องมือที่ช่วยอำนวยความสะดวกและให้ยืมอุปกรณ์ในการทำโครงการ
พิเศษครั้งนี้

สุดท้ายขอขอบคุณทุกความช่วยเหลือ คุณพ่อ คุณแม่ น้องสาวและเพื่อนๆ ที่ร่วมทำโครงการ
พิเศษร่วมกันที่ช่วยเหลือทั้งกำลังใจและกำลังกาย รวมถึงให้คำปรึกษาและแบ่งปันอุปกรณ์ต่างๆ
ทำให้งานในครั้งนี้สำเร็จลุล่วงไปได้ด้วยดี

นิรมล นิยมจันทร์
อรชร เมฆเกิดชู

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย	ก
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ	ข
กิตติกรรมประกาศ	ค
สารบัญ	ง
สารบัญตาราง	จ
สารบัญรูป	ฉ
บทที่ 1 บทนำ	1
1.1 ความเป็นมาของโครงการพิเศษ	
1.2 วัตถุประสงค์	
1.3 ขอบเขตของการวิจัย	
1.4 ขั้นตอนของการวิจัยและวิธีการดำเนินงาน	
1.5 ผลที่คาดว่าจะได้รับ	
บทที่ 2 ทฤษฎีและหลักการ	6
บทที่ 3 วิธีดำเนินการวิจัย	56
บทที่ 4 ผลการทดลองและอภิปรายผล	61
บทที่ 5 สรุปและข้อเสนอแนะ	98
เอกสารอ้างอิง	101
ภาคผนวก	109

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
2.1 ความสามารถในการหมักของจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ โดยเกิดผ่าน xylanolytic enzyme system	15
2.2 อัตราการเกิดขึ้นการกลายพันธุ์ตามสภาพธรรมชาติในสิ่งมีชีวิตต่างๆ	22
2.3 คุณสมบัติบางประการของเอนไซม์ไซลานเนสที่ได้จากจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ	31
2.4 ลำดับขั้นตอนของการใช้สารเคมีในกระบวนการฟอกสีเยื่อกระดาษ	49
2.5 สารเคมีที่เป็นพิษที่เกิดจากกระบวนการผลิตเยื่อและกระบวนการฟอกสี	54
4.1 จำนวนโคโลนีต่อมิลลิลิตรและเปอร์เซ็นต์การยู่รอดของเชื้อ <i>Aspergillus fumigatus</i> ที่ผ่านการการเหนี่ยวนำการกลายพันธุ์ด้วย สารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัม / มิลลิลิตร เป็นเวลา 30 นาที ร่วมกับแสงอัลตราไวโอเล็ตที่เวลาต่างๆ ในระดับความเจือจาง 10^{-2}	62
4.2 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย จากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดโคโลนีของเชื้อ ลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน ร้อยละ 1	66
4.3 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย จากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดโคโลนีของเชื้อ ลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอน ร้อยละ 1	69
4.4 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย ในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน	75
4.5 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย ในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน	79
4.6 เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนของวงใสและกิจกรรมของเอนไซม์เชิงของเชื้อรา สายพันธุ์กลายที่คัดเลือกเพื่อไปเลี้ยงในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่ง คาร์บอน	83

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
4.7 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่าง ขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1	84
4.8 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่าง ขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1	87
4.9 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	90
4.10 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	91
4.11 เปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสและเซลลูเลสของ สายพันธุ์กลายและสายพันธุ์แท้ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็น แหล่งคาร์บอน	94
4.12 เปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลาย และสายพันธุ์ดั้งเดิมในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	95
ข-1. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติในการหาอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของ โคโลนีในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการ กลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสถานะอาหารเหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่ง คาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	115
ข-2. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติในการหาอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของ โคโลนีในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการ กลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสถานะอาหารเหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่ง คาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	119

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
ข-3. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	121
ข-4. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	123
ข-5. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติโดยการวัดอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	125
ข-6. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติโดยการวัดอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	126
ข-7. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	127
ข-8. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	129

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
ข-9. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนกับค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ในสภาวะการเขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	130
ข-10. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนกับค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ในสภาวะการเขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน	133

สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
2.1 โครงสร้างสามมิติ Endo- β -1,4 Xylanase	6
2.2 ลักษณะโมเลกุลของไซแลน	7
2.3 โครงสร้างของพืชที่มีส่วนประกอบหลักเป็น เซลลูโลส เฮมิเซลลูโลสและลิกนิน	8
2.4 องค์ประกอบของไซแลนในไม้เนื้อแข็งที่มีลักษณะเป็น O-acetyl-4-O- methylglucuronoxylan	9
2.5 องค์ประกอบของไซแลนในไม้เนื้ออ่อนที่มีลักษณะเป็น arabino-4-O- methylglucuronoxylan	9
2.6 องค์ประกอบของไซแลนในพืชตระกูลหญ้าหรือพวงข้าว ที่มีลักษณะเป็นอนุพันธ์ ของ arabino-4-O-methylglucuronoxylan	10
2.7 โครงสร้างของไซแลนที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะ β - 1,4 และพันธะ β -1,3-D-ไซโลไพราโนซิด	10
2.8 ลักษณะซังข้าวโพดบดละเอียด	12
2.9 โครงสร้างคาร์บอกซิเมทิลเซลลูโลส	13
2.10 การย่อยไซแลนด้วยเอนไซม์ไซแลนเนส	19
2.11 ลักษณะโครงสร้างของ N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG)	27
2.12 ลักษณะโคโลนีและสปอร์ของเชื้อ <i>Aspergillus ochraceus</i> ซึ่งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซแลนเนส	29
2.13 ลักษณะโคโลนีและสปอร์ของเชื้อ <i>Aspergillus oryzae</i> ซึ่งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซแลนเนส	30
2.14 ลักษณะโคโลนีและสปอร์ของเชื้อ <i>Trichoderma viride</i> ซึ่งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซแลนเนส	30
2.15 ลักษณะโคโลนีและสปอร์ของเชื้อ <i>Aspergillus niger</i> ซึ่งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซแลนเนส	30
2.16 โครงสร้างของเชื้อรา	35
2.17 วงจรชีวิตโดยทั่วไปของเชื้อรา	36

สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
2.18	36
การย่อยสลายภายนอกเซลล์ของเชื้อราเอนไซม์หลังออกมา เพื่อย่อยสารพอลิเมอร์โครงสร้างขนาดใหญ่ได้เป็นสารตัวกลางเกิดขึ้นและต่อมาจะเกิดการย่อยสลายได้ผลเป็นหน่วยของมอนอเมอร์เพื่อให้เชื้อราดูดซึมต่อไป	
2.19	38
A : ลักษณะ โคลนีย์ของเชื้อ <i>A. fumigatus</i> B : ลักษณะ โครงร่างของ <i>A. fumigatus</i>	
4.1	61
ลักษณะสัณฐานวิทยาของเชื้อ <i>Aspergillus fumigatus</i>	
4.2	63
แสดงเปอร์เซ็นต์การอยู่รอดของเชื้อ <i>Aspergillus fumigatus</i> ผ่านการการเหนี่ยวนำการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมีร่วมกับแสงอัลตราไวโอเล็ตที่เวลาต่างๆ ในระดับความเจือจาง 10^{-2}	
4.3	64
สายพันธุ์กลาย <i>Aspergillus fumigatus</i> ที่เจริญเติบโตในอาหารเหลวซึ่งจะให้อาหารเหลวที่มีลักษณะใสและขุ่น	
4.4	64
สายพันธุ์กลาย <i>Aspergillus fumigatus</i> ที่เจริญเติบโตในอาหารเหลวในรูปของรูปของในรูปของเพนเลต (pellet) และเส้นใย (mycelium)	
4.5	64
ตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อภายหลังการปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบเป็นเวลา 15-20 นาที ซึ่งใช้เป็นแหล่งของเอนไซม์เพื่อนำไปใช้ในการทดสอบ	
4.6	65
ตัวอย่างของวงใสรอบโคโลนี เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลน เป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ย้อมสีด้วย congo red	
4.7	72
ตัวอย่างของวงโคโลนี เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมเซลลูโลส เป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ย้อมสีด้วย congo red	

สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
4.8	72
เปรียบเทียบลักษณะของโคโลนีและวงไตของเชื้อ <i>Aspergillus fumigatus</i> เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ข้อมสีด้วย congo red (งานเพาะเชื้อซ้ายมือ) และ เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 (งานเพาะเชื้อขวามือมือ)	
4.9	73
กราฟเปรียบเทียบอัตราส่วนขนาดวงไตต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อสายพันธุ์กลาย <i>Aspergillus fumigatus</i> ในแต่ละสายพันธุ์ในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส	
4.10	74
กราฟเปรียบเทียบอัตราส่วนขนาดวงไตต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อสายพันธุ์กลาย <i>Aspergillus fumigatus</i> ในแต่ละสายพันธุ์ในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลส	
4.11	78
กราฟเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสเชิงคุณภาพของเชื้อสายพันธุ์กลาย <i>Aspergillus fumigatus</i> ในแต่ละสายพันธุ์	
4.12	82
กราฟเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสเชิงคุณภาพของเชื้อสายพันธุ์กลาย <i>Aspergillus fumigatus</i> ในแต่ละสายพันธุ์	
4.13	86
อัตราส่วนวงไตต่อขนาดโคโลนีของค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์กลายต่างๆ ที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	
4.14	87
แสดงค่าอัตราส่วนวงไตต่อขนาดโคโลนีของค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงปริมาณที่ผลิตได้จากสายพันธุ์กลายต่างๆ กันโดยใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	
4.15	89
อัตราส่วนวงไตต่อขนาดโคโลนีของค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายต่างๆ ที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	
4.16	93
กิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์กลายต่างๆ ที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	
4.17	93
กิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายต่างๆ ที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	

สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
4.18	97
เปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์กิจกรรมไซลานของ สายพันธุ์กล้วยต่างๆ ที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน และที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	
4.19	97
เปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์กิจกรรมเซลลูเลสของ สายพันธุ์กล้วยต่างๆ ที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน และที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน	



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 1

บทนำ

1.1 ความสำคัญและที่มาของโครงการพิเศษ

เอนไซม์ไซลานเนสเป็นเอนไซม์ที่มีความสามารถในการย่อยไซแลน (xylan) ซึ่งเป็นโพลีแซคคาไรด์ (polysaccharide) ที่เกิดจากอนุพันธ์ของไซโลไพราโนส (xylopyranose) ที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะ β -1,4-glycosidic ซึ่งในปัจจุบันนี้ เอนไซม์ไซลานเนสจัดเป็นเอนไซม์ที่น่าสนใจอย่างมาก เนื่องจากเอนไซม์ถูกนำมาประยุกต์ใช้งานอุตสาหกรรมกระดาษ (Wong และคณะ, 1992) โดยในอุตสาหกรรมกระดาษมีการปล่อยสารก่อมะเร็งซึ่งเป็นสารจำพวก chlorinated phenolic ลงสู่ธรรมชาติ ซึ่งเนื่องมาจากมีการใช้สารเคมีเหล่านี้ในขั้นตอนการฟอกกระดาษ โดยขั้นตอนการใช้เอนไซม์ไซลานเนสซึ่งเป็นอีกทางเลือกหนึ่งในขั้นตอนการฟอกกระดาษ โดยจะช่วยให้ลดการใช้สารเคมีในการฟอกกระดาษเพื่อให้เกิดความเป็นพิษน้อยที่สุด นอกจากนี้เอนไซม์ไซลานเนสมีประโยชน์อย่างมากในอุตสาหกรรมอาหารและเครื่องดื่ม โดยเอนไซม์ไซลานเนสจะช่วยให้การทำลายพันธะในพอลิแซคคาไรด์ช่วยให้การทำขนมและอาหารรวดเร็วขึ้น อีกทั้งยังทำให้น้ำผลไม้ใสขึ้นด้วย (Godfrey และ West, 1996) และยังใช้เอนไซม์ในการย่อยเศษวัสดุเหลือทิ้งจากการเกษตรก่อนที่จะไปเป็นอาหารสัตว์ หรือเติมเอนไซม์ลงไปในการเลี้ยงสัตว์ จะช่วยเพิ่มประสิทธิภาพในการย่อยอาหารของสัตว์ (Gilbert และ Hazlewood, 1993) นอกจากนี้ในงานอุตสาหกรรมน้ำมันปิโตรเลียม ได้มีการนำเอนไซม์มาใช้ในการกำจัดซัลเฟอร์ซึ่งเป็นสารพิษในการย่อยสารประกอบ เช่น dibenzothiophene (Bahrami และคณะ, 2001) อุตสาหกรรมการผลิต 1,3-propanediol จากสาร glycerol โดยเอนไซม์จะถูกนำมาใช้เพื่อลดการเกิดผลิตภัณฑ์ที่เป็นพิษเนื่องจากการใช้สารเคมีในการผลิต (Peter และคณะ 2001)

จากการศึกษาพบว่าเชื้อราเป็นเชื้อจุลินทรีย์ที่มีความสามารถมากที่สุดในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส (Haltrich และคณะ 1996) แบคทีเรียและเห็ดรา (Fungi) จำนวนมาก เช่น *Trichoderma* spp. (Steiner และคณะ, 1987) *Aspergillus* spp. (Ghosh และคณะ, 1994 ; Bailey และคณะ, 1993) *Penicillium* spp. (Haas และคณะ, 1992) และ *Schizophyllum* spp. (Morales และคณะ, 1995) สามารถผลิตเอนไซม์ไซลานเนสได้ ส่วนมากจะเป็นจุลินทรีย์จำพวกที่เจริญได้ดีที่อุณหภูมิปกติ (mesophilic) แต่จากการศึกษาพบว่าเชื้อราเป็นเชื้อจุลินทรีย์ที่มีความสามารถมากที่สุดในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส (Haltrich และคณะ, 1996) และในการผลิตเอนไซม์ในระดับอุตสาหกรรมส่วนใหญ่มักจะใช้เชื้อจุลินทรีย์ *Aspergillus* sp. ในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส

เอนไซม์ไซลานเนสซึ่งมีความทนทานต่ออุณหภูมิสูงที่นำไปใช้งานสำหรับกระบวนการฟอกขาวทางชีวภาพ (bio-bleaching) เพื่อให้มีประสิทธิภาพในอุตสาหกรรมฟอกกระดาษ ซึ่งเอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ทางการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอนไซม์ไซลานเนสที่ถูกห่อหุ้มออกมานอกเซลล์ (extracellular xylanase) จากเชื้อจุลินทรีย์ที่เจริญเติบโตได้ที่ช่วงอุณหภูมิสูง จะให้เอนไซม์ที่มีความทนทานต่ออุณหภูมิสูงโดยธรรมชาติ (Antony และคณะ, 2003)

โดยทั่วไปแล้วเชื้อราส่วนมากสามารถผลิตเอนไซม์ไซลานเนสและเอนไซม์เซลลูเลสในช่วงเวลาเดียวกันในขั้นตอนการฟอกกระดาษ (pulp treatment) ซึ่งเอนไซม์ไซลานเนสที่นำไปใช้งานจำเป็นต้องปราศจากเอนไซม์เซลลูเลสซึ่งจะสามารถลดการทำลายเส้นใยของเยื่อให้น้อยลง และควรจะมีควมคงตัวที่อุณหภูมิสูงหากมีการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสร่วมด้วย จึงจำเป็นต้องกำจัดเอนไซม์เซลลูเลสออกก่อนจึงจะนำมาประยุกต์ใช้ในขบวนการฟอกกระดาษได้ ซึ่งขบวนการที่กำจัดเอนไซม์เซลลูเลสนี้เองที่ทำให้ขบวนการฟอกกระดาษมีราคาแพงขึ้น อีกทั้งเอนไซม์ไซลานเนส (crude xylanase) ที่ปราศจากเซลลูเลสสามารถนำมาใช้ในขบวนการผลิตกระดาษจะทำให้ต้นทุนมีราคาถูกลง เนื่องจากว่าไม่มีความจำเป็นในการทำให้เอนไซม์ไซลานเนสนั้นให้บริสุทธิ์ก่อนนำมาใช้ในกระบวนการผลิตกระดาษ (Antony และคณะ, 2003)

ดังนั้นจึงนำวิธีการทางเทคโนโลยีชีวภาพมาประยุกต์ใช้ในการเพิ่มผลผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูงจากจุลินทรีย์ เพื่อให้เอนไซม์ไซลานเนสมาทดแทนสารเคมีในงานอุตสาหกรรม ทำให้ลดความเป็นพิษต่อสภาพแวดล้อมลง นอกจากนี้ในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสจากจุลินทรีย์ยังสามารถใช้วัสดุเหลือใช้ทางการเกษตรมาเป็นสารตั้งต้นในการผลิตได้ เช่น ชังข้าวโพด (Gomes และคณะ, 1993) ซึ่งเป็นแหล่งคาร์บอนจากสภาพธรรมชาติและมีราคาถูกทำให้สามารถลดต้นทุนในการผลิตได้

ดังนั้นโครงการนี้จึงเป็นการศึกษาเพื่อเพิ่มปริมาณเอนไซม์ไซลานเนส โดยชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ของ *Aspergillus fumigatus* ที่แยกได้จากดินและสามารถเจริญได้ดีที่อุณหภูมิสูง (45°C) (เรวดี ปริบัว, 2547) และคัดเลือกสายพันธุ์กลายที่มีศักยภาพในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูงได้สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม (wild type)

1.2 วัตถุประสงค์

1. เพื่อศึกษาการปรับปรุงสายพันธุ์เชื้อ *Aspergillus fumigatus* โดยการฉายแสงอัลตราไวโอเล็ตและการใช้สารเคมีร่วมกัน
2. เพื่อศึกษาความสามารถของการสร้างเอนไซม์ไซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูงของ *Aspergillus fumigatus* ของสายพันธุ์กลายเปรียบเทียบกับสายพันธุ์ดั้งเดิม
3. เพื่อศึกษาเปรียบเทียบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ของสายพันธุ์กลายโดยการใช้น้ำเลี้ยงคาร์บอนในการผลิตแตกต่างกัน
4. เพื่อเพิ่มศักยภาพในการผลิตเอนไซม์

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

1.3. ขอบเขตของการวิจัย

1. ชักนำให้เชื้อ *Aspergillus fumigatus* เกิดการกลายพันธุ์โดยใช้สารเคมีร่วมกับการฉายแสงอัลตราไวโอเลต (UV)
2. คัดเลือกสายพันธุ์กลายที่มีความคงตัวและมีศักยภาพในการผลิตเอนไซม์ไซลาลเนสที่ทนอุณหภูมิสูงได้มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมในอาหารแข็งและอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน
3. คัดเลือกสายพันธุ์กลายที่มีความคงตัวและมีศักยภาพในการผลิตเอนไซม์ไซลาลเนสที่ทนอุณหภูมิสูงได้มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมในอาหารแข็งและอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน
4. เปรียบเทียบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ของสายพันธุ์กลายโดยการใช้แหล่งคาร์บอนในการผลิตแตกต่างกัน

1.4 ขั้นตอนในการดำเนินงาน

1. การเตรียมสารละลายสปอร์

ทำการเลี้ยงเชื้อ *Aspergillus fumigatus* ในอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA เป็นเวลา 3-4 วัน เพื่อให้เกิดสปอร์เต็มๆ จากนั้นเตรียมสารละลายสปอร์ โดยการเติมน้ำกลั่นที่มีโซเดียมคลอไรด์ความเข้มข้นร้อยละ 0.85 และทวิน 80 ความเข้มข้นร้อยละ 0.01 (Singh และคณะ, 1995) กรองเส้นใยออกด้วยแผ่นกรองซินเทอร์กลาส (sinter glass) และนับจำนวนสปอร์ด้วยฮีมาไซโตมิเตอร์ให้ได้ 10^6 สปอร์ต่อมิลลิลิตร

2. การหาลำโพงการอยู่รอดของเชื้อจากการชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยการใช้แสงอัลตราไวโอเลตร่วมกับสารเคมี

ทำการเตรียมสารละลายสปอร์ให้ได้จำนวนสปอร์เท่ากับ 10^6 สปอร์/มิลลิลิตร นำสปอร์ไปทำการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมีร่วมกับแสงอัลตราไวโอเลต โดยการนำสารละลายสปอร์ที่ถูกเตรียมไปทริตด้วยสารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 30 นาที (Singh และคณะ, 1995) จากนั้นจากนั้นนำสปอร์ที่ผ่านการทริตแล้วมาล้างด้วยน้ำเกลือความเข้มข้นร้อยละ 0.85 จำนวน 2-3 ครั้ง แล้วนำมาฉายแสงอัลตราไวโอเลตโดยใช้หลอดยูวี (254 นาโนเมตร) เป็นเวลา 0, 1, 3, 5, 7 และ 10 นาที ทำการสุ่มตัวอย่างตามช่วงเวลาต่างๆ กัน ในปริมาตร 0.1 มิลลิลิตร นำไปเก็บในที่มืดเป็นเวลา 2 ชั่วโมง จากนั้นนำไปทำการเจือจางในอัตราที่เหมาะสมแล้วนำมา spread plate ลงบนอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA โดยให้มีจำนวนโคโลนีเกิดขึ้นในช่วง 100-300 โคโลนี โดยทำการทดลอง 3 ซ้ำ และนำมาบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-3 วัน แล้วทำการนับจำนวนโคโลนีและคำนวณหาลำโพงการอยู่รอดของเชื้อโดยการเปรียบเทียบกับชุดควบคุมที่ไม่ผ่านการทริตด้วยสารเคมีและแสงอัลตราไวโอเลต

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เลือกเวลาที่ทำการทรีตด้วยสารเคมีและแสงอัลตราไวโอเลตที่ให้ร้อยละการอยู่รอดของเชื้อร้อยละ 5 (Singh และคณะ, 1995) เพื่อนำไปใช้ในการทดลองต่อไป

3. การชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์และการคัดเลือกเชื้อสายพันธุ์กลายที่ทนอุณหภูมิสูง

นำสารละลายสปอร์ที่มีจำนวนสปอร์เท่ากับ 10^6 สปอร์/มิลลิลิตร มาทำการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยการทรีตด้วยสารเคมีและผ่านการฉายแสงแสงอัลตราไวโอเลตที่เวลาที่ทำให้อัตราการอยู่รอดร้อยละ 5 แล้วทำการ spread plate เชื้อลงในอาหาร PDA บ่มเชื้อที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-3 วัน จากนั้นทำการเคลื่อนย้ายโคโลนีโดยใช้ไม้จิ้มฟันฆ่าเชื้อ ลงบน Czapek-Dox (CD) medium ซึ่งประกอบด้วย NaNO_2 3.0 กรัม/ลิตร, KH_2PO_4 1 กรัม/ลิตร, MgSO_4 0.5 กรัม/ลิตร, FeSO_4 0.01 กรัม/ลิตร, ยีสต์สกัด 5 กรัม/ลิตร และมีการเติมเป็นไซแลนหรือเซลลูโลสร้อยละ 1 และเติมวุ้นความเข้มข้นร้อยละ 18 (Anthony และคณะ, 2003) นอกจากนี้มีการเติมสาร Sodium tauroglucocholate (เป็นตัวยับยั้งการเจริญของโคโลนี) ที่ความเข้มข้นร้อยละ 1 (Singh และคณะ, 1995) บ่มที่ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-3 วัน คัดเลือกโคโลนีที่ให่วงใสในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนแต่ไม่ให่วงใสในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีเซลลูโลสและมีอัตราส่วนของวงใสรอบโคโลนีมากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม ย้ายลงอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA เลี้ยงให้เกิดสปอร์เต็มที่รวบรวมและทำการเก็บรักษาไว้ในตู้เย็น

4. การคัดเลือกสายพันธุ์กลายที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซแลนสไนเชิงปริมาณและคุณภาพ

โคโลนีจากขั้นต้นที่ถูกคัดเลือก นำไปทำการเลี้ยงเชื้อเพื่อผลิตเอนไซม์ ในสถานะอาหารเหลวที่ประกอบด้วยเปปโตนร้อยละ 0.3, KH_2PO_4 ร้อยละ 0.2, MgSO_4 ร้อยละ 0.1, CaCl_2 ร้อยละ 0.1, ยีสต์สกัดร้อยละ 0.3 และการเติมแหล่งคาร์บอนเป็นไซแลนหรือซังข้าวโพดร้อยละ 1 ปรับให้อาหารมีค่าพีเอช 5.0 โดยเลี้ยงเชื้อในพลาสติกขนาด 250 มิลลิลิตร โดยใช้อาหารเลี้ยงเชื้อ 50 มิลลิลิตร แล้วทำการบ่มที่ 45 องศาเซลเซียส โดยใช้รอบของการหมุนเหวี่ยงที่ 200 รอบ/นาที เป็นเวลา 4 วัน หลังจากนั้นเก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อไปปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที เก็บส่วนใสแบ่งใส่ภาชนะเล็กๆ เพื่อทำการทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงปริมาณ (วัดอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนี/ขนาดของโคโลนีของเชื้อ) โดยนำสารละลายเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD medium ที่มีการเติมไซแลนหรือเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ปริมาณหลุมละ 5 ไมโครลิตร นำไปบ่มที่ 45 องศาเซลเซียสข้ามคืน นำไปย้อมสี congo red ที่มีความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาที และล้างออกด้วย NaCl ความเข้มข้น 1 โมลาร์ เป็นเวลา 10 นาที วัดขนาดวงใสรอบโคโลนีของเชื้อและหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนี/ขนาดของโคโลนีของเชื้อ และทำการคัดเลือกที่ให้อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนี/ขนาดของโคโลนีของเชื้อเท่ากับหรือมากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม แล้วนำไปวิเคราะห์

ปริมาณเอนไซม์ไซลันเนสและเซลลูเลส (ในรูปกิจกรรมของเอนไซม์) โดยวัดน้ำตาลรีดิวซ์ด้วยวิธี DNS (Tang และคณะ, 1987)

1.5 ผลที่คาดว่าจะได้รับ

1. ได้เชื้อที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซลันเนสได้สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม
2. ได้เชื้อสายพันธุ์กลายพันธุ์อื่นที่จะมีประโยชน์ในการใช้งานได้ดีขึ้น
3. ทราบถึงความสามารถในการผลิตเอนไซม์ของสายพันธุ์กลายโดยการใส่แหล่งคาร์บอนในการผลิตแตกต่างกัน
4. เป็นแนวทางในการวิจัยขั้นสูงต่อไป



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 2

ทฤษฎีและหลักการที่เกี่ยวข้อง

เซลล์พืชเป็นแหล่งคาร์บอนแหล่งใหญ่ที่สุดในธรรมชาติ โดยองค์ประกอบส่วนใหญ่ของผนังเซลล์พืชจะประกอบด้วยพอลิเมอร์ที่เป็นองค์ประกอบหลัก 3 ชนิด คือ เฮมิเซลลูโลส (hemicellulose) เซลลูโลส (cellulose) และ ลิกนิน (lignin) โดยเซลลูโลสเป็นโพลิเมอร์ของน้ำตาลกลูโคสที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะบีต้า-1,4 ไกลโคซิดิก (β -1,4-glycosidic) มีสูตรทั่วไป คือ $(C_6H_{10}O_5)_n$ ส่วนเฮมิเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนที่มีมากเป็นอันดับสองรองจากเซลลูโลส ซึ่งเป็นโพลิเมอร์ของน้ำตาลเพนโทส และ/หรือน้ำตาลเฮกโซส ได้แก่ กลูแคน (glucan) แมนแนน (mannan) และไซแลน (xylan) ซึ่งประกอบด้วยไซแลน (xylan) เป็นส่วนใหญ่ โดยไซแลนมักพบเป็นองค์ประกอบของผนังเซลล์พืชซึ่งขึ้นอยู่กับชนิดของพืช โดยในไซแลนเป็นสารประกอบพอลิแซ็กคาไรด์ (heteropolysaccharides) ซึ่งประกอบด้วยโมเลกุลของน้ำตาลไซโลส มาเชื่อมต่อกันด้วยพันธะบีต้า-1,4-ไซโลไพรานอสิล (β -1,4-xylopyranosyl) เป็นโครงสร้างหลัก (backbone) มีแขนง (branch chain) เป็นอนุพันธ์ของน้ำตาลชนิดอื่นมาเชื่อมต่อกับโครงสร้างหลัก เช่น อะซิทิล (acetyl) อะราบินอซิล (arabinosyl) และกรดเมทิลกลูคูโรนิก (methylglucuronic acid) (Whistler และ Richards, 1970) ส่วนลิกนิน (lignin) เป็นสารประกอบเชิงซ้อนประเภทโพลีฟีนอลิก (polyphenolic) เกาะกันเป็นกลุ่มใหญ่และห่อหุ้มเซลลูโลสและเฮมิเซลลูโลสเอาไว้ข้างใน (Wong และคณะ, 1988) ซึ่งในเซลล์พืชจะมีปริมาณเซลลูโลส เฮมิเซลลูโลส และลิกนินที่แตกต่างกัน



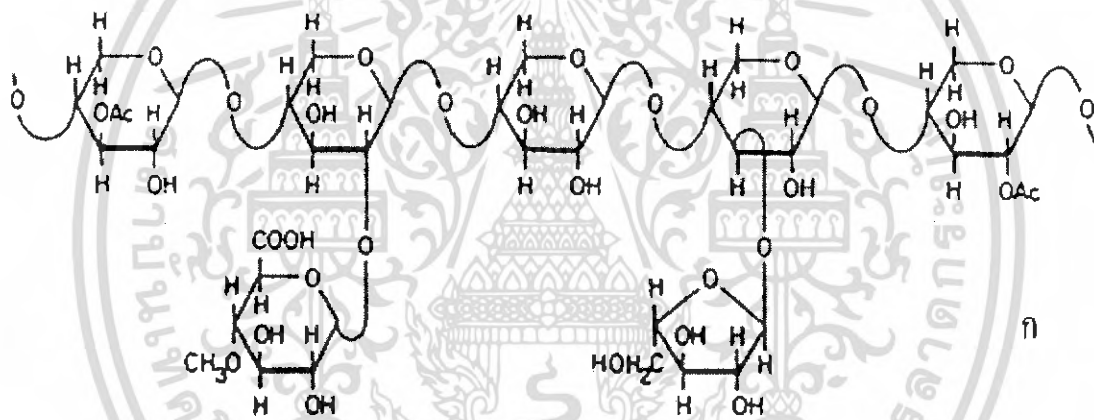
รูปที่ 2.1 โครงสร้างสามมิติของเอนโด-บีต้า-1,4 ไซแลนเนส (endo- β -1,4 xylanase)

ที่มา : <http://www.mrc-lmb.cam.ac.uk/genomes/date/1bg4.html>

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.1 ไซแลน (xylan)

องค์ประกอบส่วนใหญ่ของผนังเซลล์พืชตามธรรมชาติประกอบด้วยไซแลนซึ่งเป็นองค์ประกอบหลักของเฮมิเซลลูโลส โครงสร้างหลักของไซแลนประกอบด้วยหน่วยย่อยของน้ำตาลดีไซโลส (D-xylose) เชื่อมต่อกันด้วยพันธะบีตา-1,4-D-ไซโลไพราโนซิล (β -1,4-D-xylopyranosyl) เป็นโครงสร้างหลัก (backbone) มีแขนง (branch chain) เป็นอนุพันธ์ของน้ำตาลชนิดอื่นมาเชื่อมต่อกับโครงสร้างหลัก เช่น อะซีทิล (acetyl) อะราบินโนซิล (arabinosyl) และกรดเมทิลกลูคูโรนิก (methylglucuronic acid) (Whistler และ Richards, 1970) การเชื่อมต่อกันนี้จะแตกต่างกันไปขึ้นอยู่กับชนิดของแหล่งที่มาของไซแลน (Filho, 1998) โดยหมู่อะราบินโนสต่อกับตำแหน่ง O-3 ของไซโลส หมู่กลูโคโลนิตต่อกับที่ตำแหน่ง O-2 ของไซโลส ส่วนหมู่อะซีทิลต่อกับตำแหน่ง O-3 และ O-2 ของไซโลส (รูปที่ 2.2)

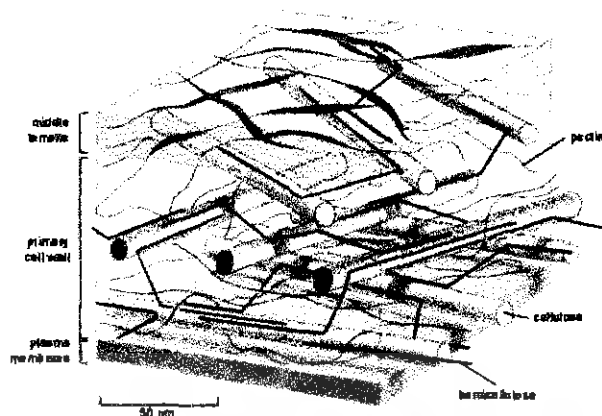


รูปที่ 2.2 ลักษณะโมเลกุลของไซแลน

ที่มา : Biely (1985)

2.1.1 แหล่งที่พบไซแลน

พบได้ทั่วไปในพืชเกือบทุกชนิด ซึ่งโครงสร้างของพืชจะประกอบไปด้วย ส่วนประกอบหลัก 3 ส่วน ได้แก่ เซลลูโลส เฮมิเซลลูโลส และลิกนิน (รูปที่ 2.3) โดยไซแลนเป็นองค์ประกอบหลักในส่วนของเฮมิเซลลูโลส โดยในไม้เนื้ออ่อนพบไซแลนประมาณร้อยละ 7-12 ของน้ำหนักแห้งทั้งหมด ไม้เนื้อแข็งพบประมาณร้อยละ 15-30 ของน้ำหนักแห้งทั้งหมด และในไม้ล้มลุกพบมากกว่าร้อยละ 30 ของน้ำหนักแห้งทั้งหมด (Wong และคณะ, 1988 ; Whistler และ Richard, 1970)



รูปที่ 2.3 โครงสร้างของพืชที่มีส่วนประกอบหลักเป็น เซลลูโลส เฮมิเซลลูโลส และลิกนิน

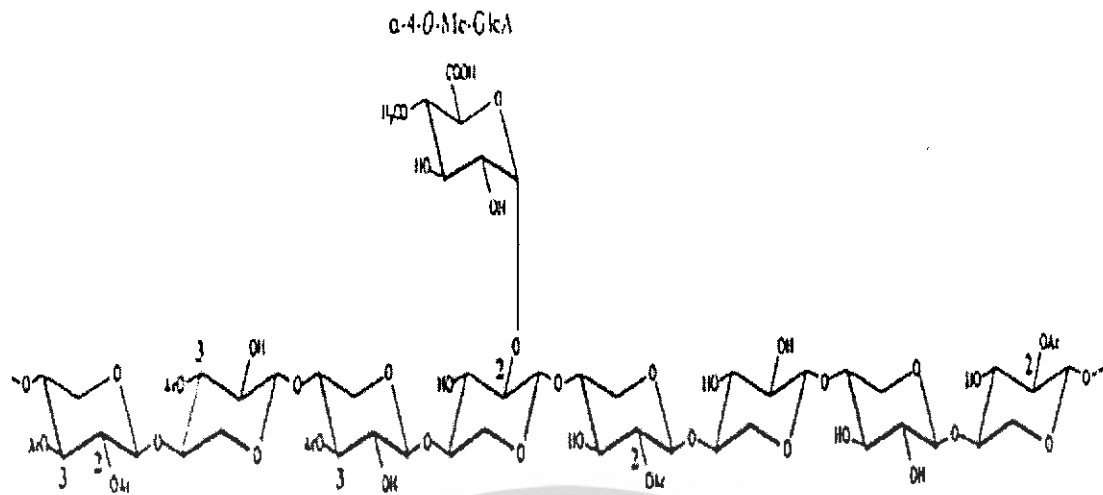
ที่มา : www.enzyme.co.uk/Basics/cell_wall.gif

ไซแลนจึงสามารถพบได้ในพืชทุกชนิดแต่ปริมาณไซแลนในพืชแต่ละชนิดจะแตกต่างกันตามโครงสร้างของการเจริญและสภาพแวดล้อม โดยส่วนใหญ่จะใช้ไซแลนจากพืชไม้กึ่งชนิด ได้แก่ ไซแลนจากโอ๊ท (oat spelt xylan) และไซแลนจาก birchwood (birchwood xylan)

พืชแต่ละชนิดจะมีองค์ประกอบบริเวณแขนงที่แตกต่างกันมายึดจับกับโครงสร้างหลักเป็นอนุพันธ์ของน้ำตาลชนิดอื่น โดยในส่วนไม้เนื้อแข็งจะมี 4-O-methylglucuronopyranosyl มายึดจับกับโครงสร้างหลักของไซแลนที่ตำแหน่ง α -1,2 ในไม้เนื้ออ่อนจะมี α -arabinofuranose และ α -4-O-methylglucuronic มายึดจับกับโครงสร้างหลักของไซแลน (Hurlbert and Preston, 2001) (รูปที่ 2.4 - 2.5) โดยระดับการเกิดพอลิเมอร์ไรซ์ (degree of polymerization) ในไม้เนื้ออ่อนอยู่ในช่วง 70-130 และในไม้เนื้อแข็งอยู่ในช่วง 150-200 (Filho, 1994) และในโครงสร้างหลักของเฮมิเซลลูโลสในพืชตระกูลหญ้าจะมี L-arabinose, β -coumaroyl และ feruloyl มายึดจับกับโครงสร้างหลักของไซแลน (รูปที่ 2.6)

โดยไม้เนื้ออ่อนพบไซแลนประมาณร้อยละ 7 ถึง 12 ของน้ำหนักแห้งทั้งหมด ไม้เนื้อแข็งพบประมาณร้อยละ 15 -30 ของน้ำหนักแห้งทั้งหมด และในไม้ดัดถูกพบมากกว่าร้อยละ 30 ของน้ำหนักแห้งทั้งหมด (Wong และคณะ, 1988 ; Whistler และ Richard, 1970)

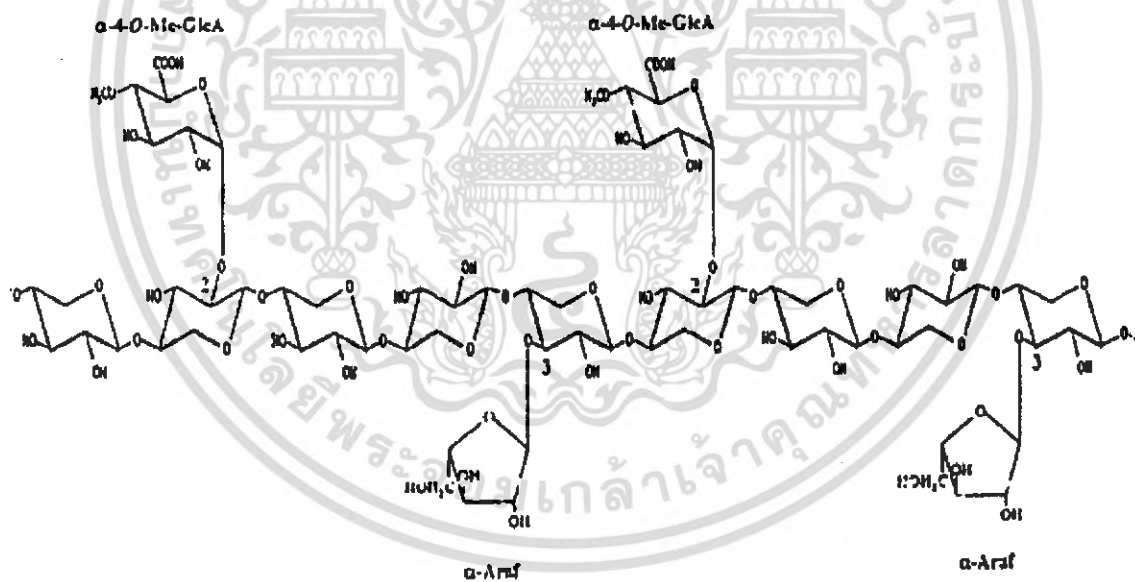
นอกจากนี้ยังมีไซแลนอีกชนิดหนึ่งที่ประกอบด้วยหน่วยย่อยของน้ำตาลดีไซโลสมาเชื่อมต่อกันด้วยพันธะบีตา-1,3-D-ไซโลไพราโนซิท (β -1,3-D-xylopyranosyl) ซึ่งมักพบเป็นองค์ประกอบของสาหร่ายน้ำจืด และสาหร่ายทะเล (Horikoshi, 1999) (รูปที่ 2.7)



รูปที่ 2.4 องค์ประกอบของไซเลนในไม้เนื้อแข็งที่มีลักษณะเป็น O-acetyl-4-O-methylglucuronoxylan

Ac = acetyl group, α -4-O-Me-GlcA = α -4-O-methylglucuronic acid

ที่มา : Sunna และ Antrnikian (1997)

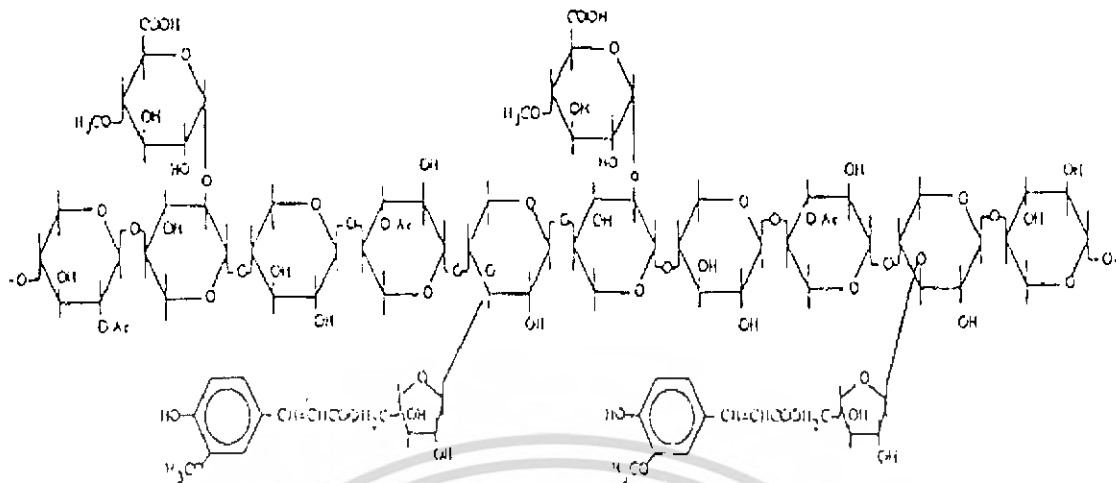


รูปที่ 2.5 องค์ประกอบของไซเลนในไม้เนื้ออ่อนที่มีลักษณะเป็น arabino-4-O-methylglucuronoxylan

α -Araf = α -arabinofuranose, α -4-O-Me-GlcA = α -4-O-methylglucuronic acid

ที่มา : Sunna และ Antranikian (1997)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

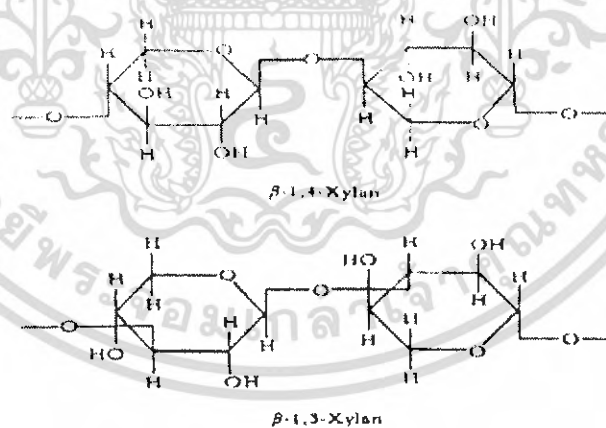


รูปที่ 2.6 องค์ประกอบของไซแลนในพืชตระกูลหญ้าหรือฟางข้าว ที่มีลักษณะเป็นอนุพันธ์

ของ arabino-4-O-methylglucuronoxylan

Ac = acetyl group

ที่มา : Coughlan และ Hazlewood (1993)



รูปที่ 2.7 โครงสร้างของไซแลนที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะ β -1,4 และพันธะ β -1,3-Dxylopyranosyl

ที่มา : Horikoshi และ Akiba (1982)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.1.2 ประโยชน์ของไซแลน (Biely, 1985)

1. ใช้ในกระบวนการหมักสำหรับผลิตเชื้อเพลิง เช่น เอทานอล
2. ใช้ในการผลิตสารเคมี เช่น สารทำละลายและกรดอินทรีย์
3. อาหารสำหรับคนและสัตว์ ได้แก่ อาหารเสริมโปรตีนและอาหารเสริมเส้นใย

2.2 ชั่งข้าวโพด (corn cob)

ประเทศไทยเป็นประเทศเกษตรกรรมซึ่งมีวัสดุเหลือทิ้งประเภทฟางข้าว แกลบ ขี้เลื่อย ชั่งข้าวโพด และขานอ้อย ฯลฯ อยู่เป็นจำนวนมาก วัสดุเหลือทิ้งทางการเกษตรดังกล่าวส่วนใหญ่จัดเป็นวัสดุประเภทลิกโนเซลลูโลส ซึ่งมีองค์ประกอบหลักคือเซลลูโลสประมาณร้อยละ 40-60 เฮมิเซลลูโลสร้อยละ 20-39 และลิกนินร้อยละ 15-30 โดยน้ำหนักแห้ง (Kirk, 1983) ปัจจุบันได้มีการคิดที่จะนำวัสดุเซลลูโลสที่มีอยู่มากมายนี้เปลี่ยนแปลงให้เป็นวัสดุที่มีประโยชน์มากขึ้น เช่น แปรเปลี่ยนให้เป็นเชื้อเพลิง อาหารและสารเคมีอื่น ๆ เป็นต้น โดยเฉพาะชั่งข้าวโพดที่มีอยู่มากในประเทศไทย เพื่อช่วยลดต้นทุนในการผลิตเอนไซม์ไซแลนส์ได้อีกด้วย

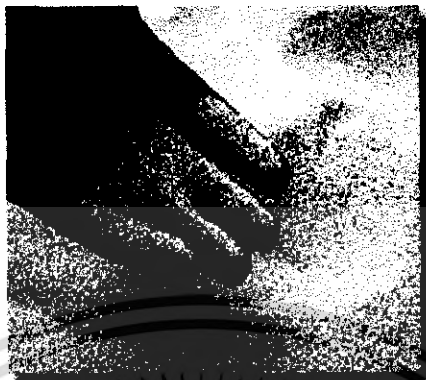
Lenartovicz และคณะ (2003) ทำการศึกษาโดยทำการเลี้ยงเชื้อ *Aspergillus fumigatus* ใน submerged culture โดยการใส่แป้งชั่งข้าวโพดแทนการใช้ไซแลน จะสามารถเพิ่มการผลิตของเอนไซม์ได้ โดยระดับการผลิตเอนไซม์เบต้า-ไซโลซิเดส ที่สูงที่ 45 หน่วย/มิลลิลิตร หรือ 360 หน่วย/มิลลิกรัมโปรตีน โดยการใส่ชั่งข้าวโพดร้อยละ 3 โดยมีการเจริญที่ 42 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 72 ชั่วโมงและเป็นผลช่วยให้เอนไซม์หลังออกมาภายนอกเซลล์เป็นปริมาณมาก

Panagiotu และคณะ (2003) ทำการศึกษาการผลิตเอนไซม์ไซแลนส์และเอนไซม์เซลลูเลสในสถานะอาหารแข็งโดยใช้เปลือกข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน จากเชื้อ *Fusarium oxysporum* โดยพบว่าเชื้อจะผลิต multiple enzyme จะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงสุดที่ 1216 หน่วย/กรัม ในชั่วโมงที่ 144 โดยที่เอนไซม์เซลลูเลสจะผลิตในปริมาณน้อย 3.9 หน่วย/กรัม เมื่อสารตั้งต้นมีความชื้นอย่างน้อย ร้อยละ 80 ที่ค่า pH 7.0 ที่อุณหภูมิ 27 องศาเซลเซียส

Purkarthofer (1993) ได้ทำการทดลองการผลิตเอนไซม์ไซแลนส์จาก *T. langinosus* โดยใช้ชั่งข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน โดยทำการหมักในสถานะอาหารแข็งแบบ static ที่มีความชื้นร้อยละ 70 พบว่าเชื้อสามารถผลิตเอนไซม์ไซแลนส์ได้ถึง 20,200 หน่วย/กรัม โดยไม่พบเอนไซม์เซลลูเลส ซึ่งค่ากิจกรรมในการหมักมากกว่าการหมักโดยใช้สถานะอาหารเหลว

Gome และคณะ (1993) ทำการทดลองเลี้ยงเชื้อ *T. langinosus* โดยใช้สารตั้งต้นเป็นวัสดุเหลือทิ้งทางการเกษตร คือ เปลือกข้าวบาร์เลย์ บิซวูด ชั่งข้าวโพด ต้นข้าวโพด ใบข้าวโพด ใบของปอ เปลือกข้าว รำข้าวสาลี ฟางข้าวสาลี ที่นำมาบดก่อน (รูปที่ 2.8) แล้วจึงเลี้ยงในสถานะอาหารเหลว

ที่ 50 องศาเซลเซียส พบว่าซังข้าวโพดเป็นสารตั้งต้นที่ดีที่สุดในการผลิตเอโนไซม์ไซลานเนสที่ค่ากิจกรรม 1,438 ยูนิต/มิลลิกรัม โดยมีค่ากิจกรรมสูงสุดที่ 7 วัน



รูปที่ 2.8 ลักษณะของซังข้าวโพดบดละเอียด

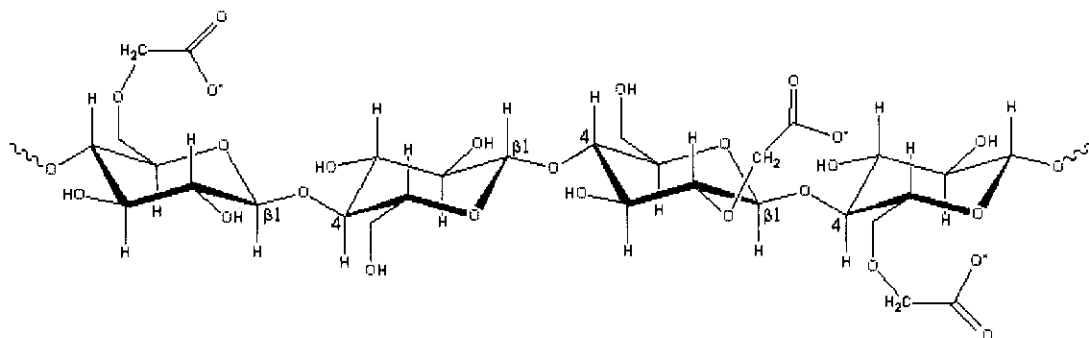
ที่มา : http://produto.mercadolivre.com.br/MLB-30254683--_JM

2.3 Carboxymethylcellulose (CMC)

2.3.1 แหล่งที่พบ

คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลส (CMC; E.C. 4.6.6) หรือ โซเดียมคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลส (sodium carboxymethylcellulose) เป็นสารที่ดัดแปลงมาจากเซลลูโลส โดยประกอบมาจากเซลลูโลสทำปฏิกิริยากับด่าง (alkali) และกรดคลอโรอะซิติก (Chloroacetic acid) เป็นสารจำพวกเซลลูโลสอีเทอร์ชนิดหนึ่งสามารถสังเคราะห์ ได้จากการทำปฏิกิริยาของแอลฟา-เซลลูโลสปริมาณสูงกับอีเธอร์ไฟอิง เอเจนต์ (etherifying agent) ในสถานะที่เป็นด่าง ซึ่งในบรรดาสารจำพวกเซลลูโลสอีเทอร์ เชื้อเซลลูโลสคุณภาพสูงจำพวกเซลลูโลสอีเทอร์ (cellulose ethers) ที่เป็นวัตถุคิบในการเตรียมซีเอ็มซี นั้น ในต่างประเทศส่วนใหญ่ผลิตจากไม้ยืนต้น จำพวกสน และยูคาลิปตัส ทั้งนี้เนื่องจากการผลิตในเชิงอุตสาหกรรมขนาดใหญ่จำเป็นต้องควบคุมคุณภาพเชื้อเซลลูโลสที่ได้ไว้คงที่จึงจำเป็นต้องใช้วัตถุคิบบ้างจำนวนมาก เนื่องจากหากใช้วัตถุคิบบ้างพวกพืชไร่ที่มีคุณภาพและปริมาณแตกต่างกันไปจากหลายๆ แห่งจะทำให้ได้เชื้อเซลลูโลสที่มีกัมบัคไม่คงที่

โดยโครงสร้างของคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลส มีโครงสร้างหลัก คือ สายโพลิเมอร์ของเซลลูโลสเชื่อมต่อกันด้วยพันธะ β -1,4-D-glucopyranose โดยการเตรียมคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสที่แตกต่างกันอาจจะทำให้ลำดับของการเข้าแทนที่ (substitution) ต่างกัน แต่โดยทั่วไปแล้วอยู่ในช่วงของการเปลี่ยนแปลงที่ 0.6-0.95 ต่อหน่วยโมโนเมอร์ (monomer)



รูปที่ 2.9 โครงสร้างคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลส

ที่มา : <http://www.lsbu.ac.uk/water/hycmc.html>

2.3.2 โครงสร้างโมเลกุล

โมเลกุลของคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลส โดยเฉลี่ยแล้วจะเป็นสายสั้นเป็นส่วนใหญ่เมื่อเปรียบเทียบกับเซลลูโลสที่มีอยู่ในธรรมชาติ โดยหมู่ที่เข้าแทนที่มีทั้งสายยาวและสายสั้นไม่เท่ากัน โดยส่วนที่เข้าแทนที่มักเชื่อมต่อกันด้วย 2-O- และ 6-O-linked ตามด้วยการจัดสายข้างที่สำคัญต่างๆ ด้วยพันธะ 2, 6-di-O- จากนั้นตามด้วยพันธะ 3-O-3, 6-di-O, 2, 3-di-O- ส่วนสุดท้ายคือ 2, 3, 6-tri-O-linked ซึ่งพันธะนี้จะปรากฏขึ้นเมื่อหมู่เข้าแทนที่การเชื่อมต่อกันอย่างอ่อน (ภายในอนุพันธ์) เมื่อเปรียบเทียบกับ การเชื่อมต่อกันอย่างสุ่ม (random process) ซึ่งจะเชื่อมต่อกันอย่างอ่อนกว่าการเชื่อมต่อกับหมู่แทนที่สามตัว (trisubstituted)

โมเลกุลของคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสส่วนมากจะเป็นลักษณะขยายออกคล้ายท่อน (rod-like) ที่ความเข้มข้นต่ำๆ แต่ถ้าหากว่ามีความเข้มข้นสูงขึ้น โมเลกุลจะมีการซ้อนทับกันแล้วม้วนตัวขึ้นเป็นขดวง (coil up) โดยจุดที่มีความเข้มข้นสูงมากขึ้น โมเลกุลที่พันทับกันจะกลายมาเป็นลักษณะที่เป็นเจลสมมาตรที่ทนร้อน (thermoreversible gel) เมื่อมีการเพิ่มไอออน (ionic) และมีการลดค่า pH ลงไปพร้อมๆกัน จะช่วยลดความหนืดซึ่งเป็นเหตุมาจากสายโพลีเมอร์ที่มีลักษณะเป็นขดวง (coil)

2.3.3 หน้าที่และความสำคัญ

คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสมีความสามารถละลายได้อย่างรวดเร็วในน้ำเย็น (cool water) และส่วนใหญ่นำมาใช้ประโยชน์ในการควบคุมความหนืด (viscosity) โดยจะไม่ทำให้เกิดลักษณะที่เป็นเจล (gelling) ที่ความเข้มข้นของตัวอย่าง (ไม่เกิดลักษณะที่เป็นเจลเกิดขึ้น แม้ว่าจะมีไอออนของแคลเซียมอยู่ในสารละลาย) เมื่อผลิตภัณฑ์มีความหนืดลดลงขณะที่ให้ความร้อน โดยคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสจะช่วยทำให้ปริมาตรที่ได้มากขึ้นในระหว่างการให้ความร้อน โดยการเกิดฟองแก๊ส (gas bubble formation) ช่วยให้มีการทำปฏิกิริยาได้ดีขึ้น

นอกจากนี้คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสจะช่วยในการควบคุมความหนืด โดยจะช่วยให้สารละลายมีความเข้มข้นขึ้น (thickener) รวมตัวกันได้ดีขึ้น (phase) และเป็นอิมัลชันช่วยในการคงเอกซอร์เน็เป็นเอกซอร์เน็ที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไมออนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตัว (ยกตัวอย่างเช่น คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสถูกใช้เป็นอิมัลติไฟเออร์ระหว่างน้ำมันกับ เคซีน) และยังทำหน้าที่เป็นตัวทำลาย

คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสสามารถที่จะนำไปใช้ในการช่วยเพิ่มความสามารถในการยึดเกาะ ของน้ำ (water-holding capacity) ให้มากขึ้นแม้จะมีความเข้มข้นต่ำ โดยเฉพาะเมื่อใช้ในรูปของ แคลเซียม (Ca^{2+}) ดังนั้นคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสจึงถูกใช้ในการยับยั้งการเน่าเสีย (staling) และช่วยลดปริมาณไขมัน (fat) ในอาหารจำพวกทอด

ค่าเฉลี่ยของความยาวสายและลำดับของหมู่แทนที่มีความสำคัญมาก คือ มีหมู่แทนที่ที่เป็นหมู่ ที่มีส่วนที่ชอบน้ำมากๆ (more-hydrophobic) ปริมาณน้อย คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสจะเป็นใน ลักษณะไทรออปิก (thixotropic) (คือ ของเหลวที่มีการตอบสนองอัตราความเครียดจาก แรงเฉือน โดยขึ้นอยู่กับเวลา ซึ่งจะมีลักษณะเป็นของเหลวเมื่อมีการเขย่าและจะมีลักษณะเป็น ของแข็งเมื่อไม่มีการเขย่า) ถ้าหมู่แทนที่มีความยาวมากๆ ในคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสจะทำให้มี ลักษณะเป็นซูโดพลาสติก (pseudoplastic) (ซูโดพลาสติก คือ เป็นวัสดุ (material) ซึ่งจะมี ความสามารถในการลดและการเพิ่มความหนืดอย่างฉับพลันตามอัตราความเครียดของแรงเฉือน ซึ่งจะสามารถทำให้สูบออก (pump) และรวมกัน (mix) ได้ง่าย ซึ่งเป็นตัวที่ทำให้แรงเฉือนเบาบาง ลงได้ (shear-thinning) และที่ค่า pH ต่ำ คาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสอาจจะก่อรูปโดยเชื่อมโยง ระหว่างกรดคาร์บอกซิลิกกับหมู่ไฮดรอกซิลที่เป็นอิสระ

2.4 การย่อยสลายไซแลน

การย่อยสลายไซแลนให้เป็นน้ำตาลโมเลกุลเดี่ยว สามารถย่อยสลายโดยการใช้สารเคมี (chemical hydrolysis) และการย่อยสลายด้วยเอนไซม์ (enzyme hydrolysis) หรือใช้ทั้งสองวิธี ร่วมกัน

2.4.1 การย่อยสลายไซแลนด้วยสารเคมี

2.4.1.1 การย่อยสลายไซแลนด้วยกรด

การย่อยสลายไซแลนด้วยกรดเพื่อผลิตน้ำตาลไซโลสเป็นวิธีที่ง่าย รวดเร็ว แต่ปฏิกิริยาที่ เกิดขึ้นรุนแรงและไม่จำเพาะเจาะจง ทำให้ได้ผลผลิตที่ไม่บริสุทธิ์และเกิดผลิตภัณฑ์ที่เป็นสารพิษ เช่น เฟอร์ฟูรัล ซึ่งมีผลต่อการนำมาเพาะเลี้ยงจุลินทรีย์ นอกจากนี้ยังต้องใช้วัสดุอุปกรณ์ที่ทนต่อ ความเป็นกรดและอุณหภูมิที่สูง

2.4.1.2 การย่อยสลายไซแลนด้วยด่าง

การย่อยสลายไซแลนด้วยด่าง มักนำไปใช้ในอุตสาหกรรมการทำกระดาษ ซึ่งจะนำชิ้น ของเปลือกไม้มาต้มในสารละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์เข้มข้น เพื่อให้เปลือกไม้ยุบ และเป็นการ กำจัดลิกนินที่อยู่ในชั้นลิกโนเซลลูโลสออกไปบางส่วน หลังจากนั้นนำไปผ่านกระบวนการ ฟอกสีเยื่อกระดาษ โดยใช้สารเคมีที่มีคลอรีนเป็นองค์ประกอบ เช่น คลอรีนไดออกไซด์

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้ในเพื่อการศึกษาเท่านั้น เมื่อผู้ใดเห็นหน้าเว็บไซต์นี้โปรดแจ้งให้ทราบ
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

(chlorinedioxide) ก๊าซคลอรีน เป็นต้น แต่วิธีนี้ทำให้เกิดสารประกอบไดออกซิน (dioxin) และสารประกอบคลอไรด์ที่เป็นพิษชนิดอื่น ๆ

2.4.2 การย่อยสลายไซแลนด้วยเอนไซม์

การย่อยสลายไซแลนด้วยเอนไซม์เป็นปฏิกิริยาที่มีความจำเพาะมากกว่าการใช้สารเคมีและไม่ทำให้เกิดสารประกอบเป็นพิษ เอนไซม์ในกลุ่มนี้สามารถนำไปใช้ประโยชน์ได้หลายประเภท เช่น กระบวนการฟอกสีเยื่อกระดาษ อุตสาหกรรมอาหาร เช่น การทำน้ำผลไม้ให้ใสขึ้นและใช้ลดความหนืดของอาหารสัตว์ (Wong และ Saddler, 1992) กระบวนการย่อยสลายไซแลนของจุลินทรีย์นี้เรียกว่า ระบบของเอนไซม์ไซลาโนไลติก (xylanolytic enzyme system) เกิดในกระบวนการหมัก (ตารางที่ 2.1) โดยเกิดการสลายแขนงของหมู่อะซิลิลในโครงสร้างของไซแลน

ตารางที่ 2.1 ความสามารถในการหมักของจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ โดยเกิดผ่านระบบของเอนไซม์ไซลาโนไลติก

Microorganisms	Fermentation ability	Rej
<i>Aureobasidium pullulans</i>	Xylose → ethanol ^a	B
<i>Candida shehatae</i>	Xylose → ethanol ^a	B
<i>Clostridium thmocellum</i>	Xylose → ethanol,acetic acid,lactic acid	10
<i>Clostridium thmohydro sulfuricum</i>	Xylose → ethanol	10
<i>Clostridium thmosaccharolyticum</i>	Xylose → ethanol	41
<i>Cryptococcus albidus</i>	Xylose → triglycerides	42
<i>Fusarium oxsporum</i>	Xylose → ethanol ^a	43
<i>Monilia sp.</i>	Xylose → ethanol	30
<i>Neurospora crassa</i>	Xylose → ethanol	44
<i>Pichia stipitis</i>	Xylose → ethanol	b
<i>Themoanaerobacter ethanolicus</i>	Xylose → ethanol	
<i>Themoanaerobium brockii</i>	Xylose → ethanol,acetic acid,lactic acid	10
<i>Thermoanaerobium, themoanaerobacter</i>	Xylose → ethanol,acetic acid,lactic acid	10
<i>And thmobacteroides species</i>	Xylose → ethanol,acetic acid,lactic acid	45
<i>Thembacteroides acetoethylicus</i>	Xylose → ethanol,acetic acid,lactic acid	10

^aDirect fermentation of xylan to ethanol has not been demonstrated with these species.

^bH. Lee,P.Biely and H. Scheider, unpublished.

ที่มา : Biely (1985)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.4.2.1 ไซลานโกลติกเอนไซม์ (xylanolytic enzymes , mutiple xylanase enzyme)

ไซลานโกลติกหรือมัลติเปิลไซลานเนสเอนไซม์เป็นกลุ่มเอนไซม์ที่ทำหน้าที่ย่อยสลายไซแลนซึ่งเป็นองค์ประกอบหลักในเฮมิเซลลูโลส ไซลานโกลติกเอนไซม์แบ่งออกเป็น 2 กลุ่ม คือ

2.4.2.1.1 กลุ่มเอนไซม์ที่ทำหน้าที่ย่อยสลายโครงสร้างหลัก

2.4.2.1.1.1 บีต้า-1,4-เอนโดไซลานเนส (1,4- β -D-xylan xylohydrolase; E.C. 3.2.1.8) หรือเอนไซม์เอนโด-บีต้า-1,4-ไซลานเนส (endo- β -1,4-xylanase) ย่อยสลายพันธะบีต้า-1,4-ไกลโคสิดิก ภายในเส้นสายของไซแลนอย่างสุ่ม การย่อยสลายขึ้นอยู่กับชนิดของสารตั้งต้น เช่น ความยาวของสายไซแลนและจำนวนโซ่กิ่ง ในช่วงแรกของการย่อยสลายได้ผลิตภัณฑ์เป็นไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์ เมื่อเกิดการย่อยสลายต่อไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์จะถูกย่อยสลายเป็นไซโลไตรออส ไซโลไบออส และไซโลส ตามลำดับ (Sunna และ Antranikian, 1997) สามารถจำแนกเอนไซม์ชนิดนี้ได้เป็น 2 กลุ่ม ได้แก่ family 10 และ family 11 โดยอาศัยความแตกต่างของลำดับกรดอะมิโน (Henrissat และ Bairoch, 1993) โดยเอนไซม์เอนโด- β -1,4-ไซลานเนสทั้งสองกลุ่มนี้มีความแตกต่างกันทั้งมวลโมเลกุลชนิดของสับสเตรทที่ย่อย และผลผลิตที่ได้จากการย่อย (Biely และคณะ, 1985) เอนไซม์ทั้งสองกลุ่มมีโครงสร้างแบบขดทบเป็นก้อน (tertiary structure) โดย family 10 มีมวลโมเลกุลประมาณ 48 กิโลดาลตัน การขดทบเกิดที่ตำแหน่ง α กับ β (Derewenda และคณะ, 1994) ส่วน family 11 ขนาดเล็กกว่า โดยมีมวลโมเลกุลอยู่ระหว่าง 19-31 กิโลดาลตัน การขดทบเกิดที่ตำแหน่ง β (Vroenmen และคณะ, 1995)

2.4.2.1.1.2 บีต้า-ไซโลซิเดส (β -D-xyloside xylohydrolase ; E.C. 3.2.1.37) เป็น exoglycosidase ที่ย่อยสลายไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์สายสั้น ๆ และ ไซโลไบออสจากปลายด้าน non-reducing และสามารถย่อยสลายสับสเตรทสังเคราะห์ (artificial substrate) เช่น p-nitrophenyl- β -D-xyloside การทำงานของเอนไซม์บีต้าไซโลซิเดสต่อการย่อยสลายสารไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์ลดลงเมื่อสายของไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์เพิ่มขึ้น นอกจากนี้ยังมีรายงานว่าเอนไซม์ในกลุ่มนี้สามารถย่อยสลายไซแลนได้แต่อัตราการย่อยสลายเกิดได้ช้ามาก โดยให้ผลิตภัณฑ์เป็นไซโลส (Kormelink และคณะ, 1993)

เอนไซม์เอนโด-บีต้า-1,4-ไซลานเนสก็จะย่อยภายในโครงสร้างหลักของไซแลนที่เป็นพอลิเมอร์ไปเป็นสารประกอบพวกไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์ (xylooligosaccharides) ที่แตกต่างกันไปขึ้นอยู่กับระดับของการเกิดพอลิเมอร์ของไซแลนแต่ละชนิด และเอนไซม์บีต้า-ไซโลซิเดสก็จะย่อยส่วนที่เป็น nonreducing ออกจาก D-xylose โดยเอนไซม์จะทำงานร่วมกัน (ดังรูปที่ 2.10)

2.4.2.1.2 กลุ่มเอนไซม์ที่ย่อยสลายโครงสร้างที่เป็นสายโซ่กิ่ง

โดยเป็นเอนไซม์ที่สามารถย่อยส่วนที่เป็นแขนงออกจากโครงสร้างหลักของไซแลน ได้แก่เอนไซม์แอลฟา-อะราบินอฟิวรานอไซด์ส (α -arabinofuranosidases; E.C. 3.2.1.55)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอนไซม์อะซิetylเอสเทอเรส (acetylsterases; E.C. 3.1.1.6) เอนไซม์แอลฟา-เมทิลกลูคูโรโนซิเดส (α -methylglucuronosidases) เอนไซม์ดังกล่าวจะเข้าไปทำปฏิกิริยากับแขนงเพื่อแยกเอาส่วนที่เป็นแขนงออกจากโครงสร้างหลัก

2.4.2.1.2.1 แอลฟา-แอล-อะราบินโนฟูราโนซิเดส (α -L-arabinofuranosidase; E.C. 3.2.1.55) เป็นเอนไซม์ที่มีความสำคัญต่อการย่อยสลายไซแลน โดยเฉพาะไซแลนในไม้เนื้ออ่อน อะราบินโนฟูราโนซิเดสแบ่งออกเป็น 2 ชนิด ได้แก่

1. exo-acting α -L-arabinofuranosidase (E.C. 3.2.1.55) สามารถย่อยสลาย nitrophenyl α -L-arabinofuranoside และสาขาของอะราบินแนน

2. endo-1,5- α -L-arabinofuranosidase (E.C. 3.2.1.99) โดยมีผลเฉพาะต่ออะราบินแนนที่เป็นเส้นตรงเท่านั้น

การทำงานร่วมกันของแอลฟา-แอล-อะราบินโนฟูราโนซิเดสกับไซลานเนสทำให้ได้โซโลส ไซโลไบโอส และอะราบินโนส ซึ่งเป็นผลิตภัณฑ์ที่ได้จากการย่อยสลายไซแลนเพิ่มขึ้น (Kormelink และคณะ, 1993)

2.4.2.1.2.2 แอลฟา-เมทิลกลูคูโรนิเดส (α -methylglucuronidase; E.C. 3.2.1.139) ย่อยสลาย α -1, 2-linkage ระหว่างไซโลสและกรดดี-กลูคูโรนิก หรือ 4-โอ-เมทิล-ดี-กลูคูโรนิก พบในกลูคูโรโนไซแลน ความจำเพาะต่อสารตั้งต้นของเอนไซม์แอลฟา-กลูคูโรนิเดสขึ้นอยู่กับแหล่งของเอนไซม์ (Kormelink และคณะ, 1993)

2.4.2.1.2.3 อะซิetylไซแลนเอสเทอเรส (acetylxylylan esterase; E.C. 3.1.1.6) ย่อยสลายพันธะระหว่าง O-acetyl residue ของคาร์บอนตำแหน่งที่ 2 และ 3 ในสายอะซิetylไซแลน (Kormelink และคณะ, 1993)

การย่อยสลายไซแลนให้สมบูรณ์ยังต้องอาศัยเอนไซม์ชนิดอื่นๆ (รูปที่ 2.10) ได้แก่ แอลฟา-ดี-กลูคูโรโนซิเดส (α -D-glucuronosidase) เป็นเอนไซม์ที่ย่อยสลายพันธะแอลฟา-1,2 ในกรด 4-โอ-เมทิล-ดี-กลูคูโรนิก แอลฟา-แอล-อะราบินโนซิเดส (α -L-arabinosidase) ย่อยสลายพันธะแอลฟา-1,3 ของหมู่อนรีดิวิซ์-แอลฟา-แอล-อะราบินโนส ได้น้ำตาลอะราบินโนส

2.5 ความจำเพาะต่อสับสเตรท

เอนไซม์ไซลานเนสประกอบด้วย catalytic domain และ non-catalytic xylylan-binding domain (XBD) ซึ่งมีความจำเพาะต่อการจับกับไซแลนที่เป็นสับสเตรทของเอนไซม์ และเป็นส่วนสำคัญในการจับกันระหว่างเอนไซม์กับสับสเตรท โดยทำหน้าที่ช่วยเพิ่มความเข้มข้นของสับสเตรทบนเอนไซม์ ซึ่งส่วนที่เป็น XBD แยกจากบริเวณ catalytic domain อย่างชัดเจน XBD พบน้อยมากในธรรมชาติ ปัจจุบันยังไม่มีการจัดกลุ่ม XBD เนื่องจากยังค้นพบไม่มาก XBD มีบทบาทสำคัญใน

การช่วยย่อยสลายสารประกอบไซแลนที่ไม่ละลายน้ำ ซึ่งเป็นองค์ประกอบหนึ่งที่จะช่วยให้การย่อยสลายไซแลนในเยื่อกระดาษมีประสิทธิภาพมากขึ้น และคุณสมบัติของส่วนที่ยึดเกาะกับไซแลนที่ไม่ละลายน้ำจะช่วยส่งเสริมกิจกรรมของเอนไซม์ต่อสับสเตรทที่ไม่ละลายน้ำเพิ่มขึ้นโดยช่วยเพิ่มประสิทธิภาพการจับกันระหว่างเอนไซม์กับสับสเตรท (Fernandes และคณะ, 1999)

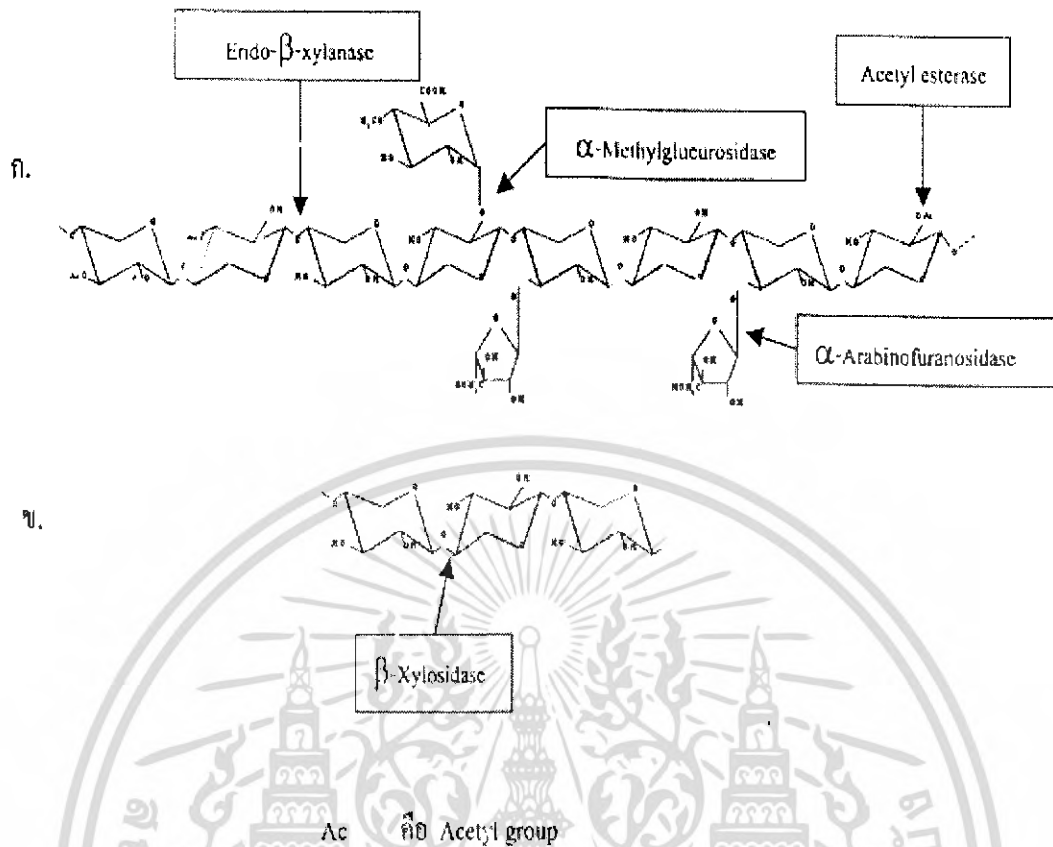
โดยทั่วไปไซแลนมาจากจุลินทรีย์ต่าง ๆ มีสับสเตรทเป็นไซแลน แต่ไซแลนจากพืชต่างชนิดกันมีองค์ประกอบแตกต่างกัน โดยเฉพาะมีความแปรผันที่สายโซ่ข้างคังที่ได้กล่าวมาแล้วในข้างต้น ดังนั้นไซแลนจึงมีความจำเพาะต่อไซแลนจากพืชต่างชนิดกันแตกต่างกันและแหล่งของเอนไซม์ไซแลนสอาจมีผลทำให้เกิดความหลากหลายของความจำเพาะต่อชนิดของไซแลนเช่นกัน โดยเมื่อเอนไซม์ทำปฏิกิริยากับสับสเตรทแล้วได้ผลผลิต โดยเอนไซม์แต่ละชนิดจะมีความจำเพาะเจาะจงกับสับสเตรทและให้ผลผลิตที่แตกต่างกันไป

Kubata และคณะ (1994) ได้ศึกษาผลผลิตที่ได้จากการย่อยสับสเตรทด้วยเอนไซม์ไซแลเนส IV (xylanase IV) ซึ่งได้จากการแยกเอนไซม์ให้บริสุทธิ์จาก *Aeromonas caviae* สายพันธุ์ ME-1 สามารถย่อยไซแลนจากโอ๊ก ได้ผลผลิตเพียงอย่างเดียวคือ ไซโลเตตระโอส (xylotetraose)

Kang และคณะ (1996) ได้ศึกษาผลผลิตที่ได้จากการย่อยสับสเตรทด้วยเอนไซม์ไซแลเนส ซึ่งทำให้บริสุทธิ์จากเชื้อรา *Cephalosporium* sp. สายพันธุ์ RYM-202 สามารถย่อยไซแลนจากต้นเบิร์ชให้ผลผลิตหลักคือ ไซโลไบโอส (xylobiose) และผลผลิตรองลงมาคือ ไซโลไตรโอส และไซโลเฮกโซส (xylohexose)

Lin และคณะ (1999) ได้ศึกษากลไกการย่อยไซแลนจากน้ำตาล xylooligosaccharide ด้วยเอนไซม์ไซแลเนส ซึ่งทำให้บริสุทธิ์แล้วจากเชื้อรา *Thermomyces lanuginosus* สายพันธุ์ SSBP โดยใช้ไซแลนจากต้นเบิร์ช ไซโลไตรโอส และไซโลเตตราโอส เป็นสับสเตรท ได้ผลผลิตส่วนใหญ่เป็นไซโลไบโอส กลไกการย่อยเกิดขึ้นดังนี้ เมื่อเอนไซม์ย่อยไซแลนได้ผลผลิตเป็นไซโลไตรโอส จากนั้นไซโลไตรโอส 2 โมเลกุลจะมาเชื่อมต่อกันเกิดเป็นไซโลเฮกโซสด้วยเอนไซม์ทรานสไกลโคซิเดส (transglycosidase) จากนั้นไซโลเฮกโซสจะถูกย่อยสลายอย่างรวดเร็วด้วยเอนไซม์เอนโดไซแลเนส (endo-xylanase) เกิดเป็นไซโลไอโอส 3 โมเลกุล หรือเกิดเป็นไซโลเตตระโอส และไซโลส จากนั้นไซโลเตตระโอสจะถูกย่อยสลายไปเป็นไซโลสในที่สุด

Gioris และคณะ (2002) ได้ศึกษาความจำเพาะเจาะจงของสับสเตรทของเอนไซม์ไซแลเนสจาก *Streptomyces* sp. สายพันธุ์ S38 สามารถแยกเอนไซม์ไซแลเนสให้บริสุทธิ์ได้ 3 ชนิด คือ Xy11 Xy12 และ Xy13 ศึกษาเปรียบเทียบการย่อยสับสเตรท 2 ชนิด ได้แก่ ไซแลนจากโอ๊ค และไซแลนจากต้นเบิร์ช พบว่า Xy11 ย่อยไซแลนจากต้นเบิร์ช ได้ดีกว่า Xy12 และ Xy13 ในขณะที่ Xy12 และ Xy13 ย่อยไซแลนจากโอ๊คได้ดีกว่า Xy11



รูปที่ 2.10 การย่อยไซแลนด้วยเอนไซม์ไซแลนส

ที่มา : Sunna และ Antranikian (1997)

2.6 การก่อกลายพันธุ์

2.6.1 ประวัติของการศึกษาเกี่ยวกับการกลายพันธุ์ (mutation)

มีความเชื่อว่าความแปรปรวนทั้งหลายที่เกิดขึ้นกับสิ่งมีชีวิตจนถึงกับได้พวกใหม่หรือสายพันธุ์ใหม่นั้นเกิดจากการเปลี่ยนแปลงทีละเล็กทีละน้อยแบบค่อยเป็นค่อยไปจนกระทั่งถึงปลายคริสต์ศตวรรษที่ 19 Hugo De Vries นักพฤกษศาสตร์ชาวเนเธอร์แลนด์ได้พบความจริงซึ่งแตกต่างจากข้อเสนอของดาร์วิน ทั้งนี้พบว่าการเปลี่ยนแปลงอันนั้นไปยังลูกหลานได้เรียกการเปลี่ยนแปลงในลักษณะนี้ว่า การกลายพันธุ์

2.6.2 ความหมายของการกลายพันธุ์

การกลายพันธุ์ หมายถึง การเปลี่ยนแปลงที่เกิดขึ้นกับหน่วยควบคุมลักษณะเป็นการเปลี่ยนแปลงที่จับพันและพืชหรือสัตว์สามารถถ่ายทอดการเปลี่ยนแปลงอันนั้นไปยังลูกหลานได้ถึงแม้ว่าการเปลี่ยนแปลงอันนี้จะรวมไปถึงการเพิ่มขึ้นหรือขาดหายไปของส่วนของโครโมโซม แต่คำว่า การกลายพันธุ์ ในปัจจุบันมักจะหมายความถึงการเปลี่ยนแปลงของยีนจากสภาพหนึ่งไปยังอีกสภาพหนึ่ง ดังนั้นอาจเรียกการเปลี่ยนแปลงอันว่า gene หรือ point mutation ซึ่งเป็นการ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เปลี่ยนแปลงระดับโมเลกุลของดีเอ็นเอ คือ นิวคลีโอไทด์ (nucleotide) ชนิดหนึ่งเข้าไปแทนที่นิวคลีโอไทด์อีกชนิดหนึ่ง การเปลี่ยนแปลงทางกรรมพันธุ์อาจเกี่ยวข้องกับลักษณะรูปร่างทั่วไปหรือเกี่ยวกับลักษณะทางสรีระหรือทางชีวเคมีหรือลักษณะทางพฤติกรรมของสปีชีส์กลายเป็นสมบัติสำคัญอย่างหนึ่งของสิ่งมีชีวิตและเป็นกลไกสำคัญอันดับแรกที่ทำให้เกิดความแปรผันในองค์ประกอบทางพันธุกรรม (genetic variation) อันเป็นพื้นฐานจำเป็นสำหรับกระบวนการวิวัฒนาการ

2.6.3 ชนิดของการกลายพันธุ์

ชนิดของการกลายพันธุ์ที่ศึกษากันมักเป็นพวกที่แสดงออกมาให้เห็นในรูปของลักษณะอย่างชัดเจน ตัวอย่างของการกลายพันธุ์ชนิดนี้ ได้แก่ ลักษณะตาสีขาว ปีกสั้น ปีกกุด ฯลฯ ของแมลงหวี่ ดังนั้นเราจึงเรียกกลายพันธุ์ดังกล่าวว่าเป็นพวกที่สังเกตเห็นได้ (visible) ซึ่งมีอยู่ราวร้อยละ 1 ของการกลายพันธุ์ทั้งหมดและไม่ก่อให้เกิดอันตรายแก่สิ่งมีชีวิตมากนัก แต่การกลายพันธุ์ส่วนใหญ่คือราวร้อยละ 80 ได้แก่พวกแสดงผลในทางเสื่อม (detrimental) ซึ่งไม่อาจตรวจผลได้แน่ชัด แต่เข้าใจว่าจะกระทบกระเทือนต่อการเจริญเติบโตของพืชหรือสัตว์ได้อย่างมาก ในการกลายพันธุ์ชนิดนี้ยีนที่เปลี่ยนไปแต่ละยีนก่อผลเพียงเล็กน้อย แต่เมื่อรวมผลของทุกยีนก็จะมี ความรุนแรงขึ้น การกลายพันธุ์อีกพวกหนึ่งคือพวกก่อผลถึงตาย (lethal) ซึ่งมีอยู่ประมาณร้อยละ 19 ถ้าอยู่ในลักษณะ homozygous การกลายพันธุ์ชนิดนี้จะกระทบกระเทือนต่อขบวนการทางสรีระจนพืชหรือสัตว์ไม่อาจจะมีชีวิตอยู่ได้

ในสิ่งมีชีวิตพวก haploid เช่น เชื้อราในประเภท recessive lethal จะก่อผลถึงตาย ในสิ่งมีชีวิตพวกนี้มียีนที่เกิดจากการเปลี่ยนแปลงอีกประเภทหนึ่งซึ่งไม่ก่อผลถึงตาย เรียกยีนนี้ว่า conditional lethal ตัวอย่างเช่น ยีนที่เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์กรดอะมิโนบางชนิดของเชื้อรา *Neurospora sp.* อาจเปลี่ยนไปจากเดิม เรียกยีนที่เปลี่ยนไปนี้ว่าเป็น conditional lethal ทั้งนี้เชื้อราที่มียีนนี้จะไม่เจริญหรือขยายพันธุ์ในอาหาร minimal medium แต่กลับเจริญตามปกติเมื่อเสริมกรดอะมิโนบางชนิดลงไป ในอาหาร selective medium

2.6.3.1 การกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นตามธรรมชาติ (spontaneous mutation)

การกลายพันธุ์ชนิดนี้เป็นผลมาจากรังสี สารเคมี อุณหภูมิ ที่มีอยู่ในธรรมชาติกระตุ้นให้เกิดปฏิกิริยาทอโมเมอริกชิฟต์ (tautomeric shift) หรือการก่อให้เกิดไอออน (ionization) ในโมเลกุลของเบสดีเอ็นเอ มีผลทำให้เกิดการแทนที่คู่เบสในสายโพลีนิวคลีโอไทด์ของดีเอ็นเอ (ประคิษฐ์, 2543) การกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นเองตามธรรมชาติมีอัตราค่ามาก อัตราโดยเฉลี่ยประมาณ 10^{-5} – 10^{-10} ต่อเซลล์ต่อรุ่นขึ้นอยู่กับสภาพแวดล้อมโดยแตกต่างกันออกไปตามแต่ละตำแหน่งและชนิดของยีนและชนิดของสิ่งมีชีวิต (ประคิษฐ์, 2536) (ดังตารางที่ 2.2) ยีนที่เกิดการกลายพันธุ์เกิดในทางไปข้างหน้า (forward mutation : จากลักษณะเด่นไปเป็นด้อย) คือลักษณะปกติเปลี่ยนไปเป็นลักษณะกลายหรืออาจเกิดขึ้นในทางกลับกัน (back mutation หรือ reverse mutation : จากลักษณะ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ด้อยไปเป็นเด่น) คือจากยีนสายพันธุ์กลายเปลี่ยนกลับไปเป็นยีนปกติตามเดิม (วิสุทธิ, 2533) อย่างไรก็ตามก็คิ่่นับว่าเป็นการ กลายพันธุ์ที่มีความสำคัญและก่อให้เกิดวิวัฒนาการขึ้นในสิ่งมีชีวิต ซึ่งอาจกล่าวได้ว่ายีนแทบทั้งหมดของสิ่งมีชีวิตชนิดหนึ่งๆ นั้นเคยผ่านการเปลี่ยนแปลงโดยเกิดการกลายพันธุ์มาแล้วในอดีต จากการคัดเลือกอันเข้มงวดของธรรมชาติ ยีนซึ่งก่อผลในทางเสือนั้นจะค่อยๆ หายไปจากหมู่ประชากรของพืชและสัตว์ โดยเมื่อปราศจากการกลายพันธุ์ในธรรมชาติแล้วก็แทบจะกล่าวได้ว่า สิ่งมีชีวิตไม่อาจดำรงเผ่าพันธุ์หรือมีวิวัฒนาการมาถึงทุกวันนี้

จากการศึกษาอัตราการกลายพันธุ์ของยีนต่างๆ ของสิ่งมีชีวิตหลายชนิด กล่าวว่าการเปลี่ยนแปลงของยีนไปยังสภาพอื่นและการเปลี่ยนแปลงกับสู่สภาพเดิมนั้นมีอัตราการเกิดไม่เท่ากัน นอกจากนั้นยีนของพืชและสัตว์ชั้นสูงมีอัตราการกลายพันธุ์สูงกว่ายีนของแบคทีเรียและไวรัส

2.6.3.2 การกลายพันธุ์ที่เกิดจากการกระตุ้น (induced mutation)

นอกจากจะเกิดขึ้นเองตามธรรมชาติแล้ว การกลายพันธุ์ก็อาจจะถูกทำให้เกิดขึ้นได้โดยใช้วิธีการกระตุ้น โดยได้เริ่มใช้รังสีเอกซ์ (X-rays) เพื่อกระตุ้นให้เกิดการกลายพันธุ์ในแมลงหวี่ พบว่าอัตราการกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นจะสูงกว่าพวกที่เกิดขึ้นเองตามธรรมชาติถึงราว 150 เท่า ค่อมมาได้พบว่ารังสีเอกซ์นี้ได้ก่อให้เกิดการผิดปกติของโครโมโซม (chromosome aberration) โดยการใช้รังสีเอกซ์มักจะก่อผลในทางเสือน และการกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นนั้นอาจมีสาเหตุมาจากการเปลี่ยนแปลงรูปร่างของโครโมโซม บางยีนอาจถูกทำลายก็ได้หรือบางส่วนของโครโมโซมอาจขาดหายไป

2.6.4 สิ่งที่ทำให้เกิดการกลายพันธุ์ (mutagens)

2.6.4.1 สิ่งก่อกการกลายพันธุ์ทางกายภาพ (physical mutagen)

1. อุณหภูมิ
2. รังสี
3. แสง

2.6.4.1.1 อุณหภูมิ จากการทดลองเลี้ยงแมลงหวี่ในอุณหภูมิต่าง ๆ กัน พบว่ายีนด้อยที่ทำให้การตายบนโครโมโซม X (sex linked recessive lethal gene) ในอัตราที่แตกต่างกันดังนี้

- | | |
|--------------------------|------------------|
| อุณหภูมิ 14 องศาเซลเซียส | เกิดร้อยละ 0.87 |
| 22 องศาเซลเซียส | เกิดร้อยละ 0.188 |
| 28 องศาเซลเซียส | เกิดร้อยละ 0.325 |

ตารางที่ 2.2 อัตราการเกิดการกลายพันธุ์โดยยีนตามสภาพธรรมชาติในสิ่งมีชีวิตต่างๆ

สิ่งมีชีวิต	อัตราการเกิดการกลายพันธุ์
ฟาจก์ (T4)	
SM23	1×10^{-4}
SM37	3×10^{-5}
UV102	1×10^{-6}
SM32	2×10^{-7}
UV248	1×10^{-8}
UV237	1×10^{-9}
แบคทีเรีย (<i>Escherichia coli</i>)	
ยีนที่ต่อยาสเตรปโตมัยซิน	4×10^{-4}
ยีนที่ต้องการฮิสทีดีน	2×10^{-6}
ราขนมปัง (<i>Neurospora crassa</i>)	
ยีนที่ไม่ต้องการสารอะนิลีน	1.5×10^{-5}
ยีนที่ไม่ต้องการสารอะดีนีน	4.3×10^{-5}
ยีสต์ (<i>Saccharomyces cerevisiae</i>)	
ยีนที่ไม่ต้องการสารอะนิลีน	9.3×10^{-7}
ยีนที่ไม่ต้องการสารฮิสทีดีน	3×10^{-9}
แมลงหวี่ (<i>Drosophila melanogaster</i>)	
ตัวสีเหลือง	1.2×10^{-4}
ตัวสีขาว	2.9×10^{-5}
มนุษย์ (<i>Homo sapiens</i>)	
กระดูกเล็ก (เตี้ย-เกราะ)	3×10^{-5}
เป็นใบ้	1.1×10^{-5}
ตาบอดสี	2.8×10^{-5}
ผิวเผือก	3.7×10^{-5}
กล้ามเนื้อแขนขาลีบ	5×10^{-6}
ข้าวโพด (<i>Zea mays</i>)	
เมล็ดสีแดง	4.92×10^{-4}
เมล็ดสีม่วง	1.1×10^{-5}

ที่มา : วิสุทธิ์ (2533)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.6.4.1.2 รังสีและแสง เป็นสิ่งก่อการกลายพันธุ์ที่สำคัญในการชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ สามารถแบ่งแสงและรังสีตามช่วงความยาวคลื่นออกเป็นพวก ๆ ดังนี้

10^{-4} - 10^{-1} ซม. คลื่นวิทยุ

10^{-2} - 10^{-3} ซม. แสงอินฟราเรด (infrared)

10^{-4} ซม. แสงที่มองเห็น

10^{-5} - 10^{-6} ซม. แสงอัลตราไวโอเล็ต (ultraviolet)

10^{-7} - 10^{-8} ซม. รังสีเอกซ์ (X-rays)

10^{-9} - 10^{-10} ซม. รังสีแกมมา (gamma rays)

10^{-11} ซม. รังสีคอสมิก (cosmic rays)

คลื่นวิทยุ แสงและรังสี คือ คลื่นแม่เหล็กไฟฟ้าที่มีช่วงความยาวคลื่นขนาดต่างๆกัน โดยคลื่นวิทยุ เป็นคลื่นที่ยาวมาก คือ มีความยาวระหว่าง 10^{-4} - 10^1 ซม. และช่วงแสงที่เรามองเห็นมีช่วงคลื่น 10^{-4} ซม. (1 ไมครอน) คลื่นที่มีช่วงสั้นกว่านี้เช่น แสงอัลตราไวโอเล็ต รังสีเอกซ์ จัดว่าเป็นคลื่นที่มีพลังงานสูง ทั้งนี้เมื่อช่วงคลื่นยิ่งสั้นลงพลังงานก็ยิ่งสูงขึ้น การที่แสงบางอย่างและรังสีมีพลังงานสูง จึงสามารถแทรกซึมวัตถุและก่อผลให้เกิดการกลายพันธุ์ในสิ่งมีชีวิต ซึ่งเราอาจจะแยกคลื่นแม่เหล็กไฟฟ้าและพลังงานในรูปมวลจากสารที่อาจแผ่รังสี (radioactive isotope) ออกได้เป็น 2 พวกใหญ่ ๆ คือ

รังสี (ionizing radiation) คือ คลื่นแม่เหล็กไฟฟ้าหรือพลังงานในรูปมวลที่มีพลังงานสูงเมื่อกระทบกับเป้าแล้วจะทำให้มีการผลิตไอออน (ions) และรังสีนี้จัดเป็นพวกที่มีแรงแทรกซึมสูง

แสง (nonionizing radiation) คือคลื่นแม่เหล็กไฟฟ้าที่มีพลังงานไม่สูงพอที่จะทำให้เกิดการผลิตไอออน และเป็นพวกที่มีแรงแทรกซึมต่ำ

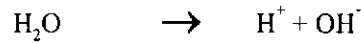
2.6.4.1.2.1 รังสี (ionizing radiation)

รังสีมีอยู่หลายชนิด ซึ่งแต่ละชนิดอาจมีแหล่งที่เกิดและแรงแทรกซึมแตกต่างกัน รังสีเหล่านี้ได้แก่ รังสีเอกซ์ รังสีแกมมา รังสีคอสมิก รังสีแอลฟา รังสีเบตาและนิวตรอน รังสีบางชนิด ในจำนวนนี้ได้จากการแผ่รังสีของธาตุที่อาจแผ่รังสีได้ (radioactive elements) เช่น รังสีแอลฟาซึ่งประกอบด้วยโปรตอนและนิวตรอน และรังสีเบตาซึ่งประกอบด้วยอิเล็กตรอน เป็นต้น

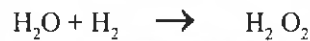
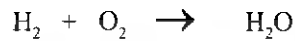
การกลายพันธุ์โดยวิธีการที่ทำให้เกิดไอออน ทั้งนี้เมื่อรังสีวิ่งไปกระทบกับอะตอมของวัตถุก็จะทำให้อะตอมนั้นยังอิเล็กตรอนออกไป หลังจากสูญเสียอิเล็กตรอนไปแล้ว ทั้งนี้เป็นเพราะมีอิเล็กตรอนอยู่ 1 หน่วยนั่นเอง ดังนั้นอิเล็กตรอนที่ถูกยิงออกไปจะถูกจับไว้โดยอะตอมข้างเคียงจึงทำให้อะตอมนั้นกลายเป็นไอออนที่มีประจุลบ ด้วยเหตุนี้เองไอออนจึงเกิดเป็นคู่ๆ เสมอ รังสีอาจก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ได้หลายวิธี เช่น เมื่อไอออนนั้นอยู่ในส่วนของยีน การเปลี่ยนแปลงทางเคมีที่เกิดขึ้นกับไอออนนั้นก็ทำให้ยีนเปลี่ยนแปลงสภาพไป ส่วนอีกวิธีหนึ่งคือรังสีอาจทำให้น้ำที่มีอยู่ภายใน

เซลล์ผลิตไอออนของไฮโดรเจน (H^+) และกลุ่มไฮดรอกซิล (OH^-) และไฮโดรเจนจะเกิดการรวมตัว เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กับออกซิเจนได้ไฮโดรเจนเปอร์ออกไซด์ (hydrogenperoxide) ซึ่งสารนี้เป็นสารเคมีที่ไวต่อการเกิดปฏิกิริยากับโครโมโซมก็จะทำให้เกิดการผิดปกติของโครโมโซมหรือเกิดการกลายพันธุ์ของยีนได้



ในที่มียออกซิเจน ไฮโดรเจนอะตอมที่เกิดจากโมเลกุลของน้ำจะเปลี่ยนเป็นไฮโดรเจนเปอร์ออกไซด์ได้ง่าย ดังปฏิกิริยา



2.6.4.1.2.2 แสง (nonionizing radiation)

คลื่นแม่เหล็กไฟฟ้าช่วงยาวๆ ไม่ทำให้มีการผลิตอิออน ทั้งนี้เพราะพลังงานที่มีอยู่นั้นค่อนข้างต่ำดังนั้นเราเรียกคลื่นดังกล่าวนี้ว่าแสง แสงที่อาจก่อให้เกิดกลายพันธุ์ได้แก่ แสงอัลตราไวโอเล็ต (UV) แสงชนิดนี้มีช่วงคลื่นยาวกว่ารังสีเอกซ์ และเนื่องจากมีพลังงานต่ำ แสงอัลตราไวโอเล็ตจึงมีแรงแทรกซึมน้อย และไม่อาจแทรกซึมผ่านส่วนของร่างกายที่มีความหนาแน่นสูงๆ ดังนั้นมักจะใช้กับส่วนเล็กๆ ของพืช เช่น อับละอองเกสร เป็นต้น หรือใช้กับบางส่วนของไข่แมลงหวี่และมักใช้ได้ผลดีกับเชื้อรา แบคทีเรียและไวรัส แสงอัลตราไวโอเล็ตสามารถทำให้เกิดการกลายพันธุ์ขึ้นในส่วนโพลาร์แคป (polar cap) ของไข่แมลงหวี่โดยแสงอัลตราไวโอเล็ตอาจทำให้โครโมโซมผิดปกติแต่ประสิทธิภาพน้อยกว่ารังสีเอกซ์ (ประคิษฐ์, 2533)

เนื่องจากแสงอัลตราไวโอเล็ตไม่ทำให้มีการผลิตอิออนขึ้น ดังนั้นการกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นก็เนื่องมาจากเซลล์ดูดแสงเข้าไปโดยตรง ส่วนของเซลล์ที่ดูดแสงได้ดีคือ กรดนิวคลีอิกหรืออาจกล่าวลงไปให้แน่ชัดได้อีกว่า การเปลี่ยนแปลงที่เกิดขึ้นกับเบส โดยเฉพาะอย่างยิ่งที่ไพริมิดีนนั่นเอง เมื่อเบสกระทบกับแสงอัลตราไวโอเล็ตก็จะทำให้คุณสมบัติการจับเกาะของพันธะ (bond) เปลี่ยนไปคือ ทำให้มีการจับเกาะระหว่างเบสชนิดเดียวกัน เบสที่จับเกาะกันนี้เรียกว่าเป็นไดเมอร์ (dimer) การจับเกาะที่ง่ายที่สุดคือ การจับเกาะระหว่างไทมีน (thymine) ซึ่งทำให้เกิดไทมีนไดเมอร์ (thymine dimer) ถ้ามีการจับเกาะระหว่างไทมีนในเส้นนิวคลีโอไทด์เส้นเดียวกันก็จะไม่มีการขัดขวางไม่ให้ดีเอ็นเอมีการแบ่งตัว ถ้ามีการจับเกาะระหว่างไทมีนของเส้นตรงกันข้ามจะมีผลทำให้คุณสมบัติในการจับคู่ของไทมีนกับอะดีนีน (thymine กับ adenine : T-A) เปลี่ยนไป ดังนั้นทำให้ไทมีนไปจับกับกวีนีนซึ่งจะยังผลให้ T-A เปลี่ยนไปเป็น C-G ซึ่งจัดเป็นการเปลี่ยนแปลงแบบทรานซิชัน (transition) ส่วนไดเมอร์ชนิดอื่นที่พบคือ ไซโตซีนไดเมอร์ (cytosine dimer : C-C) เกิดขึ้นน้อยกว่าพวกแรก ไดเมอร์ชนิดนี้ก่อให้เกิดการกลายพันธุ์โดยการที่ NH_2 ถูกขับออกไปจึงทำให้ได้ยูราซิลไดเมอร์ (uracil dimer : U-U) แต่ยูราซิลจะมีคุณสมบัติเช่นเดียวกับไทมีน ดังนั้นจึงทำให้ G-C เปลี่ยนเป็น A-T

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ผลของแสงอัลตราไวโอเล็ตที่มีต่อสิ่งมีชีวิตคือ มันทำให้มีการเปลี่ยนแปลงในโครโมโซมและยีน (gene mutation) เช่นเดียวกับการใช้รังสีเอกซ์และขนาดการใช้ที่อาจทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงของยีนได้เท่ากัน โดยที่รังสีเอกซ์ก่อให้เกิดการเปลี่ยนแปลงในระดับโครโมโซมได้มากกว่า คุณสมบัติอีกประการหนึ่งของแสงอัลตราไวโอเล็ตก็คือ ช่วงแสงที่มีช่วงคลื่นต่างกันจะมีผลทางกลายพันธุ์ไม่เท่ากัน ช่วงคลื่นที่มีผลในทางกลายพันธุ์ดี คือ พวกที่ DNA สามารถดูดซับไว้ได้มากแสงอัลตราไวโอเล็ตไม่สามารถผ่านแก้วได้แต่สามารถทำลายสายตาได้ (Gerald, 1973)

ผลของกลายพันธุ์จากการใช้แสงอัลตราไวโอเล็ตจะไม่สอดคล้องกับทฤษฎีการกระทบเป้า (target theory) ความสัมพันธ์ระหว่างอัตราการใช้ (dosage) และอัตรากลายพันธุ์จะไม่เป็นแบบเส้นตรง แต่จากการทดลองจากเชื้อจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ ปรากฏว่าได้กราฟเส้นโค้งหลายๆแบบ ก็แสดงว่ากลายพันธุ์ย่อมเกิดจากการกระทบกับเป้าหลายครั้ง การฉายแสงอัลตราไวโอเล็ตเป็นวิธีการก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ที่นิยมนำมาใช้กับเชื้อรา (ชวณพิศ, 2536) ซึ่งความไวของสายพันธุ์จุลินทรีย์จะใกล้เคียงกับการแผ่แสงอัลตราไวโอเล็ต โดยความไวของสายพันธุ์จุลินทรีย์จะสามารถคำนวณได้จากอัตราการอยู่รอดของจำนวนโคโลนีภายหลังการฉายแสง ถ้าหากให้แสงอัลตราไวโอเล็ตสูงขึ้น จะทำให้อัตราการกลายและอัตราการตายเพิ่มขึ้นเช่นเดียวกัน ดังนั้นจึงให้อัตราการกลายพันธุ์มีความสัมพันธ์กับร้อยละการอยู่รอดของจุลินทรีย์ภายหลังได้รับแสงอัลตราไวโอเล็ต (Gerald, 1973)

ผลอันน่าสนใจประการหนึ่งของแสงอัลตราไวโอเล็ตคือ การเกิด photoreactivation คือผลของการใช้แสงอัลตราไวโอเล็ตจะบรรเทาหลงหรือหมดไป เมื่อให้เซลล์ถูกกับแสง (visible light) และมีการค้นพบถึงความผิดปกติที่เกิดจากการชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ของแสงอัลตราไวโอเล็ต แสงอัลตราไวโอเล็ตที่มองเห็นด้วยตาเปล่าสามารถทำให้เซลล์ถูกเปลี่ยนแปลงไปจากสภาพเดิมได้ (Gerald, 1973) ปรากฏการณ์เช่นนี้ได้มีการพบในแบคทีเรียและไวรัส ทั้งนี้เกิดจากการที่มีเอนไซม์บางชนิดเข้าไปตัดให้ไทมีนในไทมีนไคเมอร์แยกจากกัน และทำให้ดีเอ็นเอกลับคืนสู่สภาพเดิม การซ่อมดีเอ็นเอ หรือการทำให้การกลายพันธุ์เปลี่ยนกลับ โดยขบวนการที่กล่าวมานี้จะเกิดได้ดีในแสงสีน้ำเงิน

จากการศึกษาการพบว่าใน *Escherichia coli* นั้นอาจมีการจัดโดเมอร์โดยวิธี dark reactivation ซึ่งหมายถึงว่าปรากฏการณ์นี้จะเกิดขึ้นโดยไม่ต้องแสง (visible light) ซึ่งการจัดแบบนี้พบว่าเกิดจากการที่มีเอนไซม์บางอย่างตัดโดเมอร์จากดีเอ็นเอทิ้ง จากนั้นจะมีนิวคลีโอไทด์ใหม่เข้าไปแทนที่ในส่วนนั้น

การแสดงออกของยีนที่เกิดความล่าช้า เนื่องมาจากปัจจัยต่างๆ หลายปัจจัยมีดังต่อไปนี้

1. การเกิดการกลายพันธุ์ของยีนนั้น ยังไม่สามารถเกิดได้ทันทีภายหลังจากที่ได้รับแสงอัลตราไวโอเล็ต

2. ยีนที่จะกลายพันธุ์ต้องใช้เวลามากกว่าปกติเพื่อให้เกิด metabolic activity ก่อนที่จะเกิดการกลายพันธุ์ต่อไป

3. การแบ่งตัวของเซลล์ที่ถูกทำให้กลายพันธุ์จะเกิดขึ้นช้ากว่าปกติ

2.6.4.2. สิ่งก่อการกลายพันธุ์ทางเคมี (chemical mutagen)

ระหว่างสงครามโลกครั้งที่ 2 นักวิทยาศาสตร์ได้พยายามค้นคว้าเพื่อหาว่าสารเคมีชนิดใดที่ก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ในพืชหรือสัตว์ทดลอง จนทราบว่าสารเคมีจำนวนมากที่เป็นสารก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ เช่น กรดไนโตรัส (nitrous acid) ก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ใน *Aspergillus* spp. มีรายงานว่าสารไนโตรเจน มัสตาร์ด และซัลเฟอร์มัสตาร์ด สามารถกระตุ้นให้เกิดการกลายพันธุ์ในแมลงหวี่ได้ ทั้งนี้สารฟอร์มัลดีไฮด์ (formaldehyde) ไดเอธิลซัลเฟต (diethylsulfate) ไดอะโซมีเทน (diazomethane) และสารประกอบอื่นๆ ก็เป็นสารที่ก่อให้เกิดการกลายพันธุ์และมีผลรุนแรงต่อผิวหนังของสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนมและมีสารบางชนิดที่ก่อให้เกิดมะเร็ง

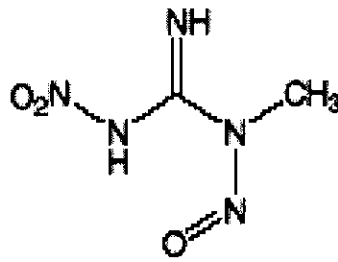
อย่างไรก็ตามสารเคมีบางชนิดอาจมีผลต่อสิ่งมีชีวิตชนิดหนึ่งแต่จะไม่ส่งผลกระทบต่อสิ่งมีชีวิตอีกชนิดหนึ่ง สารเคมีบางชนิดอาจจะมีผลในช่วงที่มีการเจริญเติบโตของสิ่งมีชีวิตหรือมีผลเฉพาะในเพศใดเพศหนึ่งเท่านั้น เช่น สารฟอร์มัลดีไฮด์จะก่อเกิดการกลายพันธุ์ในแมลงหวี่ตัวผู้ระยะที่เป็นตัวหนอน แต่จะไม่มีผลต่อตัวเมียในระยะที่เป็นตัวหนอน นอกจากนี้สารเคมีแต่ละชนิดยังก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ในยีนแต่ละตำแหน่งด้วยความถี่ที่แตกต่างกัน

อีกทั้งสารแมงกานีสคลอไรด์ (manganese chloride) สามารถชักนำให้แบคทีเรียที่ต้องการสารอาร์จินีน (arginine-requiring mutant) เปลี่ยนแปลงเป็นแบคทีเรียสายพันธุ์ดั้งเดิมได้ด้วยความถี่ 1.72×10^{-8} และชักนำให้แบคทีเรียที่ต้องการฟีนิลอะลานีน (phenylalanine-requiring mutant) เปลี่ยนแปลง เป็นแบคทีเรียสายพันธุ์ดั้งเดิมได้ ด้วยความถี่ 11×10^{-8}

สารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) (รูปที่ 2.11) เป็นสารเคมีชนิดหนึ่งที่ใช้ในการก่อการกลายพันธุ์ โดยเกี่ยวข้องการชักนำสายรหัสพันธุกรรมจาก G:C ไปเป็น A:T ซึ่งเป็นการเปลี่ยนแปลงที่คู่สายดีเอ็นเอ ซึ่งเบสกวานีนจะจำเพาะเจาะจงใน *cl gene* ใน lambda prophage ซึ่งเป็นสารที่ก่อให้เกิดเซลล์มะเร็งในมนุษย์ ซึ่งคุณสมบัติของ NTG จะมีลักษณะเป็นผงผลึกสีเหลืองจางหรือสีชมพูซึ่งจะเกิดการเปลี่ยนแปลงสีเป็นสีเขียวหรือสีส้มเมื่อสัมผัสถูกกับแสง โดย NTG จะละลายได้เล็กน้อยในน้ำและจะละลายได้ดีในสารละลายจำพวก polar organic solvent

โดย NTG มักมีปฏิกิริยาตอบสนองกับ nucleophile โดยเฉพาะกับเอมีน ที่ช่วงพีเอชที่เป็นกรด NTG จะค่อยๆ ปลดปล่อย nitrous gas ถ้าหาก NTG ผสมกับ alkali hydroxide จะก่อให้เกิดก๊าซพิษที่มีความรุนแรงสูง และเมื่อสาร NTG ถูกความร้อน มันจะกระจายก๊าซพิษของ nitrogen oxides และหากมีแรงกระแทกสูง (impact) อาจเกิดการระเบิดได้ ในขั้นตอนการใช้จะถูกใช้ในปริมาณน้อยในกรณีใช้ในงานวิจัย ในอดีต NTG ถูกใช้ในการเตรียม diazomethane (Mitchell และคณะ, 1989)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 2.12 ลักษณะโครงสร้างของ N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG)

ที่มา : <http://www.chemsources.com>

Milagres และคณะ (1993) พบว่าการปรับปรุงสายพันธุ์โดยการทำให้เกิดการกลายของเชื้อ *T.teesei* ทำให้เชื้อสามารถผลิตเอนไซม์เซลลูเลสสูงขึ้น

Haltrich และคณะ (2003) พบว่าเมื่อทำการทดลองเลี้ยงเชื้อ *Candida minitans* สายพันธุ์ 2134 ที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์บีต้ากลูคาเนส มาผ่านการกลายพันธุ์โดยการฉายรังสีอัลตราไวโอเล็ต โดยการฉายแสงอัลตราไวโอเล็ตแก่สปอร์ของเชื้อ (Pycnidiospores) บนอาหารแข็ง แยกสปอร์ที่งอกออกมาแล้วนำไปผ่านแสงความยาวคลื่น (254 นาโนเมตร) โดยใช้หลอดยูวีฉายผ่านวางเป็นระยะห่าง 30 เซนติเมตร เป็นเวลา 1, 2.5 หรือ 5 นาที และที่ 0 นาที แล้ววางไว้ในที่มืด ที่อุณหภูมิ 20 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 48 ชั่วโมง เพื่อเป็นการป้องกันปฏิกิริยาโฟโตรีแอคทีเวชัน ต่อจากนั้นให้รับแสงสว่างเป็นเวลาอีก 5 วัน และการฉายแสงอัลตราไวโอเล็ตแก่ pycnidiospores ที่อยู่ในสถานะแขวนลอยโดยใช้สารแขวนลอยสัมผัสกับแสงอัลตราไวโอเล็ตที่ระยะห่าง 10 เซนติเมตร เป็นเวลา 1, 3 และ 5 นาที ตามลำดับ จากนั้นวางในที่มืด ที่อุณหภูมิ 20 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 48 ชั่วโมง เพื่อป้องกันการเกิดปฏิกิริยาโฟโตรีแอคทีเวชัน จากนั้นปล่อยให้ถูกแสงสว่างอีกเป็นเวลา 14 วัน พบว่าเชื้อ *Candida minitans* สายพันธุ์ 2134 ที่ผ่านการกลายพันธุ์แล้วมีค่ากิจกรรมของเอนไซม์บีต้ากลูคาเนส (1.88 ยูนิต/มิลลิลิตร) สูงกว่าเชื้อ *Candida minitans* สายพันธุ์ดั้งเดิม (0.33 ยูนิต/มิลลิลิตร) อย่างมีนัยสำคัญ

Bakalova และคณะ (2002) พบว่าการชักนำกลายพันธุ์เชื้อ *Thermomyces lanuginosus* โดยใช้สปอร์ 1×10^6 สปอร์/มิลลิลิตร ในน้ำเกลือ และทริตร่วมระหว่าง 2-methyl-3-nitro-N-nitrosoguanidine (40 ไมโครกรัม/มิลลิลิตร ในซิริกแอซิคบัฟเฟอร์ 0.05 โมลาร์ ที่พีเอช 4 เป็นเวลา 120 นาที) และมาทำการผ่านแสงอัลตราไวโอเล็ตเป็นเวลา 30 วินาที จากนั้นสปอร์ที่ผ่านการทริตแล้วจำนวน 1×10^6 สปอร์/มิลลิลิตร (0.01%) เจือจางในอัตราส่วนที่เหมาะสมลงในอาหารแข็ง ที่มีไซแลน (ร้อยละ 0.5 น้ำหนัก/ปริมาตร) ทำการเลือกโคโลนีที่มีวงใสลงในอาหารเหลวเพื่อผลิตเอนไซม์ พบว่าเชื้อที่ผ่านการกลายพันธุ์จะให้ค่าพลังงานจลน์ (kinetic values) ($K_m = 5.1$ มิลลิกรัม/มิลลิลิตร และ $V_{max} = 385$ ไมโครโมล/นาติ) และมีค่าอุณหภูมิที่เหมาะสมแก่การทำงานของ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาต
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอนไซม์ (อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส) สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม ($K_m = 3.7$ มิลลิกรัม/มิลลิลิตร และ $V_{max} = 670$ ไมโครโมล/นาที อุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส)

Singh และคณะ (1994) พบว่า การชักนำการกลายพันธุ์เชื้อ *Fusarium oxysporum* เพื่อเพิ่มผลผลิตของเอนไซม์ไซลานเนส โดยใช้สปอร์ 10^5 - 10^6 สปอร์/มิลลิลิตร ในน้ำเกลือที่มีความเข้มข้นร้อยละ 0.85 และทวิน 80 ร้อยละ 0.01 โดยนำไปผ่านแสงอัลตราไวโอเล็ต (6 วัตต์) คัดเลือกเชื้อที่ร้อยละความอยู่รอดร้อยละ 5 ในอาหารแข็งที่มีไซแลนร้อยละ 1 และร้อยละ 0.1 Sodium tauroglucocholate (เป็นตัวยับยั้งการเจริญของโคโลนี) บ่มที่ 30 องศาเซลเซียสเมื่อเชื้อมีการเจริญนำไปบ่มที่ 50 องศาเซลเซียสข้ามคืนเพื่อพัฒนาการกลายพันธุ์ หรือนำมาชักนำโดยการใช้สารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัม/มิลลิลิตร เป็นเวลา 30-60 นาที จากนั้นนำสปอร์ที่ผ่านการทรีตแล้วมาล้างด้วยน้ำเกลือ เลี้ยงบนอาหารแข็งขั้นต้น ทำการคัดเลือกโคโลนีที่ให่วงใส (960 ตารางมิลลิเมตร) และมีความเข้มข้นสุดท้ายของ nitrosoguanidine ประมาณร้อยละ 0.01 พบว่า เชื้อที่ผ่านการก่อกลายพันธุ์แล้วมีค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสและบีต้า-ไซโลซิเดสเพิ่มขึ้น

Rubinder และคณะ (2002) พบว่าการชักนำการกลายพันธุ์เชื้อ *Thermomyces langinosus* เพื่อเพิ่มผลผลิตของเอนไซม์อะไมเลส โดยการใช้สปอร์ 1×10^7 สปอร์/มิลลิลิตร นำไปผ่านแสงอัลตราไวโอเล็ต (30 วัตต์) เป็นเวลา 45 นาที เป็นระยะห่าง 20 เซนติเมตร แล้วนำไปเลี้ยงในอาหาร starch complete medium ที่มีความเข้มข้นของ Sodium deoxycholate ร้อยละ 0.1 (เป็นตัวยับยั้งการเจริญของโคโลนี) จากนั้นบ่มในที่มืด ที่ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน จากนั้นเททับด้วยสารละลายไอโอดีนความเข้มข้นร้อยละ 0.3 KI และร้อยละ 0.15 I_2 จากนั้นทำการคัดเลือกเชื้อที่ให่วงใส หรือนำมาชักนำโดยการใช้สารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 350 ไมโครกรัม/มิลลิลิตร (เตรียมใน Tris-maleate buffer ที่ pH 7) จากนั้นนำสปอร์ที่ผ่านการทรีตแล้วมาล้างด้วย โซเดียมฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ pH 5.5 แล้วนำไปเลี้ยงในอาหาร starch complete medium จากนั้นทำการคัดเลือกเชื้อที่ให่วงใส พบว่าสายพันธุ์กลายของ *Thermomyces langinosus* มีค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงขึ้นถึงร้อยละ 97

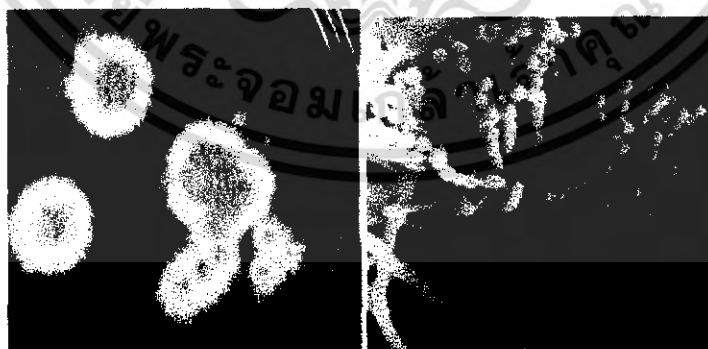
Steiner และคณะ (1998) พบว่าการชักนำการกลายพันธุ์เชื้อ *Penicillium purpurogenum* เพื่อเพิ่มผลผลิตของเอนไซม์ไซลานเนสและบีต้า-ไซโลซิเดส โดยการใช้สปอร์ 2×10^7 สปอร์/มิลลิลิตร ใน อะซิเตรทบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ที่ pH 5.5 นำไปผ่านแสงอัลตราไวโอเล็ต เป็นเวลา 75 วินาที เป็นระยะห่าง 18 เซนติเมตร (มีร้อยละการอยู่รอดร้อยละ 1) แล้วนำไปเลี้ยงในอาหาร PDA ที่มี Triton X-100 ร้อยละ 0.1 (เป็นตัวยับยั้งการเจริญของโคโลนี) บ่มที่ 28 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน จากนั้นนำมาชักนำโดยการใช้สารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 400 มิลลิกรัม/มิลลิลิตรโดยการใช้สปอร์ของเชื้อขั้นต้น 2×10^7 สปอร์/มิลลิลิตร เป็นเวลา 2 ชั่วโมง (มีอัตราการอยู่รอดร้อยละ 5) จากนั้นนำไปเลี้ยงในอาหาร PDA ที่มี

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ทางการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Triton X-100 ร้อยละ 0.1 บ่มที่ 28 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน คัดเลือกโดยการย้ายลงอาหารที่มี Mandel's solution จากนั้นนำไปเชื่อมสี congo red ความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาที และล้างออกด้วย NaCl ความเข้มข้น 1 โมลาร์เป็นเวลา 10 นาที วัดขนาดวงไฮรอปขนาดโคโคไนซ์ของเชื้อและหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงไฮรอปโคโคไนซ์/ขนาดของโคโคไนซ์ของเชื้อ โดยเชื้อที่ผ่านการชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์จะหลังเอนไซม์ไซทานเนสมากที่สุดที่ 125 หน่วย/มิลลิลิตร และปริมาณเอนไซม์บีต้า-ไซโลซิเดสเพิ่มขึ้นกว่าสายพันธุ์เดิม 2.2 เท่า

2.7 การผลิตเอนไซม์ไซทานเนสของจุลินทรีย์ชนิดต่าง ๆ

เอนไซม์ไซทานเนสพบได้ในสิ่งมีชีวิตหลายชนิด เช่น แบคทีเรีย รา ยีสต์ แอคติโนมัยซีท โปรโตซัว พืช แมลงและสัตว์ทะเลบางชนิด เอนไซม์ในกลุ่มนี้ที่นิยมศึกษามากมาจากจุลินทรีย์ เนื่องจากเจริญได้รวดเร็ว เพาะเลี้ยงได้ง่าย ตัวอย่างจุลินทรีย์ที่ผลิตเอนไซม์ไซทานเนส (ตารางที่ 2.3) เช่น *Aspergillus ochraceus* (Diswas และคณะ, 1990) (รูปที่ 2.12), *Aspergillus oryzae* (รูปที่ 2.13) (Bailey และคณะ, 1991), *Trichoderma viride* (Ujic และคณะ, 1991) (รูปที่ 2.14) จากการศึกษาพบว่าจุลินทรีย์ส่วนใหญ่จะผลิตเอนไซม์ไซทานเนสออกมานอกเซลล์ (extracellular enzyme) (Gascoigne, 1960; Strobel, 1963; Paice และคณะ, 1978) มีบางชนิดที่ผลิตเอนไซม์ไซทานเนสอยู่ในเซลล์ (intracellular enzyme) เช่น *Aspergillus niger* (Iwamoto และคณะ, 1973) (รูปที่ 2.15), *Aspergillus foetidus* (Whister และ Masak, 1995) และ *Butyrivibrio fibrisovens* (Clarke และคณะ, 1969) เป็นต้น และการผลิตเอนไซม์ไซทานเนสของจุลินทรีย์ ส่วนใหญ่จุลินทรีย์จะเริ่มผลิตในระยะที่มีการเจริญคงที่ (Stationary growth phase) เช่น *Pseudomonas stutzeri* (Toh, 1978), *Aspergillus niger* (John และคณะ, 1979)

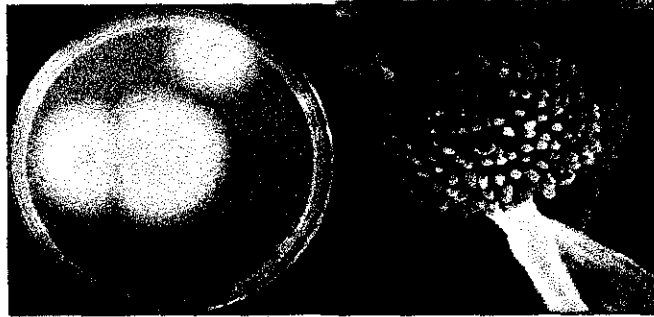


รูปที่ 2.12 ลักษณะโคโคไนซ์และสปอร์ของเชื้อ *Aspergillus ochraceus* ซึ่งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซทานเนส

ที่มา : <http://www.visualsunlimited.com/images/watermarked/357/3572.jpg>

<http://www.cabi-commodities.org/Cocoa/Photos/CocPPPOTA.jpg>

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 2.13 ลักษณะโคโคเนียและสปอร์ของเชื้อ *Aspergillus oryzae* ซึ่งมีความสามารถในการผลิต เอนไซม์ไซทานเนส

ที่มา : http://park.itc.u-tokyo.ac.jp/Lab_Microbiology/P1010005.gif

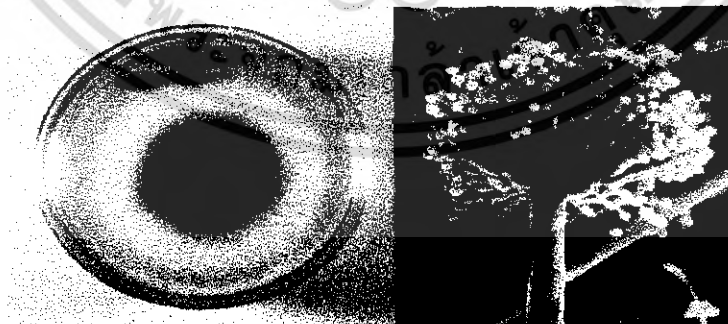
http://www.u-tokyo.ac.jp/stu03/guidance/H17_html/html/img/13nougaku/im00001.jpg



รูปที่ 2.14 ลักษณะโคโคเนียและสปอร์ของเชื้อ *Trichoderma viride* ซึ่งมีความสามารถในการผลิต เอนไซม์ไซทานเนส

ที่มา : <http://www.uio.no/conferences/imc7/NFotm2000/Images/Tharzcult.jpg>

http://www.mycolog.com/Trichoderma_harzianum.jpg



รูปที่ 2.15 ลักษณะโคโคเนียและสปอร์ของเชื้อ *Aspergillus niger* ซึ่งมีความสามารถในการผลิต เอนไซม์ไซทานเนส

ที่มา : http://www.pfdb.net/photo/kanoko_u/CHROMagar/wide/A.niger%20TIMM2930.jpg

<http://www.eurobloodsubstitutes.com/images/niger.jpg>

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 2.3 คุณสมบัติบางประการของเอนไซม์ไซเตรนเนสที่ได้จากจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ

จุลินทรีย์	น้ำหนัก โมลกุล (กิโล ดาลตัน)	pI	pH ที่เหมาะสม	ผลิตภัณฑ์หลักที่ได้จากการ ย่อยโดยเอนไซม์ ^c	ข้อสังเกต	เอกสารอ้างอิง
Fungi <i>Aspergillus niger</i>	50	n.d.	5.6-6.0	X_2, X_3, A, X_3	พบอะราบีโนส, คีโกลิรามอน, ไซมไซตรูเลต	John และคณะ (1979)
	50	n.d.	4.0-4.5	X_2, X_3, A, X_3	พบคีโกลิรามอน, ไซมไซตรูเลตในปริมาณมาก	John และคณะ (1979)
	31	n.d.	4.0-4.5	X_2, X_3, A, X_4	พบน้ำตาลอะราบีโนส	John และคณะ
	31	n.d.	4.0	X_2, X_3, X_3	พบน้ำตาลอะราบีโนสปริมาณน้อย	John และคณะ (1979)
	30	n.d.	6.0-6.5	X_1, X_3, A	พบน้ำตาลอะราบีโนส	John และคณะ (1979)
<i>A. niger</i>	14	9.0	5.5	X_3, X_5	ค่ากิจกรรมต่ำเมื่อใช้ไซเตรนที่ไม่ละลายน้ำ	Frederick และคณะ (1985)
	13	8.6	6.0	X_3, X_5	ค่ากิจกรรมต่ำเมื่อใช้ไซเตรนที่ไม่ละลายน้ำ	Frederick และคณะ (1985)
	21	6.7	4.0-6.0	X_2, X_1	ค่ากิจกรรมต่ำเมื่อใช้ไซเตรนที่ไม่ละลายน้ำ	Frederick และคณะ (1985)
	14	4.5	4.9	X_3, X_6	ค่ากิจกรรมต่ำเมื่อใช้ไซเตรนที่ไม่ละลายน้ำ	Shei และคณะ (1985)
	28	3.65	5.0	X_3, X_5	สามารถย่อยไซเตรนที่ไม่ละลายน้ำได้	Fournier และคณะ (1985)
	27	4.2	4.0	X_2, X_3, X_1	ย่อยไซเตรนและละลายน้ำไม่พบเอนไซม์ไซตรูเลต	Gorbacheva and Rodionova (1977 a, b)
<i>A. niger</i>	16	4.0	n.d.	X_3, X_5	พบคีโกลิรามอน, ไซมทรานสเฟอร์เรส	Vrsanska และคณะ (1982)
<i>A. ochraceus</i>	48	n.d.	6.0-7.0	X_3, X_2	พบน้ำตาลอะราบีโนส	Biswas และคณะ (1990)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 2.3 (ต่อ) คุณสมบัติบางประการของเอนไซม์ไซทานเนสที่ได้จากจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ

จุลินทรีย์	น้ำหนักโมเลกุล (กิโลดาลตัน)	pI	pH ที่เหมาะสม	ผลิตภัณฑ์หลักที่ได้จากการย่อยโดยเอนไซม์ ^c	ข้อสังเกต	เอกสารอ้างอิง
<i>A. fumigatus</i>	21	9.5	6.5	X ₂ , X ₃	สามารถย่อยไซแตนที่ไม่ละลายน้ำได้	Bailey และคณะ (1991) and unpublished data
<i>A. oryzae</i>	29	5.7	5.5	X ₂ , X ₃ , X ₁	สามารถย่อยไซแตนที่ไม่ละลายน้ำได้	Bailey และคณะ (1991) and unpublished data
<i>Trichoderma viride</i>	35	6.9	5.0	(X ₂ , X ₃ , X ₁)	สามารถย่อยไซแตนที่ไม่ละลายน้ำได้	Bailey และคณะ (1991)
	18 ^b	9.2	4.8	X ₂ , X, A, G, X ₂	พบน้ำตาลอะราบีโนส	Sinner and Dietrichs (1975, 1976)
	20	8.5	4.5-5.0	X ₂ , X ₃	สามารถย่อยคาร์บอกซิมเทิลเซลลูโลสได้	Gibson and McCleary (1987)
	13 ^b	8.6	5.0	X - X ₃	-	Labavitch and Greve (1983)
	22	9.3	5.0	X, X ₂	-	Ujic และคณะ (1991)
	22	9.2	n.d.	n.d.	-	Dean and Anderson (1991)
<i>T. reesei</i>	22	>9	4.0-5.0	X ₂ , X	พบค่ากิจกรรมเอนไซม์ทรานสเฟอเรส	Lappalainen (1986)
	20	9.0	5.0-5.5	X ₂ - X ₆	-	Tenkanen และคณะ (1992)
	19	5.5	4.0-4.5	X ₂ - X ₆	-	Tenkanen และคณะ (1992)
	29	9.5	5.0	X - X ₄	-	Tan และคณะ (1985 a, b)
<i>T. harzianum</i>	20	9.4	5.0	X - X ₄	พบค่ากิจกรรมเอนไซม์ทรานสเฟอเรส	Tan และคณะ (1985 a, b)
	22	8.5	4.5-5.0	X - X ₄	-	Wong และคณะ (1986 a)
	18	7.3	4.9-5.5	X ₂ , X ₃ , A, X ₄	-	Wood and McCrae (1986)
<i>T. koningii</i>	29	7.2	4.9-5.8	X ₂ - X ₁ , X, A	พบน้ำตาลอะราบีโนส	Wood and McCrae (1986)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 2.3 (ต่อ) คุณสมบัติบางประการของเอนไซม์ไซลลเนสที่ได้จากจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ

จุลินทรีย์	มวลโมเลกุล (กิโลดาลตัน)	pI	pH ที่เหมาะสม	ผลิตภัณฑ์หลักที่ได้ออกการ ย่อยโดยเอนไซม์ ^c	ชื่อสังเกต	ชื่อสังเกต
<i>T. pseudokoningii</i>	15	9.6	5.0	X ₂ - X ₃	-	Baker และคณะ (1977)
<i>T. lignorum</i>	20	8.7	6.5	X ₂ , AX ₄ (X, X ₃ , A X ₃)	พบคำกิจกรรมเอนไซม์ทรานสเฟอเรส	John and Schmidt (1988)
	21	5.1	3.5	X ₂ , AX ₁ (X, X ₃ , A X ₃)	-	John and Schmidt (1988)
<i>T. longibrachiatum</i>	22	9.5	5.0	X ₂ - X ₃	พบคำกิจกรรมเอนไซม์ทรานสเฟอเรส	Royer (1988)
	33	9.3	5.0	X ₁ , X ₂	-	Royer (1988)

^a SDS-PAGE ; ^b gel chromatography ; ^c X, xylose ; A, arabinose ; G, methylglucuronic acid ; n.d., not determined.CMC = carboxymethyl cellulose

ที่มา : Tsujibo และคณะ 1997

2.7.1 ลักษณะโดยทั่วไปของเชื้อรา

เชื้อราที่แท้จริงจัดอยู่ในอยู่ 4 ไฟลัม คือ Chytridiomycota , Zygomycota , Ascomycota และ Basidiomycota (Kirk และคณะ, 2001) เชื้อราเป็นจุลินทรีย์ชนิดเฮเทอโรโทรฟิก (heterotrophic) ซึ่งแต่ก่อนพิจารณาว่าเป็นพืชชั้นต่ำ ไม่มีคลอโรพลาสต์ แต่อย่างไรก็ตามเมื่อมีความชัดเจนทางด้านโมเลกุล จึงได้มีข้อเสนอแนะสนับสนุนว่าเชื้อรามีความสัมพันธ์ที่ใกล้ชิดเคียงกับสัตว์มากกว่ากลุ่มของสิ่งมีชีวิตพวกยูคาริโอต (eukaryotes) ชนิดอื่น โดยในความเป็นจริงแล้วเชื้อรามีลักษณะพิเศษอยู่ในตัวเองและมีอยู่เพียงกลุ่มเดียวในโลกจึงกำหนดให้มีอาณาจักรของตัวเองซึ่งมีการจัดจำแนกไว้มากกว่า 70,000 สปีชีส์ และในแต่ละปีมีการค้นพบอีกประมาณ 1,700 สปีชีส์ (Hawksworth, 1991) ดังนั้นเชื้อราจัดว่าเป็นสิ่งมีชีวิตที่มีมากที่สุดเป็นอันดับที่สองรองจากกลุ่มของพวกแมลง

เชื้อราเป็นจุลินทรีย์ที่มีนิวเคลียสแบบยูคาริโอต ไม่มีคลอโรพลาสต์ สร้างสปอร์ได้ มีการสืบพันธุ์ทั้งแบบมีเพศและไม่มีเพศ โครงสร้างเป็นแบบเซลล์เดี่ยวหรือหลายเซลล์ โดยเซลล์เรียงตัวอยู่ในแนวเดียวกันเป็นเส้นใยที่เจริญขยายตามแนวยาวได้อย่างไม่มีขอบเขตจำกัด ผนังเซลล์ประกอบด้วยสารพวกไคตินหรือเซลลูโลส (บัญญัติ, 2534) เชื้อราที่มีเซลล์เดี่ยวเรียกว่ายีสต์ ส่วนพวกที่มีหลายเซลล์จะประกอบด้วยเซลล์เรียงตัวในแนวเดียวกันเป็นเส้นใยเรียกว่า ไฮฟา (hypha) (รูปที่ 2.16) เส้นใยจะมีการเพิ่มจำนวนและรวมกลุ่มกันจนมีขนาดใหญ่และมองเห็นได้ด้วยตาเปล่า เรียกว่า ไมซีเลียม (mycelium) เชื้อราส่วนมากมีเส้นใยแบบมีผนังกัน เรียกว่า septate hypha ทำให้มีลักษณะเป็นห้องๆ ซึ่งผนังกันนั้นเรียกว่า septa โดยแต่ละเซลล์จะเชื่อมต่อกันด้วยรูตรงกลางของผนังกัน ในแต่ละเซลล์อาจมีหนึ่งนิวเคลียส (uninucleate) หรือหลายนิวเคลียส (multinucleate) ส่วนชนิดของเชื้อราที่เส้นใยไม่มีผนังกัน เรียกว่า coenocytic hypha ทำให้เส้นใยมีลักษณะเป็นท่อทะลุถึงกัน โดยตลอด เป็นเซลล์ที่ยาวมีหลายนิวเคลียส เชื้อรามีการเจริญอย่างรวดเร็วที่บริเวณปลายสุดของเส้นใย การแบ่งนิวเคลียสของเชื้อราไม่เหมือนกับจุลินทรีย์ชั้นสูงกว่า เนื่องจากไม่มี centrioles โดยจะไม่แยกออกจากกันระหว่างระยะไมโทซิส (mitosis) (คือ ไมโทซิสแบบปิด โดยมีลักษณะของการเกิดไมโทซิน้อยมาก) ซึ่งโดยทั่วไปวงจรชีวิตของเชื้อราจะเกี่ยวข้องกับการสืบพันธุ์ทั้งแบบอาศัยเพศและไม่อาศัยเพศโดยในระยะดิพลอยด์ (diploid) จะมีการสร้างไซโกต (zygote) หลังจากนั้นจะตามด้วยการแบ่งนิวเคลียสในระยะไมโอซิส (meiosis) และเกิดการสร้างสปอร์ (รูปที่ 2.17) สภาพแวดล้อมในการเจริญของเชื้อราโดยทั่วไปที่สำคัญ ๆ (บัญญัติ, 2534) ได้แก่

1. อาหาร

อาหารที่จำเป็นในการเจริญเป็นได้ทั้งสารอินทรีย์และสารอนินทรีย์ โดยทั่วไปเชื้อราจะใช้กลูโคสเป็นแหล่งคาร์บอนและพลังงาน ใช้สารประกอบไนโตรเจนอินทรีย์ใช้เป็นแหล่งไนโตรเจน การเจริญของเชื้อราในอาหารต่าง ๆ นั้นมีการสร้างเอนไซม์ออกมาสองชนิด คือเอนไซม์ที่อยู่ภายในเซลล์และเอนไซม์ที่ปลดปล่อยออกมานอกเซลล์ ซึ่งเอนไซม์ที่ปลดปล่อยออกมานอกเซลล์จะปลดปล่อยออกมาจากเซลล์เพื่อย่อยสลายอาหารที่มีโมเลกุลซับซ้อนให้เป็นสารโมเลกุลเชิงเดี่ยว เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

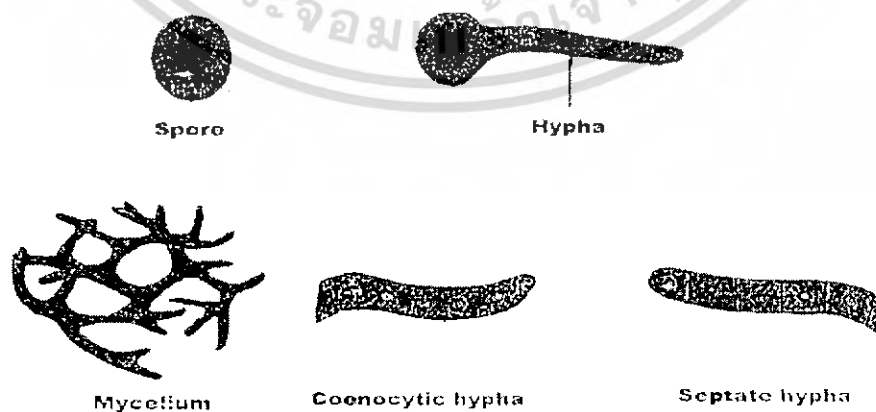
เพื่อให้ดูดซึมไปใช้ได้ ส่วนเอนไซม์ที่อยู่ภายในเซลล์จะย่อยสลายสารอาหารที่ดูดซึมเข้าไปและปลดปล่อยพลังงานออกมาใช้ในกิจกรรมต่าง ๆ ของเซลล์

2. อุณหภูมิ

เชื้อรามีช่วงอุณหภูมิในการเจริญได้แคบกว่าแบคทีเรีย ส่วนมากเจริญที่อุณหภูมิ 0 - 35 องศาเซลเซียส แต่อุณหภูมิที่เหมาะสมจะอยู่ระหว่าง 20 - 30 องศาเซลเซียส และในบางชนิดเป็นพวกเชื้อราชอบอุณหภูมิสูง มีอุณหภูมิสูงสุดเจริญได้ที่ 50 องศาเซลเซียส และในบางครั้งอาจถึง 60 องศาเซลเซียส ส่วนอุณหภูมิต่ำเจริญได้คือ 20 องศาเซลเซียส อย่างไรก็ตามสปอร์ของเชื้อราบางชนิดทนต่ออุณหภูมิต่ำมากๆ ได้ดี เช่น สปอร์ที่อยู่ในไนโตรเจนเหลวจะทนอุณหภูมิต่ำได้ถึง -196 องศาเซลเซียส

3. พีเอช

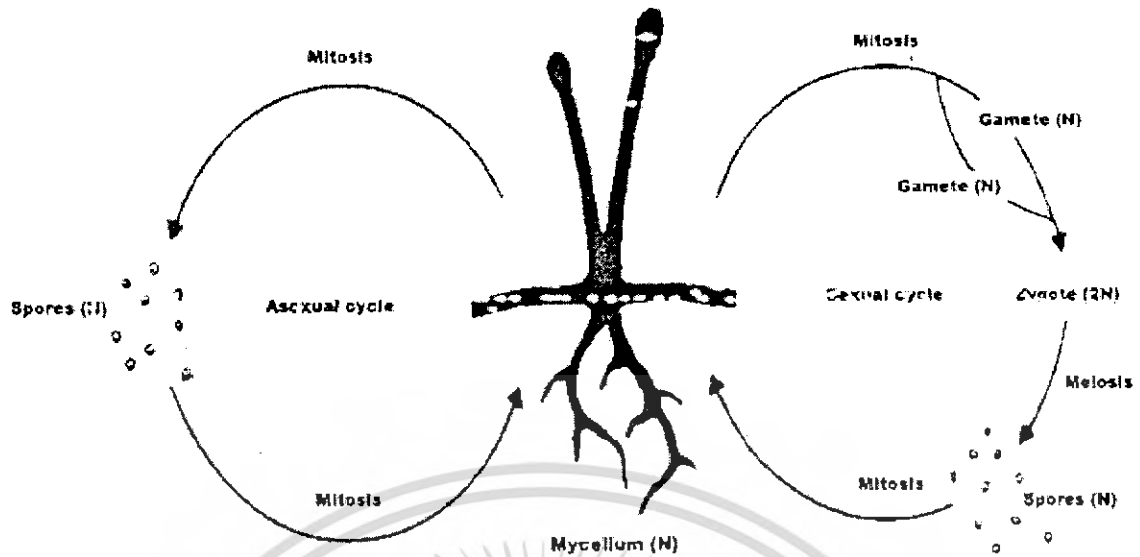
เชื้อราเจริญได้ในช่วงพีเอช 2 - 10 แต่พีเอชที่เหมาะสมอยู่ระหว่าง 4 - 6 ซึ่งเป็นกรด ดังนั้นสภาวะที่เป็นกรดจึงทำให้เชื้อราเจริญได้ดีกว่าแบคทีเรีย เชื้อราทั้งหมดเป็นพวกเฮเทอโรโทรฟิกมีการดำรงชีวิตโดยใช้สารประกอบอินทรีย์เป็นสารอาหาร ซึ่งมักอาศัยอยู่ในสิ่งแวดล้อมที่เป็นแหล่งของสารอาหาร สารประกอบคาร์บอนที่ผลิตโดยสิ่งมีชีวิตอื่น ๆ จะสามารถนำไปใช้ประโยชน์ได้โดยเชื้อรา ได้แก่ สารที่มีโครงสร้างโมเลกุลขนาดใหญ่ เช่น เซลลูโลส เฮมิเซลลูโลส แป้ง ลิกนิน ไคติน เคอราติน โปรตีน และไขมัน เป็นต้น และสารที่มีโครงสร้างโมเลกุลขนาดเล็ก เช่น น้ำตาล โมเลกุลเดี่ยวและคู่ กรดไขมัน และกรดอะมิโน เป็นต้น โดยเชื้อราจะขนส่งสารที่มีโมเลกุลขนาดเล็กผ่านข้ามเซลล์เมนเบรน ส่วนสารที่มีโมเลกุลขนาดใหญ่จะไม่สามารถผ่านไปได้ ในอีกทางหนึ่งเชื้อราจะหลั่งเอนไซม์มาย่อยสลายสารที่มีโครงสร้างโมเลกุลที่ซับซ้อนให้เปลี่ยนเป็นสารที่มีโมเลกุลเดี่ยว ต่อมาจะถูกดูดซึมและนำไปใช้เป็นแหล่งพลังงานของเซลล์และแหล่งคาร์บอน ซึ่งเอนไซม์ที่ปลดปล่อยออกมาออกเซลล์สามารถแพร่ออกจากเส้นใยของเชื้อราหรือยึดติดผนังเซลล์ของเชื้อรา (รูปที่ 2.18)



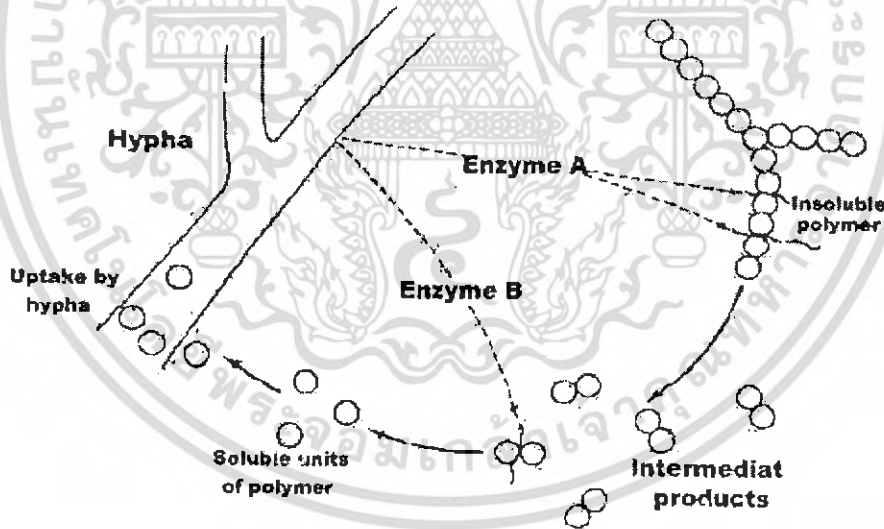
รูปที่ 2.16 โครงสร้างของเชื้อรา

ที่มา : Vodopich และ Moore (2002)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 2.17 วงจรชีวิตโดยทั่วไปของเชื้อรา
ที่มา : Vodopich และ Moore (2002)



รูปที่ 2.18 การย่อยสลายภายนอกเซลล์ของเชื้อรา เอนไซม์หลั่งออกมาเพื่อย่อยสารพอลิเมอร์ที่มีโครงสร้างขนาดใหญ่ได้เป็นสารตัวกลางเกิดขึ้น และต่อมาจะเกิดการย่อยสลายได้ผลเป็นหน่วยของมอนอเมอร์เพื่อให้เชื้อราดูดซึมต่อไป
ที่มา : Carlile และคณะ (2001)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.7.1.1 เชื้อ *Aspergillus* sp.

2.7.1.1.1 ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อ

เป็นเชื้อที่มีถิ่นที่อยู่กว้างขวางทั้งในเขตอบอุ่นและเขตร้อน ในอากาศทุกหนทุกแห่งมีโคโคนีเดียของเชื้อราชนิดนี้ปะปนอยู่ นอกจากนี้ยังพบมากในดิน เจริญได้ในอินทรีย์วัตถุแทบทุกชนิด ซึ่งก่อให้เกิดทั้งผลดีและผลเสียโดยเฉพาะในเขตร้อน เชื้อ *Aspergillus* ทำให้เครื่องหนัง เช่น กระเป๋า รองเท้า ตลอดจนเสื้อผ้าเสียหาย *Aspergillus fumigatus*, *Aspergillus flavus*, *Aspergillus niger* และสปีชีส์อื่น ทำให้เกิดโรค Aspergillosis ซึ่งมีอาการคล้ายวัณโรค บางชนิดทำให้หูอักเสบได้

เนื่องจากเชื้อนี้สร้างเอนไซม์ได้หลายชนิด จึงมีประโยชน์ในด้านอุตสาหกรรมผลิตภัณฑ์ต่างๆ อุตสาหกรรมเบียร์ และการผลิตยาปฏิชีวนะ ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อนี้ คือ ไมซีเลียของเชื้อนี้ประกอบด้วยเส้นใยที่แตกแขนงมากมาย เส้นใยมีผนังกันและไม่มีสีแต่ละเชกมันท์มีนิวเคลียสหลายอัน

2.7.2.1.2. ลักษณะการสืบพันธุ์

มีทั้งการสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศและอาศัยเพศ คือในราพวก *Aspergillus* จะมีส่วนของเส้นใยที่ทำหน้าที่สร้างโคนิดีโอฟอร์ เรียกว่า foot-cell โคนิดีโอฟอร์มีลักษณะยาว และตรงส่วนปลายจะโป่งออกเรียกว่า vesicle รอบ vesicle จะมีโครงสร้างที่ยื่นออกมา มีลักษณะคล้ายขด เรียกว่า สเตอริกมาตา (sterigmata) โดยจะมีหนึ่งชั้นหรือสองชั้นก็ได้ ขึ้นอยู่กับสปีชีส์ของเชื้อ เชื้อสร้างโคนิเดียในสเตอริกมาตา โดยโปรโตพลาสซึมที่ส่วนปลายสเตอริกมาตาจะมีผนังกันและจะเปลี่ยนแปลงรูปร่างจนมีลักษณะค่อนข้างกลม จากนั้นสร้างผนังล้อมรอบเจริญเป็นโคนิเดีย โคนิเดียที่ถูกสร้างที่หลังจะอยู่ลึกเข้าไปภายในสเตอริกมาตาและโคนิเดียอันแรกให้ไหล่พื้นสเตอริกมาตาออกมา และถูกคั่นกันต่อมาเรื่อยๆ โดยที่โคนิเดียแต่ละอันยังไม่หลุดขาดจากกัน ทำให้ได้เป็นสายโซ่ของโคนิเดีย ดังนั้นโคนิเดียที่มีอายุน้อยๆ จึงอยู่ติดกับส่วนของสเตอริกมาตา (รูปที่ 2.19)

โคนิเดียของ *Aspergillus* มีสีต่างๆ กัน เช่น สีดำ น้ำตาล เหลือง เขียว ฯลฯ สีของโคนิเดียขึ้นอยู่กับธาตุอาหารบางชนิดในอาหารเลี้ยงเชื้อเช่น *Aspergillus niger* จะสร้างโคนิเดียสีดำ ถ้าอาหารนั้นมีธาตุทองแดงอยู่ในน้อยกว่า 2.5×10^{-6} กรัม ถ้ามีทองแดงต่ำกว่านี้สีของโคนิเดียจะอ่อนลง และถ้าไม่มีธาตุทองแดงอยู่ในอาหารเลย สีของโคนิเดียที่เคยเป็นสีน้ำตาลเข้มหรือดำ จะเปลี่ยนเป็นสีเหลือง และการสืบพันธุ์แบบมีเพศ ยังศึกษาไม่พบการสืบพันธุ์แบบมีเพศในเชื้อ *Aspergillus* หลายสปีชีส์ และเชื่อกันว่าสปีชีส์เหล่านั้นสูญเสียความสามารถในการสืบพันธุ์แบบมีเพศไปแล้ว แม้แต่ในสปีชีส์ที่สร้างแอสคัสก็ยังไม่พบแนวโน้มนว่าการสืบพันธุ์แบบมีเพศกำลังจะเสื่อมไป การศึกษาพบว่ามีระยะ พลาสมิดแกมมาเกิดขึ้นจากการผสมของแกมมาแทนเจียมสองเพศไปจนถึงบางชนิดที่ไม่สร้างแอนเทอริเดียม และบางชนิดสร้างแอสคัสจากแอสโคโกเนียมเพียงอย่างเดียวโดยไม่ต้องมีแอนเทอริเดียม

Aspergillus fumigatus มีคุณสมบัติทนต่ออุณหภูมิสูงๆได้ และเจริญเติบโตได้ที่ อุณหภูมิสูงกว่า 55 องศาเซลเซียส และสามารถพบได้ทั่วไปในทุกๆที่ โดยเฉพาะในดินและใน การอินทรีย์ที่กำลังย่อยสลาย แคลทักคัส จุลินทรีย์สายพันธุ์นี้เป็นสิ่งสำคัญที่ก่อให้เกิดโรคในคน และเป็นสาเหตุหลักในโรคแอสเพอซิลโลซิส (aspergillosis) (Steven และคณะ, 2000)

A.



B.



รูปที่ 2.19 A : ลักษณะโคโลนีของเชื้อ *A. fumigatus* B : ลักษณะโครงร่างของ *A. fumigatus*
ที่มา : <http://www.sci.muni.cz/mikrob/MiniAtlas/asp-fu.htm>

2.7.3 การสังเคราะห์เอนไซม์ไลซานสของเชื้อรา

เอนไซม์ไลซานสมีคุณสมบัติเป็นเอนไซม์ชักนำ (inducible enzyme) ซึ่งจะจับออกมาในอาหารที่มีไขมันบริสุทธิ์หรือวัสดุเศษเหลือทิ้งที่อุดมสมบูรณ์ไปด้วยไขมัน (Balakrishnan และคณะ 1997) ซึ่งลักษณะโดยรวมของการควบคุมการสังเคราะห์เอนไซม์ที่ย่อยสลายสารจำพวกพอลิเมอร์ (polymeric substances) เป็นการสร้างเอนไซม์ในระดับต้นและจับออกมา โดยปลดปล่อยส่วนที่ละลายได้ของสารพอลิเมอร์ที่ออกมาเพียงเล็กน้อยแล้วทะลุผ่านเซลล์เมมเบรนออกมาตามความเข้าใจที่เกี่ยวกับจุลินทรีย์ พบว่าสารประกอบหรือโมเลกุลที่เกิดขึ้นเหล่านี้จะกระตุ้นให้มีการสร้างเอนไซม์ในปริมาณที่เพียงพอสำหรับการย่อยสลายจุลินทรีย์ และบ่อยครั้งจะพบว่าสารคะคาบอไลด์ที่ได้จากการย่อยสลายไขมัน มีผลช่วยกระตุ้นการสังเคราะห์เอนไซม์ไลซานสทั้งในเชื้อราและยีสต์ ตัวอย่างที่เด่นชัด เช่น ไซโตไบโอสจะมีความเป็นไปได้ว่าเป็นตัวชักนำการสร้างเอนไซม์ไลซานสที่มีประสิทธิภาพเมื่อเปรียบเทียบกับกลุ่มจุลินทรีย์ทั้งหมด เช่นเดียวกับไซโตโอติโกแซ็คคาไรด์ชนิดอื่น (Hrmova และคณะ, 1989 ; Royer และ Nakas, 1990) การย่อยสลายไซโตไบโอสจะได้ผลิตภัณฑ์เป็นไซโตสสามารถแสดงคุณสมบัติเป็นสารคะคาบอไลด์ที่ยับยั้งการสังเคราะห์เอนไซม์ไลซานส ในทางตรงกันข้ามไซโตสสามารถเป็นตัวชักนำที่ีของการสร้าง

เอนไซม์ไซลานเนสได้ด้วย (Pou-linase และ Drigues, 1987; Hrmova และคณะ, 1989; Ghosh และ Nanda, 1994; Pukarhtofer และ Steiner, 1995)

จุลินทรีย์ที่สามารถย่อยสลายไซแลนได้มักจะสามารสร้างเอนไซม์กลุ่มเซลลูโลโลติก (cellulolytic enzyme) และขับออกมาผสมกับเอนไซม์ไซลานเนส ดังนั้นปริมาณเอนไซม์ไซลานเนสที่ได้จากการสังเคราะห์โดยจุลินทรีย์ไม่เพียงแต่จะมีการแสดงออกเมื่อใช้ไซแลนเป็นสับสเตรทเพียงอย่างเดียว แต่ยังสามารถแสดงออกได้เมื่อมีเซลลูโลสอยู่ด้วย

ดังนั้นอาจกล่าวได้ว่าการชักนำการสร้างเอนไซม์ไซลานเนสมีลักษณะเช่นเดียวกันกับการชักนำการสร้างเอนไซม์ของเอนไซม์ชักนำชนิดอื่นๆ เช่น แมนแนนเนสและเซลลูเลส เป็นต้น ซึ่งอยู่ภายใต้การควบคุมของยีนควบคุม (regulator gene) อย่างไรก็ตามยังไม่เป็นที่เข้าใจอย่างสมบูรณ์สำหรับกลไกการควบคุมการสร้างเอนไซม์ไซลานเนสของจุลินทรีย์ ด้วยเหตุที่ว่าไซแลนไม่สามารถเข้าสู่เซลล์ของจุลินทรีย์ได้ การชักนำการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสจะมีการตอบสนองกับส่วนของไซแลนที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำ ซึ่งจะนำไปเป็นสับสเตรทสำหรับการผลิตเอนไซม์ในอาหารเลี้ยงเชื้อ โดยใช้อุณหภูมิที่ต่ำกว่าในปริมาณเพียงเล็กน้อยก็สามารถผลิตเอนไซม์ได้ (Bastawde, 1992; Kulkarni และคณะ, 1999) และยังพบว่าบนพื้นผิวหน้าของจุลินทรีย์หลายชนิดจะมีสารเชิงซ้อนที่เรียกว่า “ไซลานโซม” (xylanosome) ซึ่งเป็นสารเชิงซ้อนที่อยู่อย่างกระจัดกระจาย มีคุณสมบัติเป็น multienzyme complexes ที่มีหน้าที่หลายอย่าง (multifunctional) และสารเชิงซ้อนนี้มีบทบาทสำคัญในการย่อยสลายเฮมิเซลลูโลส (Sunna และ Antranikian, 1997)

Lenartovicz และคณะ (2003) พบว่าเอนไซม์ไซลานเนสส่วนมากจะหลั่งออกมาจากภายในเซลล์สู่อาหารเลี้ยงเชื้อ แต่เอนไซม์บีต้า-ไซโลซิเดส อาจจะเป็นเอนไซม์ที่หลั่งออกมาภายนอกเซลล์หรือเป็นเอนไซม์ที่ติดอยู่กับตัวเซลล์ (cell-bound) ขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อจุลินทรีย์และระบบของการเพาะเลี้ยง

Wong และคณะ (1992) พบว่าเมื่อทำการเลี้ยงเชื้อราภายใต้ห้องปฏิบัติการการทดลอง ในช่วงเวลาแรกของการเจริญ เอนไซม์บีต้า-ไซโลซิเดสยังคงติดอยู่กับไมซีเลีย โดยจะมีการหลั่งออกมาสู่อาหารเลี้ยงเชื้อภายหลัง เนื่องจากการขับออกมาของเซลล์หรือเซลล์มีการแตกตัว

Bansod และคณะ (1999) พบว่าเชื้อราส่วนใหญ่ เช่น *Aspergillus* sp. (Kunert และ Kopecek, 2000) ซึ่งจำมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสและเอนไซม์ที่มีความสำคัญต่ออุตสาหกรรมหลายๆ ชนิดรวมถึงเอนไซม์เซลลูเลสและเอนไซม์โปรติเอสด้วย ซึ่งจะมีผลลดค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนส

Siedenberg และคณะ (1998) ทำการเลี้ยงเชื้อ *Aspergillus awamoris* สภาวะเข่าที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส ที่ 150 รอบ/นาที เพื่อผลิตเอนไซม์ไซลานเนส พบว่าถ้าความเข้มข้นของสารละลายสปอร์สูงจะเกิดเชื้อที่มีลักษณะเป็นเส้นใยและเป็น pellet ขนาดเล็ก ในขณะที่ความเข้มข้นของสารละลายสปอร์ต่ำจะเกิด pellet ที่มีขนาดใหญ่ ซึ่งขนาดของ pellet มีผลต่อการใช้น้ำตาลของเชื้อ เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ทางการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

pellet ที่มีขนาดเล็กจะมีการใช้น้ำตาลได้ดีกว่า pellet ขนาดใหญ่ และให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ (0.55 ยูนิต/กรัมเซลล์) สูงกว่า pellet ขนาดใหญ่ (0.2 ยูนิต/กรัมเซลล์)

2.8 ปัจจัยที่มีผลต่อการผลิตไซลานโพลิดิกเอนไซม์

2.8.1 แหล่งคาร์บอน

คาร์บอนเป็นธาตุที่มีความสำคัญในการสังเคราะห์พลังงานและเซลล์โดยทั่วไปกระบวนการหมักเพื่อผลิตไซลานโพลิดิกเอนไซม์ โดยทั่วไปนิยมใช้สารคาร์โบไฮเดรตเป็นแหล่งคาร์บอน การเลือกใช้สับสเตรตที่เหมาะสมมีความสำคัญมากสำหรับความสำเร็จในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส สับสเตรตไม่เพียงแต่จะใช้เป็นแหล่งคาร์บอนและแหล่งพลังงาน แต่ยังใช้เป็นสารประกอบที่จำเป็นสำหรับการชักนำการสร้างเอนไซม์ไซลานเนสของจุลินทรีย์ ไซแลนซึ่งเป็นสารประกอบมวลโมเลกุลต่ำสามารถช่วยชักนำการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสได้ดี ไซแลนบริสุทธิ์สามารถใช้เป็นสับสเตรตที่ดีและบ่อยครั้งมีการนำไปใช้สำหรับการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสในระดับการทดลองขนาดเล็ก ความสำคัญของสับสเตรตไม่เพียงแต่ส่งผลต่อการเพิ่มผลผลิต (yields) ของเอนไซม์ไซลานเนสเท่านั้น แต่การเลือกใช้สับสเตรตนั้นยังมีความสามารถชักนำการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสได้ดีโดยไม่มีการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสรวมด้วยหรืออาจจะมีการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสในปริมาณที่น้อยมากจะส่งผลให้การผลิตเอนไซม์ไซลานเนสมีประสิทธิภาพเพิ่มขึ้น (Hrmova และคณะ, 1989)

สำหรับกระบวนการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสขนาดใหญ่ การใช้สับสเตรตที่มีราคาแพงจะไม่มี ความเหมาะสมต่อการผลิต เนื่องจากไม่คุ้มต้นทุน ยกเว้นแต่จะสามารถหาวัตถุดิบที่ใช้ทดแทน สารประกอบไซแลนหรือไซโลโอลิโกแซ็กคาไรด์เหล่านี้ได้ และต้องมีราคาเหมาะสมกับ กระบวนการผลิต จากการพิจารณาเหตุผลดังกล่าว พบว่าการใช้วัสดุเศษเหลือทางการเกษตรหรือ วัสดุเศษเหลือจากป่าไม้ (Bailey และ Viikari, 1993) หรือใช้ไซแลนที่แยกได้จากผลพลอยได้จาก กระบวนการผลิตของโรงงานอุตสาหกรรมบางประเภท เช่น ไซแลนที่แยกได้จากอุตสาหกรรม การผลิตเส้นใยสังเคราะห์เรยอน (Gamerith และคณะ, 1992) สับสเตรตที่มีราคาถูกโดยทั่วไปมักเป็น สารพวก ลิกโนเซลลูโลส เช่น เปลือกข้าวบาร์เลย์ ชังข้าวโพด หญ้าแห้ง รำ หรือฟางข้าวสาลี เป็นต้น มีงานวิจัยที่ผ่านมามากมายได้ทำการศึกษาจำแนกและประเมินค่าสารประกอบเหล่านี้ใน ด้านการนำไปใช้ประโยชน์สำหรับการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส และพบว่าสับสเตรตเหล่านี้บางชนิด มีคุณสมบัติที่ดีว่าการใช้ไซแลนหรือเซลลูโลสบริสุทธิ์ ในการผลิตเอนไซม์ ไซลานเนสอย่างมีนัยสำคัญ ฉะนั้นจึงเป็นอีกทางเลือกหนึ่งที่ดีสำหรับการนำไปใช้ประโยชน์ใน กระบวนการผลิตขนาดใหญ่ มีการใช้วัสดุพวกเฮมิเซลลูโลส หรือพวกลิกโนเซลลูโลส ซึ่งเป็น สับสเตรตที่ไม่ละลายน้ำ เช่น รำข้าวสาลี ชังข้าวโพด และชานอ้อย เป็นต้น ในการชักนำการ สร้างเอนไซม์ ไซลานเนส โดยเขือรา (Kuhad และคณะ, 1997; Beg และคณะ, 2000) นอกจากนี้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาดูเท่านั้น เมื่อผู้ยูทิตเห็นใบเขียวประเขินดานการคำ
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ยังมีข้อเสนอแนะว่าการใช้สารพวกลิกโนเซลลูโลส ซึ่งไม่เพียงแต่ประกอบด้วย เฮมิเซลลูโลส อย่างเดียว แต่ยังมีสารชนิดอื่น ๆ เป็นองค์ประกอบอยู่ด้วย เช่น ลิกนิน เพกติน และเซลลูโลส เป็นต้น เมื่อนำสารเหล่านี้มาใช้ในการผลิตเอนไซม์โดยเชื้อราจะได้ปริมาณเอนไซม์ไซลานเนสในระดับต่ำ เนื่องจากไม่สามารถนำสารเหล่านี้ไปใช้ในกระบวนการเอนไซม์ได้อย่างสมบูรณ์ แต่พบว่าหากมีการแปรสภาพ (pretreatment) สารลิกโนเซลลูโลสจะช่วยเพิ่มความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อราได้ วิธีการแปรสภาพวัตถุดิบเหล่านี้มีหลายวิธีด้วยกัน เช่น การแปรสภาพ ลักษณะทางฟิสิกส์ของลิกนินมีผลทำให้ลิกนินละลายน้ำได้ การเพิ่มความสามารถในการใช้ประโยชน์ของสารเหล่านี้ โดยทำให้อนุภาคของสารลิกโนเซลลูโลสเล็กลง ซึ่งเป็นการเพิ่มพื้นที่ผิวหน้า และขนาดของรูพรุน การลดปริมาณเซลลูโลสที่อยู่ในรูปผลึก (decrystallization) หรือ การลดความเป็นพอลิเมอร์ของเฮมิเซลลูโลส (depolymerization) เป็นต้น ดังนั้นการแปรสภาพ วัตถุดิบจึงให้ผลที่ดีต่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส

Purkarthofer และ Steiner (1995) รายงานว่าจลนพลศาสตร์ของการปลดปล่อยเอนไซม์ไซลานเนสของจุลินทรีย์จะขึ้นอยู่กับความเข้มข้นของสับسترที่ใช้เป็นตัวชักนำ การสร้างเอนไซม์ไซลานเนสหากมีการใช้ประโยชน์จากตัวชักนำที่ระดับความเข้มข้นต่ำๆ ให้หมดลงอย่างช้าๆ โดยตลอดระยะเวลาของการหมัก ซึ่งเป็นการทำให้ระยะเวลาของการหมักยาวนานขึ้น จะช่วยส่งผลให้จุลินทรีย์สามารถผลิตเอนไซม์ไซลานเนสได้สูงขึ้น

Christov และคณะ (1999) ได้ศึกษาแหล่งคาร์บอนแตกต่างกันคือ รำข้าวสาลี แขนฝักข้าวโพด oat spelt xylan และของเหลวจากโรงงานฟอกสี พบว่า oat spelt xylan และแกนฝักข้าวโพดเมื่อทำการเพาะเลี้ยงเชื้อ *Aspergillus oryzae* NRRL 1808 และ *Gliocladium viride* CBS 658.70 มีความสามารถในการชักนำให้ผลิตไซลานเนสได้สูง ในขณะที่ของเหลวจากโรงงานฟอกสีก็เป็นตัวชักนำในการผลิตไซลานเนสที่ปราศจากเซลลูโลสได้ดี ซึ่งของเหลวจากโรงงานฟอกสีเป็นแหล่งที่มีคาร์บอนมากมายและราคาถูก ดังนั้นจึงเป็นจุดที่น่าสนใจในขณะนี้ในการเป็นสารตั้งต้นให้เชื้อจุลินทรีย์ผลิตเอนไซม์ไซลานเนส

Milagres และคณะ (1993) ศึกษาแหล่งของคาร์บอนที่มีผลต่อการผลิตไซลานเนสพบว่าการใช้ไซแลนเป็นสารตั้งต้นมีผลชักนำให้มีกิจกรรมของไซลานโนไลติกสูง และมีกิจกรรมของเซลลูโลไลติกต่ำ

วิเชียร กิจปรีชาวนิช และคณะ (2535) ได้ศึกษาพบว่าแหล่งคาร์บอนที่เหมาะสมต่อการสร้างเอนไซม์ของเชื้อ *Aspergillus fumigatus Fresenius* รหัส 4-45-1F คือ ฟางข้าว โดยเปรียบเทียบกับแหล่งคาร์บอนอื่นๆ คือ ชานอ้อย ช้างข้าวโพด และรำข้าวสาลี

Chahar (1985) ได้ทำการเพาะเลี้ยงเชื้อ *Trichoderma reesii* QMY 1 ในอาหารเหลวที่มีความเข้มข้นของฟางข้าวแตกต่างกันคือ ร้อยละ 1 (ความเข้มข้นของเซลลูโลสร้อยละ 0.1) และ ร้อยละ 5 (ความเข้มข้นของเซลลูโลสร้อยละ 2) พบว่าเซลลูโลสมีกิจกรรมสูงสุดในฟางข้าวสาลีที่มีเอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ความเข้มข้นร้อยละ 1 เท่ากับ 1.65 หน่วยต่อมิลลิเมตร ได้ผลผลิตของเซลลูเลส เท่ากับ 412 หน่วยต่อกรัมเซลลูโลส ในขณะที่ความเข้มข้นของฟางข้าวสาลีที่ความเข้มข้นร้อยละ 5 จะมีเวลาในการผลิตเอนไซม์เพิ่มขึ้นจาก 7 วัน เป็น 11 วัน และกิจกรรมของเซลลูเลสเพิ่มขึ้นเป็น 6 หน่วยต่อมิลลิเมตร แต่ผลผลิตของเซลลูเลสลดลงเป็น 100 หน่วยต่อกรัมเซลลูเลส

Gome และคณะ (1993) ได้ศึกษาชนิดของแหล่งคาร์บอนที่มีผลต่อความสามารถในการคงตัวที่อุณหภูมิสูงของ *Trichoderma lanuginosus* พบว่าความสามารถในการคงตัวที่อุณหภูมิสูงของ *Trichoderma lanuginosus* จะขึ้นอยู่กับชนิดของสารลิกโนเซลลูโลสที่ใช้เป็นสับสเตรท และเมื่อใช้ซังข้าวโพดและใบข้าวโพดเป็นสับสเตรทเชื้อราจะมีความสามารถคงตัวที่อุณหภูมิสูงได้ดีที่สุด

2.8.2 แหล่งไนโตรเจน

เซลล์จุลินทรีย์มีไนโตรเจนเป็นส่วนประกอบประมาณร้อยละ 8 - 10 ของน้ำหนักแห้ง ความต้องการไนโตรเจนของจุลินทรีย์แต่ละชนิดจะแตกต่างกันไป โดยบางชนิดสามารถเจริญได้ในอาหารที่มีแหล่งไนโตรเจนอนินทรีย์ แต่บางชนิดจะต้องการสารไนโตรเจนอินทรีย์ ซึ่งโดยทั่วไปแล้วจุลินทรีย์จะเจริญในอาหารที่มีสารไนโตรเจนอินทรีย์เป็นองค์ประกอบได้เร็วกว่าในอาหารที่มีสารไนโตรเจนอนินทรีย์เป็นองค์ประกอบ ดังนั้นการเลือกใช้แหล่งไนโตรเจนจึงขึ้นอยู่กับว่าจุลินทรีย์สามารถใช้สารประกอบไนโตรเจนชนิดใดได้ดี โดยต้องพิจารณาควบคู่ไปกับราคาของแหล่งไนโตรเจน และประสิทธิภาพในการสร้างผลผลิตด้วย โดยจะแนะนำให้ไนโตรเจนไปใช้สำหรับเป็นส่วนประกอบของกรดอะมิโนเพื่อสังเคราะห์เซลล์ (สมใจ, 2537)

Saxena และคณะ (1994) พบว่าในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสจาก *Cyathus stercoreus* ในอาหารพื้นฐาน (basal medium) โดยเติมไซลานความเข้มข้นร้อยละ 1 แหล่งไนโตรเจนที่ใช้คือ ยูเรีย กรดกลูตามิก เคซีน ไฮโดรไลเสต เคซีน เปปโตน แอมโมเนียไนเตรต และแอมโมเนียมซัลเฟต แต่ละชนิดใช้ในโตรเจน ความเข้มข้นร้อยละ 0.02 ดังนั้นแหล่งไนโตรเจนที่ได้จากสารอินทรีย์จะมีผลต่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสมากกว่าไนโตรเจนที่ได้จากสารอนินทรีย์

Haapala และคณะ (1996) พบว่าในการศึกษาแหล่งไนโตรเจนที่มีผลต่อการผลิตเอนไซม์เอนโดกลูโคเนสและไซลานเนสจากเชื้อ *Trichoderma reesii* โดยไม่มีการควบคุมพีเอชเริ่มต้น พบว่ายูเรียมีผลทำให้พีเอชเพิ่มขึ้นสูงสุดคือ 6.7 (ในอาหารที่มียูเรีย 1.5 กรัมต่อลิตร ร่วมกับโปรติโอสเปปโตน 3 กรัมต่อลิตร และยีสต์สกัด 1.0 กรัมต่อลิตร) และในอาหารที่มียูเรียเป็นแหล่งไนโตรเจนเพียงอย่างเดียวในปริมาณ 1.5 กรัมต่อลิตร พีเอชจะเป็น 6.5 ภายใน 10 วันเนื่องจากการกำจัดแอมโมเนียไปเป็นยูเรีย ในอาหารที่ใช้โปรติโอสเปปโตน 3 กรัมต่อลิตร และยีสต์สกัด 1.0 กรัมต่อลิตร พีเอชสุดท้ายจะเป็น 6.0 ในอาหารที่ใช้โปรติโอสเปปโตน 3 กรัมต่อลิตร เป็นแหล่งไนโตรเจนเพียงอย่างเดียว พีเอชสุดท้ายจะเป็น 5.9 ในอาหารที่ใช้ยีสต์สกัดเป็นแหล่งไนโตรเจนเพียงอย่างเดียวในปริมาณ 1.0 กรัมต่อลิตรพีเอชจะเป็น 5.7 แต่ถ้าไม่มียูเรียพีเอชจะลดลงเป็น 4.7

นอกจากนี้พีเอชก็มีผลต่อการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสและไซลานเนส ที่พีเอช 4.0 จะผลิตเอนไซม์เป็นเอนไซม์ที่สวางไวสำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอนโดกลูโคเนสได้สูงสุด และพีเอช 6.0 ถึง 7.0 ผลิตเอนไซม์ไซลานเนสได้สูง เมื่อใช้เซลลูโลสและไซเลนเป็นสับสเตรท

2.8.3 พีเอช

โดยพีเอชมีผลต่อการเจริญของจุลินทรีย์และการทำงานของเอนไซม์ พีเอชที่เหมาะสมต่อการเจริญของจุลินทรีย์แต่ละชนิดจะแตกต่างกันไป การหมักในระยะแรกจะหมักที่ค่าพีเอชของการเลี้ยงเชื้อเหมาะต่อการเจริญของเชื้อ แต่ระหว่างการหมักค่าพีเอชเปลี่ยนแปลง อาจเกิดการย่อยสลายโปรตีนและสารประกอบไนโตรเจน ทำให้มีการปลดปล่อยแอมโมเนีย หรือสารประกอบที่เป็นค่างอื่นๆออกมา หรือมีการย่อยสารประกอบคาร์โบไฮเดรตเกิดกรดอินทรีย์ขึ้น เป็นผลให้พีเอชไม่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตเอนไซม์ของจุลินทรีย์ จึงต้องมีการเติมสารที่มีคุณสมบัติเป็นบัฟเฟอร์ลงในอาหาร ทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงพีเอชอย่างช้าๆ บัฟเฟอร์จะไปรวมตัวกับกรดหรือค่างป้องกันไม่ให้ปล่อย H^+ หรือ OH^- ออกมา โดยพีเอชเริ่มต้นที่เหมาะสมของสิ่งแวดล้อมมีความสำคัญต่อการเจริญและการสร้างผลผลิตของจุลินทรีย์ ซึ่งจุลินทรีย์ที่ชอบค่างสามารถเจริญได้ดีในสภาวะพีเอชสูงๆ ดังนั้นพีเอชเริ่มต้นที่เหมาะสมในการเจริญจึงขึ้นอยู่กับชนิดของจุลินทรีย์ที่แตกต่างกันไป

Gessesse และ Momo (1999) ได้ทำการศึกษาพีเอชที่เหมาะสมต่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส โดยศึกษาความเข้มข้นของ Na_2CO_3 ที่ใช้เป็นบัฟเฟอร์ในการปรับพีเอชของอาหารเลี้ยงพบว่า Na_2CO_3 ที่ความเข้มข้นร้อยละ 2.5, 5.0 และ 10.0 พบว่า Na_2CO_3 ที่ความเข้มข้นร้อยละ 10 มีกิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสสูงสุด

Gomes และคณะ (1994) พบว่า จุลินทรีย์พวกรามักจะเจริญได้ดีที่ค่าความเป็นกรดค่างเริ่มต้นของอาหารเลี้ยงเชื้อต่ำ เช่น *Aspergillus AANTG 19* และ *Thermoascus aurantiacus* เจริญได้ในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีความเป็นกรดค่างเท่ากับ 4

Roger และ Nakas (1986) พบว่า การผลิตเอนไซม์ไซลานเนสจากเชื้อ *Trichoderma longibrachiatum* ที่พีเอชเริ่มต้นของอาหารเป็น 4.5 ถึง 6.5 เมื่อเชื้อเจริญจะทำให้พีเอชเพิ่มขึ้นอีก 0.5 ถึง 1.2 พบว่าพีเอชที่เหมาะสมต่อการผลิตเอนไซม์ ไซลานเนสและเอนไซม์เซลลูเลสคือพีเอช 6.5 ถึง 7.7 และพีเอชที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์ คือ พีเอช 4.8 ถึง 5.8

2.8.2 อุณหภูมิ

ระดับอุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการเจริญและการสร้างเอนไซม์ของจุลินทรีย์แต่ละชนิดแตกต่างกัน ในระหว่างการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์จะมีความร้อนเกิดขึ้นจนถึงระดับหนึ่งซึ่งจุลินทรีย์ไม่สามารถดำเนินกิจกรรมต่อไปได้ ดังนั้นในกระบวนการหมักต่างๆจึงต้องควบคุมอุณหภูมิให้เหมาะสม อุณหภูมิที่ใช้ในการสร้างไซลานเนสส่วนใหญ่อยู่ในช่วง 30-35 องศาเซลเซียส แต่ก็มีจุลินทรีย์บางกลุ่ม เช่น แอคติโนมัยซิส หรือแบคทีเรีย ที่สามารถเจริญในที่อุณหภูมิสูงและสามารถสร้างเอนไซม์ไซลานเนสได้ จะอยู่ในช่วงอุณหภูมิ 40-60 องศาเซลเซียส

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Rapp และ Wangner (1986) พบว่าอุณหภูมิที่ใช้ในการเลี้ยงจุลินทรีย์เพื่อสร้างไซลानเนสส่วนใหญ่จะอยู่ในช่วง 30 -35 องศาเซลเซียส เช่น *Cellulomonas uda* สามารถเจริญและผลิตไซลानเนสได้ดีที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส

Ratto และคณะ (1994) พบว่า รา แอคติโนมัยซิลหรือแบคทีเรีย ที่สามารถเจริญในอุณหภูมิสูง และสามารถสร้างไซลानเนสได้ จะอยู่ในช่วงอุณหภูมิ 40 – 60 องศาเซลเซียส เช่น *Dictyoglomus* sp. B1 และ *Rhodothermus marinus* สามารถเจริญและผลิตไซลानเนสได้ดีที่อุณหภูมิ 68 และ 65 องศาเซลเซียส ตามลำดับ

Lenartovicz และคณะ (2003) พบว่าเมื่อทำการเลี้ยง *Aspergillus fumigatus* ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส ซึ่งเป็นอุณหภูมิที่เหมาะสมกับการเจริญเติบโตของเชื้อรา โดยเชื้อราจะผลิตเอนไซม์ไซลานเนสสามชนิดที่เป็น isoenzyme ที่เป็น homogeneously และเอนไซม์ไซลานเนสชนิดติดอยู่กับตัวเซลล์ ในขณะที่อุณหภูมิ 42 องศาเซลเซียส ซึ่งเป็นอุณหภูมิสูงที่สุดที่เชื้อราจะสามารถเจริญได้ จะมีการผลิต isoenzyme ที่มีมวลโมเลกุลต่ำที่ทำหน้าที่เพียงร้อยละ 10 ของกิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสทั้งหมด แต่เอนไซม์ไซลานเนสจะถูกหลั่งออกมาภายนอกเซลล์ลงสู่อาหารเลี้ยงเชื้อภายหลังจากการเลี้ยงเป็นเวลา 48 ชั่วโมงและให้ค่ากิจกรรมที่สูงกว่าเอนไซม์ที่เจริญที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส

Castro และคณะ (1997) ได้ทำการเลี้ยงเชื้อสายพันธุ์ *Aspergillus* sp. ที่อุณหภูมิสูงเพื่อผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่อุณหภูมิสูงที่ 37 และ 45 องศาเซลเซียส พบว่าการชักนำเชื้อจะมีการหลั่งเอนไซม์ออกภายนอกลดลง แต่มีการเพิ่มของไซลานเนสโมเลกุลต่ำบางชนิด อาจจะเป็นไปได้ว่าต้องการสารสำหรับการเจริญเติบโตบางชนิด ที่ 45 องศาเซลเซียส ที่ 96 ชั่วโมง เชื้อจะมีการผลิตเอนไซม์ที่มีค่ากิจกรรมสูงสุด และมีการผลิตปริมาณโปรตีนจำนวนมาก อาจเป็นเพราะต้องการ growth factor บางอย่างเพื่อการเติบโต

2.9. ปัจจัยที่มีผลต่อการทำงานของเอนไซม์ไซลานเนส

โดยทั่วไปเอนไซม์ไซลานเนสที่ได้จากจุลินทรีย์มีอุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการทำงานประมาณ 50 องศาเซลเซียส สำหรับพีเอชที่เหมาะสมของเอนไซม์ไซลานเนสจากแบคทีเรียและแอคติโนมัยซิล มีพีเอชที่เหมาะสมค่อนข้างเป็นกลาง แต่ของเชื้อราค่อนข้างจะเป็นกรด ส่วนความคงตัวของพีเอชและความคงตัวของความร้อนของเอนไซม์จะแตกต่างกันตามชนิดของจุลินทรีย์

2.9.1 ผลของอุณหภูมิต่อเอนไซม์

อุณหภูมิที่เหมาะสมในการทำงานของเอนไซม์ไซลานเนสค่อนข้างแปรผันความเหมาะสมขึ้นอยู่กับแหล่งที่มาของเอนไซม์ พบว่าจุลินทรีย์ส่วนมากจะสร้างไซลานเนสที่ทำงานได้ดีในช่วงอุณหภูมิ 50-60 องศาเซลเซียส และอุณหภูมิที่ใช้ในการเลี้ยงเชื้อจุลินทรีย์เพื่อสร้างเอนไซม์ไซลานเนสส่วน

ใหญ่จะอยู่ใน ช่วง 30-35 องศาเซลเซียส แต่ก็ยังมีจุลินทรีย์บางกลุ่ม เช่น รา แอคติโนมัยซิสหรือแบคทีเรีย ที่สามารถเจริญในอุณหภูมิสูง และสามารถสร้างเอนไซม์ไซลาลเนสได้ จะอยู่ในช่วงอุณหภูมิ 40–60 องศาเซลเซียส โดยเอนไซม์แต่ละชนิดเกิดปฏิกิริยาสูงสุดที่อุณหภูมิที่เหมาะสม ถ้าอุณหภูมิต่ำเกินไปการทำงานของเอนไซม์จะช้าหรือหยุดชะงัก ถ้าอุณหภูมิสูงเกินไปเอนไซม์จะถูกทำลาย ทำให้ความสามารถในการคงตัวของเอนไซม์ลดลง ส่วนมากจะพิจารณาจากค่าครึ่งชีวิต ($half-life; T_{1/2}$) ของกิจกรรมเอนไซม์ และความสามารถในการคงตัวของอุณหภูมิสูงของเอนไซม์จะขึ้นอยู่กับความเข้มข้นของโปรตีนในส่วนใส (supernatant) จากการเลี้ยงเชื้อ เอนไซม์ไซลาลเนสจากเชื้อราที่ชอบอุณหภูมิสูง (thermophilic fungi) ตามปกติจะมีความสามารถในการคงตัวของอุณหภูมิสูงมากกว่าเอนไซม์ไซลาลเนสที่ได้จากเชื้อราที่ชอบอุณหภูมิต่ำ (mesophilic fungi) แต่น้อยกว่าแบคทีเรียชอบอุณหภูมิสูง (thermophilic bacteria) ส่วนเอนไซม์ไซลาลเนสที่ผลิตจากแบคทีเรียเหล่านี้จะมีระดับต่ำกว่าการผลิตเอนไซม์ไซลาลเนสจากเชื้อราที่ชอบอุณหภูมิสูง (Lisching และคณะ, 1993)

Kang และคณะ (1996) พบว่าเอนไซม์ไซลาลเนสจากเชื้อรา *Cephalosporium* sp. สายพันธุ์ RYM-202 มีกิจกรรมของเอนไซม์สูงสุดที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส มีความคงตัวของอุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เมื่อต้มที่พีเอช 8.0 นาน 2 ชั่วโมง

Gomes และคณะ (1992) รายงานถึงระดับความเหมาะสมของอุณหภูมิต่อการผลิต FPase, xylanase และ beta-glucosidase สูงสุดที่อุณหภูมิ 32, 34 และ 31 องศาเซลเซียส ตามลำดับ

Trigo และ Ball (1994) จากการศึกษาพบว่ากิจกรรมของเอนไซม์เพอร์ออกซิเดสจากเชื้อรา *Thermomonospora Fusca* BD25 จะสูงสุดที่อุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส และจะลดลงเมื่ออุณหภูมิเป็น 70 องศาเซลเซียส เอนไซม์จะคงตัวของอุณหภูมิ 60 และ 70 องศาเซลเซียส โดยมีครึ่งชีวิตเท่ากับ 70 และ 40 นาที ตามลำดับแต่เอนไซม์ไซลาลเนสและเอนโคกลูโคเนสจะมีอุณหภูมิที่เหมาะสมสูงกว่าเอนไซม์เพอร์ออกซิเดสคือ 70 องศาเซลเซียส เอนไซม์ไซลาลเนสจะคงตัวของอุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส นานกว่า 30 นาที และเอนไซม์เอนโคกลูโคเนสคงตัวของอุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส นาน 24 ชั่วโมง

Cesar และ Mrsa (1996) พบว่าเชื้อ *Thermomyces lanuginosus* DSM5826 ผลิตเอนไซม์ไซลาลเนสที่ทำงานได้ดีที่อุณหภูมิ 60 ถึง 70 องศาเซลเซียส โดยเอนไซม์จะคงตัวของอุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง แต่ถ้าเติมกลีเซอรอล (glycerol) บีต้า-เมอแคปโตเอทานอล (β -mercaptoethanol) หรือพอลิเอทิลีนไกลคอล (polyethyleneglycol) จะสามารถเก็บได้ถึง 96 ชั่วโมง ที่อุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส ที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เอนไซม์จะสูญเสียกิจกรรมถึงร้อยละ 70 และเมื่ออุณหภูมิสูงถึง 70 องศาเซลเซียส เอนไซม์จะถูกทำลายมากกว่าร้อยละ 90 ภายในเวลา 40 นาที

Sing และคณะ (2000) รายงานว่าเอนไซม์ไซลานเนสของ *Thermomyces lanuginosus* SSBP มีความสามารถคงตัวสูงที่สุด ซึ่งมีค่าครึ่งชีวิต ($T_{1/2}$) เท่ากับ 337 นาที ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส และสามารถรักษาค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไว้ได้สมบูรณ์ที่สุดที่อุณหภูมิสูงถึง 65 องศาเซลเซียส และมีค่ากิจกรรมของเอนไซม์ประมาณร้อยละ 45 หลังจากระยะเวลา 30 นาที ที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส อีกทั้งยังสามารถรักษาค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสได้นานที่สุดเป็นระยะเวลา 14 วัน ที่อุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส

2.9.2 ผลของความเป็นกรดต่างต่อเอนไซม์

เอนไซม์ไซลานเนสจากจุลินทรีย์ส่วนใหญ่มีค่าความเป็นกรดต่างที่เหมาะสมต่อการทำงานเป็นกลางถึงด่าง โดยเอนไซม์แต่ละชนิดจะทำงานได้ดีที่สุดที่พีเอชที่เหมาะสม ซึ่งจะแตกต่างกันไปตามสิ่งมีชีวิตแต่ละชนิด ถ้าพีเอชเปลี่ยนแปลงไปจากค่าที่เหมาะสมจะทำให้กิจกรรมและความคงตัวของเอนไซม์ลดลง โดยเอนไซม์ไซลานเนสจากเชื้อราขอบอุณหภูมิสูงส่วนใหญ่มีความสามารถในการคงตัวได้ดีในพีเอชช่วงแคบประมาณ 5.5 - 9.5 แต่จะสามารถคงตัวได้ดีในพีเอชช่วงกว้างขึ้นเมื่ออยู่ในอุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส (Sing และคณะ, 2000)

Kang และคณะ (1996) ได้ศึกษาผลของพีเอชต่อการเกิดกิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสจากเชื้อรา *Cephalosporium* sp. สายพันธุ์ RYM-202 พบว่าเอนไซม์มีกิจกรรมสูงสุดที่พีเอช 7.5-8.0 และมีความคงตัวที่พีเอชในช่วง 5.5-12.0

Cesar และ Mrsa (1996) พบว่าเอนไซม์ไซลานเนสที่ผลิตได้จากเชื้อ *Thermomyces lanuginosus* DSM 5826 จะทำงานได้ดีที่สุดที่พีเอช 4.5 ถึง 6.5 โดยพีเอชที่เหมาะสมคือ 5.0 ถึง 7.0 เอนไซม์จะคงตัวที่พีเอช 5.0 ถึง 9.0 ซึ่งเอนไซม์จะสูญเสียกิจกรรมน้อยกว่าร้อยละ 15 เมื่อเก็บไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 3 วัน ที่พีเอช 12.0 จะสูญเสียกิจกรรมร้อยละ 30 และที่พีเอชต่ำจะสูญเสียกิจกรรมเช่นกันคือที่พีเอช 4.0 เอนไซม์จะสูญเสียกิจกรรมร้อยละ 30 ภายใน 3 วัน และพีเอช 3.0 เอนไซม์จะสูญเสียกิจกรรมจนหมดภายในเวลา 40 นาที ที่อุณหภูมิห้อง

2.9.3 ผลของไอออนของโลหะและสารประกอบบางชนิดต่อเอนไซม์

ไอออนของโลหะและสารประกอบบางชนิดมีผลต่อการทำงานของเอนไซม์บางชนิดอาจไปส่งเสริมกิจกรรมของเอนไซม์ในรูปของโคแฟกเตอร์ (cofactor) ซึ่งช่วยให้เอนไซม์สามารถจับกับสับสเตรทได้ดีขึ้น หรือช่วยให้เอนไซม์อยู่ในรูปที่เหมาะสมแก่การเร่งปฏิกิริยา แต่ไอออนของโลหะบางชนิดจะมีผลไปยับยั้งกิจกรรมของเอนไซม์ โดยทำให้เอนไซม์จับกับสับสเตรทได้น้อยลงหรือช้าลงหรืออาจไปมีผลยับยั้งการเปลี่ยนแปลงของสารประกอบเชิงซ้อนเอนไซม์-สับสเตรท (enzyme-substrate complex) ไปเป็นผลผลิตซึ่งมีความสามารถส่งเสริมหรือยับยั้งกิจกรรมเอนไซม์ โดยขึ้นอยู่กับชนิดของเอนไซม์ด้วย (Chaplin และ Bucke, 1992)

Antony และคณะ (2003) พบว่าเมื่อเติมเกลือแร่ที่ความเข้มข้น 5 มิลลิโมลาร์จะถูกผสมกับส่วนใสของอาหารเลี้ยงเชื้อของเชื้อ *Aspergillus fumigatus* AR1 ที่มีไซโลสอยู่ที่ pH 9.0 ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

องศาเซลเซียส เป็นเวลา 60 นาที และทำการวัดค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนส พบว่า $HgCl_2$ จะทำให้มีประสิทธิภาพการยับยั้งสูงสุด คือ ร้อยละ 31.5 ของกิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนส โดยตัวยับยั้งเอนไซม์ไซลานเนส ส่วนมาก คือ Hg^{2+} ส่วน $FeSO_4$ และ $CaCl_2$ จะยับยั้งกิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนส ที่ร้อยละ 26.3 และ 16 ตามลำดับ ส่วน $NiCl_2$, $MgCl_2$, KCl และ $NaCl$ ไม่มีผลอย่างมีนัยสำคัญต่อค่ากิจกรรม ของเอนไซม์ ขณะที่ $CuSO_4$, $MnSO_4$ และ $AgNO_3$ จะกระตุ้นกิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส ขึ้นที่ร้อยละ 33 ส่วนสารที่มีส่วนประกอบเป็นโลหะ คือ EDTA จะเป็นตัวกระตุ้นค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนส เพียงเล็กน้อย (ร้อยละ 7.84) ซึ่งอาจจะเนื่องมาจากการเคลื่อนย้ายของไอออนของโลหะหนักในสารละลายเอนไซม์

Antony และคณะ (2003) พบว่าเมื่อทำการเลี้ยงเชื้อ เชื้อ *Aspergillus fumigatus* ARI สามารถผลิตเอนไซม์ไซลานเนสได้ปริมาณสูง (228 ยูนิต/มิลลิลิตร) ที่ชั่วโมงที่ 42 ในอาหารเหลว ที่พีเอช 9.0 โดยในช่วงระยะเวลาหลังของการผลิต พบว่า ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสลดลงเป็น 90 ยูนิต/มิลลิลิตร ที่ชั่วโมงที่ 90 เนื่องจากการผลิตเอนไซม์โปรติเอสที่มีค่ากิจกรรมสูง (120-59 ยูนิต/มิลลิลิตร) ร่วมด้วยระหว่างการหมัก แต่ $CuSO_4$ ที่ 25 มิลลิโมลาร์ จะช่วยในการทำให้ไม่มีการผลิตเอนไซม์โปรติเอสอย่างสิ้นเชิง โดยไม่มีผลกระทบต่อค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส

2.10. การนำเอนไซม์ไซลานเนสไปใช้ประโยชน์ในระดับอุตสาหกรรม

2.10.1 การใช้เอนไซม์ไซลานเนสในการฟอกเยื่อกระดาษเพื่อกำจัดลิกนิน และลดการใช้สารเคมี (Biopulping)

การผลิตกระดาษมีหลายวิธี การที่จะเลือกใช้วิธีใดนั้นขึ้นอยู่กับว่าเยื่อกระดาษที่จะนำไปทำกระดาษชนิดใด นอกจากนี้ยังขึ้นอยู่กับชนิดไม้ที่นำมาใช้เป็นวัตถุดิบ กรรมวิธีที่ใช้ในการผลิตเยื่อกระดาษ แบ่งตามกรรมวิธีใหญ่ ๆ ดังนี้

2.10.1.1 กรรมวิธีใช้กำลังกล (mechanical process)

วิธีใช้แรงอัด อัดท่อนไม้ที่ปลอกเปลือกแล้วให้สัมผัสหินบด (grinding stone) ซึ่งผิวหน้าของหินบดมีลักษณะมีคม เช่นเดียวกับหินลับมีด ไม้จะถูกกันและออกมาเป็นชิ้นเล็กๆ เครื่องจักรที่ใช้ผลิตเยื่อชนิดนี้ เรียกว่า เครื่องบด (grinder) เนื่องจากขณะที่ไม้ถูกฝนอยู่นั้นจะมีความร้อนจากการเสียดสีเกิดขึ้น อุณหภูมิ 60-80 องศาเซลเซียส จึงจำเป็นต้องพ่นน้ำให้เป็นละอองอยู่ตลอดเวลา และส่วนหนึ่งของหินบดจะหล่ออยู่ในอ่างน้ำ เยื่อที่ถูกบดออกมาจะอยู่ในอ่างนี้ และจะถูกระบายออกจากอ่างน้ำตลอดเวลา การผลิตโดยวิธีนี้ให้ผลผลิตสูงมากถึงร้อยละ 90-95 ของน้ำหนักไม้ที่เป็นวัตถุดิบ แต่คุณสมบัติของกระดาษที่ได้จากการผลิตเยื่อกระดาษวิธีนี้มีคุณภาพต่ำ จึงใช้เป็นส่วนผสมในการทำกระดาษบางประเภท โดยจะให้คุณสมบัติด้านที่บดแสง เส้นใยเดี่ยวซึ่งไม่ค่อยสมบูรณ์อาจมีการฉีกขาดและยังมีลิกนินตกค้างอยู่ ทำให้พันธะระหว่างเส้นใยต่ำไม่เหมาะที่จะนำไปทำกระดาษ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ที่ต้องรับแรงดึงสูงแต่มีราคาถูก เช่น กระดาษห่อของ กล่องใส่ของ ซึ่งไม่มีความจำเป็นต้องเก็บไว้นานๆ

2.10.1.2 กรรมวิธีทางเคมี (chemical process)

วิธีนี้ใช้สารเคมีบางชนิดละลายลิกนินที่ทำหน้าที่เป็นกาวเชื่อมเซลล์ของไม้เข้าด้วยกัน ทำให้แต่ละเซลล์ของไม้แยกหลุดออกจากกัน กรรมวิธีทางเคมีนี้แบ่งออกเป็นประเภทใหญ่ ๆ ดังนี้

2.10.1.2.1 กรรมวิธีซัลไฟต์ (sulphite process)

กรรมวิธีนี้เกิดขึ้นครั้งแรกในยุโรป เชื้อกระดาษที่ได้นี้เรียกว่า เชื้อกระดาษซัลไฟต์ (sulphite pulp) สารเคมีที่ใช้ในการเตรียมน้ำยาได้แก่ ซัลเฟอร์ไดออกไซด์ นำมาละลายในน้ำที่มีด่างบางตัวละลายอยู่ เบสที่ใช้ได้แก่ แคลเซียม แมกนีเซียม แอมโมเนียม หรือโซเดียม ซึ่งซัลเฟอร์ไดออกไซด์จะละลายอยู่ในน้ำในสภาพกรดซัลฟูรัส การใช้ด่างแต่ละตัวค่าพีเอชของน้ำยาที่ได้จะแตกต่างกัน ดังนั้นเพื่อให้ได้พีเอชของน้ำยาที่ต้องการ จึงจำเป็นต้องเลือกด่างที่เหมาะสม ในการย่อยกระดาษนั้น ชี้นไม้จะถูกกล่าเลียงลงสู่ฟุ้งย่อยพร้อมด้วยน้ำยาสำหรับย่อย จากนั้นให้ความร้อนที่อุณหภูมิประมาณ 150 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 8-10 ชั่วโมง แล้วแค่ชนิดของวัตถุดิบที่ใช้ วิธีการต้ม และชนิดของด่างย่อย ลิกนินในไม้จะรวมกับไฮโดรเจนซัลไฟต์เกิดเป็นลิกโนซัลเฟอร์เนท ซึ่งละลายน้ำได้จึงทำให้ไฟเบอร์ของไม้แยกหลุดออกจากกันเป็นชี้นไม้ เมื่อถูกย่อยดีแล้วน้ำยาจะถูกระบายออกจากถังย่อย และบางครั้งยังสามารถนำกลับไปใช้ได้ อีก สำหรับชี้นไม้จะถูกระบายออกจากถังย่อย

การร่อนเยื่อ (screening) ชี้นไม้ที่ย่อยแล้วจะถูกล้างด้วยน้ำเพื่อเอาน้ำยาออกและกรองด้วยตะแกรงแบบต่าง ๆ เพื่อเอาส่วนที่เป็นตาไม้ซึ่งไม่ถูกย่อย หรือสิ่งสกปรกต่างๆ ออก การกรองทำหลายขั้นตอนด้วยกัน ทั้งนี้เพื่อให้แน่ใจว่าไม่มีสิ่งสกปรกเจือปนอยู่เชื้อกระดาษที่ได้โดยกรรมวิธีซัลไฟต์มีสีค่อนข้างจางเกือบเป็นสีขาว สามารถนำไปทำเป็นกระดาษบางประเภทได้เลย เช่น กระดาษหนังสือพิมพ์รายวัน รายปักษ์ โดยเฉพาะเชื้อกระดาษที่ทำจากไม้ที่มียาง ได้แก่ ไม้สน สำหรับคุณสมบัติของเชื้อกระดาษที่ได้โดยกรรมวิธีอื่น ก็คือ เมื่อนำไปทำกระดาษแล้วให้ความแข็งแรงกว่าเชื้อกระดาษที่ได้จากวิกล แต่ผลผลิตที่ได้ประมาณร้อยละ 50 ของน้ำหนักไม้ที่ใช้

2.10.1.2.2 กรรมวิธีซัลเฟต (sulphate process)

เรียกอีกอย่างว่า กรรมวิธีคราฟท์ (kraft process) การที่เรียกอย่างนี้เพราะว่าในการที่เอาโซเดียมไฮดรอกไซด์ในน้ำยาที่ใช้แล้วกับมาใช้อีกจะต้องเติมโซเดียมซัลเฟตลงไป จึงเรียกรรมวิธีนี้ว่า กรรมวิธีซัลเฟต หรือเนื่องจากว่าเชื้อกระดาษที่ได้โดยกรรมวิธีนี้มีลักษณะเหนียวแข็งแรง สารเคมีที่ใช้กรรมวิธีนี้คือ โซเดียมไฮดรอกไซด์กับโซเดียมซัลเฟตเป็นส่วนใหญ่ นอกจากนี้ยังมีโซเดียมคาร์บอเนตและโซเดียมซัลเฟตบ้างเล็กน้อย การย่อยเชื้อกระดาษทำในถังย่อยเช่นเดียวกับวิธีซัลไฟต์ อุณหภูมิที่ใช้ 170 องศาเซลเซียส เวลา 3-4 ชั่วโมง กรรมวิธีนี้ใช้ได้กับเยื่อไม้ทุกชนิดทั้งไม้สนและ ไม้เนื้อแข็ง เชื้อกระดาษที่ได้จากกรรมวิธีนี้จะมีลักษณะสีคล้ำแต่เหนียว สามารถนำไปใช้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปเผยแพร่โดยไม่ได้รับอนุญาต
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ทำกระดาษที่ต้องการความแข็งแรงมาก ๆ ได้ดี เช่น ถุงกระดาษใส่ซีเมนต์ ปูย ถุงใส่ของ กล่องกระดาษ ส่วนสีสามารถทำให้ขาวได้โดยการฟอกสี

2.10.1.2.3 กรรมวิธีโซดา (soda process)

เป็นกรรมวิธีทางเคมีวิธีแรกที่ค้นพบ และนำมาใช้ในทางอุตสาหกรรมโดยชาวอังกฤษ กรรมวิธีนี้ใช้สารเคมีที่สำคัญ คือ โซเดียมไฮดรอกไซด์ กรรมวิธีนี้ย่อยไม้เนื้อแข็งได้ดีกว่าไม้เนื้ออ่อน เชื้อกระดาษที่ได้จากกรรมวิธีนี้ให้ผลผลิตน้อย คือประมาณร้อยละ 50 ของน้ำหนักของไม้ และความแข็งแรงของเยื่อเมื่อนำมาทำกระดาษค่อนข้างต่ำ ซึ่งต่ำกว่าเยื่อที่ได้โดยวิธีซัลเฟต และมีสีน้ำตาลคล้ำ ก็อาจทำให้ขาวได้โดยการฟอกสี การย่อยเชื้อกระดาษจะย่อยในถัง ปริมาณสารเคมีที่ใช้คือโซเดียมไฮดรอกไซด์ร้อยละ 15-20 ค่อน้ำหนักแห้งของไม้ อุณหภูมิที่ใช้ 160-170 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4-6 ชั่วโมง ขึ้นอยู่กับวัตถุดิบที่ใช้และผลผลิตที่ต้องการ

สำหรับขั้นตอนการฟอกเยื่อมีจุดประสงค์เพื่อกำจัดลิกนินออกไป ซึ่งทำให้เยื่อมีความขาวสว่างมากขึ้น โดยใช้สารเคมีทำปฏิกิริยากับลิกนินในเนื้อไม้ การฟอกเยื่อประกอบด้วยหลายขั้นตอนมีชื่อเรียกตามสารเคมีที่ใช้ในการฟอก และเรียงตามลำดับตัวอักษรตัวแรกของแต่ละขั้นตอนโดยสารเคมี สัญลักษณ์ และชื่อขั้นตอนการฟอกต่างๆ (ตารางที่ 2.4)

ตารางที่ 2.4 ลำดับขั้นตอนของการใช้สารเคมีในกระบวนการฟอกสีเยื่อกระดาษ

สารเคมี	สัญลักษณ์	ชื่อเรียกขั้นตอนการฟอก
คลอรีน	C	ขั้นตอนคลอรีเนชัน (chlorination stage)
โซเดียมไฮดรอกไซด์	E	ขั้นแยกแทรกชั้น (extraction stage)
แคลเซียมไฮโปคลอไรด์	H	ขั้นไฮโปคลอไรด์ (hypochlorite stage)
คลอรีนไดออกไซด์	D	ขั้นคลอรีนไดออกไซด์ (chlorinedioxide stage)
ไฮโดรเจนเปอร์ออกไซด์	P	ขั้นไฮโดรเจนเปอร์ออกไซด์ (hydrogen peroxide stage)
ออกซิเจน	O	ขั้นออกซิเจน (oxygen stage)
โอโซน	Z	ขั้นโอโซน (ozone stage)

ที่มา : วิชาญและคณะ (2546)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตัวอย่างของขั้นตอนการฟอก เช่น CEH, CEDED, CEDEP, CEOP ซึ่งทางโรงงานจะเลือกวิธีการฟอก โดยพิจารณาจากชนิดของกระดาษที่ต้องการผลิต มีความจำเป็นอย่างมากในการเลือกวิธีการฟอกให้เหมาะสม ทั้งนี้เพื่อคุณภาพของเยื่อและลดต้นทุนการผลิตให้น้อยที่สุด

เยื่อกระดาษที่ยังไม่ได้ฟอกจะมีสีคล้ำ เมื่อผ่านการฟอกแล้วจะมีสีขาวขึ้น โดยการฟอกสีเยื่อกระดาษมีหลักในการพิจารณาขั้นตอนใหญ่ ๆ คือ ถ้าการฟอกนั้นต้องเอาลิกนินและสารให้สีต่าง ๆ ออกจากเยื่อกระดาษ ในกรณีนี้ช่วยในการฟอกเยื่อกระดาษที่มีลิกนินปนอยู่เพียงเล็กน้อยเท่านั้น ถ้าเยื่อกระดาษที่มีลิกนินเหลืออยู่มากก็ไม่เป็นการประหยัด การเอาลิกนินออกจากไม้ทำได้โดยใช้เทคนิคในการต้มไม้ (cook) ดีกว่าการฟอก

การใช้โซเดียมไฮดรอกไซด์ในการฟอกกระดาษ จะเป็นการเพิ่มประสิทธิภาพของการใช้สารเคมีในขั้นตอนการกำจัดลิกนินออกจากเยื่อกระดาษ (Viikari และคณะ, 1986) วิธีการที่ใช้เอนไซม์นี้จะทำให้ได้กระดาษที่มีค่าความขาวสว่างสูงมากขึ้น หรือลดการใช้สารเคมีในการฟอกสี เนื่องจาก การกำจัดลิกนินที่ก่อให้เกิดสีน้ำตาลเข้มในกระบวนการฟอกเยื่อไม้ ซึ่งมีการใช้สารเคมีพวกคลอรีนเบส (chlorine-based) ในการช่วยฟอกลิกนินที่ละลายน้ำที่เกิดจากการผลิต ทำให้น้ำมีสีเข้มขึ้นและก่อให้เกิดผลกระทบต่อสิ่งแวดล้อม นอกจากนี้ยังพบสารพิษไดออกซิน (dioxin) ในน้ำเสียที่เกิดจากการฟอกเยื่อไม้อีกด้วย จึงมีการใช้เอนไซม์ช่วยในการลดสารพิษที่จะตกค้างในสิ่งแวดล้อม โดยเฉพาะอย่างยิ่งจะสามารถลดปริมาณการใช้ก๊าซคลอรีน ซึ่งเป็นสาเหตุในการทำให้เกิดสารพิษจำพวกสารประกอบคลอรีน โดยการใช้น้ำเอนไซม์ โซเดียมไฮดรอกไซด์จะช่วยลดระยะเวลาในการย่อยสลายเนื้อไม้ ให้ได้เยื่อไม้ที่มีคุณสมบัติตามต้องการ เนื่องจากสารละลายของเนื้อเยื่อไม้มีไฮดรอกไซด์ ซึ่งระหว่างการให้ความร้อนหรือในสภาวะที่เป็นด่าง โซเดียมไฮดรอกไซด์จะละลายออกมาในลักษณะสายสั้นๆ ตกตะกอนอยู่บนผิวไมโครไฟบิล (microfibril) ของเซลลูโลส (Ratto และคณะ, 1994) จึงมีการประยุกต์ใช้เอนไซม์โซเดียมไฮดรอกไซด์ในการฟอกเนื้อเยื่อไม้สำหรับทำเยื่อกระดาษ

การใช้เอนไซม์ในอุตสาหกรรมเยื่อกระดาษ มีจุดมุ่งหมายเพื่อลดการใช้พลังงานในการผลิตเยื่อกระดาษ ปรับปรุงสมบัติการให้น้ำไหลผ่านในการทำกระดาษรีไซเคิล เพิ่มความสามารถในการบดเยื่อกระดาษ และปรับปรุงคุณภาพของเส้นใย การผลิตเยื่อกระดาษแบบวิธีกลจะได้ปริมาณเยื่อมากแต่ยังคงเหลือลิกนิน และไฮดรอกไซด์อยู่ในเยื่อเกือบทั้งหมด (Saddler, 1993) ได้ศึกษาบทบาทของโซเดียมไฮดรอกไซด์เพื่อปรับปรุงคุณภาพเยื่อกระดาษ โดยใช้โซเดียมไฮดรอกไซด์ฟอกเยื่อกระดาษจากการตรวจสอบด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอน พบว่าเยื่อที่ผ่านโซเดียมไฮดรอกไซด์มีความยืดหยุ่นดี บ่งชี้ว่าเกิดจากการเปลี่ยนแปลงภายในเส้นใยของเยื่อ นอกจากนี้พบว่าเยื่อกระดาษมีค่าการดูดน้ำเพิ่มขึ้น เนื่องจากเส้นใยของตัวดี นอกจากนี้การใช้เทคโนโลยีทางชีวภาพก็ยังคงมีความน่าสนใจในด้านลดค่าใช้จ่ายในการบำบัดน้ำเสียและได้ผลิตภัณฑ์ที่ปลอดภัยจากสารเคมี

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เนื่องจากโรงงานผลิตเยื่อและกระดาษส่วนใหญ่ใช้คลอรีนในการฟอกสีกระดาษเพราะมีราคาถูกและมีผลข้างเคียงมากมาย โดยโรงงานที่ใช้คลอรีนฟอกสีกระดาษจะถ่ายเทสารไดออกซิน (dioxin) ซึ่งไดออกซินจะไปจับกับคีเอนเอ ซึ่งมีผลกระทบต่อสิ่งมีชีวิต ทำให้เกิดอาการปวดตามข้อ ทำให้ระบบภูมิคุ้มกันไม่ทำงานตามปกติทั้งยังมีผลให้ตัวอ่อนของสัตว์เป็น โรคมวม และยังมีกรวิจัยพบสารไดออกซินในน้ำนมมารดาอีกด้วย ยังมีการใช้สารประกอบคลอรีนในรูปที่สลายตัวได้ง่าย คือ สารเคมีไดออกไซด์ (chlorine dioxide, DIO_2) เป็นก๊าซที่มีสีเหลืองแดง ซึ่งมีผลในการฟอกสีมากกว่า 2 เท่าของคลอรีน ปัจจุบันนี้เพื่อให้ได้เยื่อกระดาษที่ขาว และมีความบริสุทธิ์มากขึ้น จึงใช้สารเคมีหลายชนิดด้วยกัน ได้แก่ คลอรีน โซเดียมไฮดรอกไซด์ ไฮโปคลอไรต์ คลอรีนไดออกไซด์ ซัลเฟอร์ไดออกไซด์ ขั้นตอนในการฟอกสีตลอดจนสภาวะต่างๆ ในการฟอกสีที่แตกต่างกันไป โดยคำนึงถึงความสะอาดของเยื่อได้ และเยื่อได้รับความเสียหายเนื่องจากการฟอกน้อยที่สุด โดยการผลิตเยื่อและการฟอกสีโดยกระบวนการทางเคมีนั้น ถึงแม้จะมีข้อดีคือได้เยื่อที่มีคุณภาพสูงภายในระยะเวลาสั้นๆ แต่ต้องอาศัยเงินทุนจำนวนมากในแง่ของเครื่องจักรและสารเคมี นอกจากนี้ยังพบว่ามีการปนเปื้อนที่เกิดจากกระบวนการทั้งสองออกมา (ตารางที่ 2.4)

นอกจากกระบวนการข้างต้นจะเห็นได้ว่าลิกนินถูกสกัดออกมาจะอยู่ในรูปของ chlorolignin และ chlorinated phenol สารดังกล่าวจะออกมากับน้ำทิ้งจากกระบวนการฟอกเยื่อ และสาร chlorinated phenol และ glycol เป็นสารที่มีพิษจากกระบวนการผลิตเยื่อเช่นเดียวกัน ตัวอย่างเช่น ในน้ำทิ้งที่ออกมาจากขั้นตอนแรกๆ ของวิธีการสกัดด้วยด่างจะมีสารพวกคลอรีนที่เป็นสารอินทรีย์มากมาย ซึ่งมี chlorinated phenol เป็นสารประกอบหลัก และมีความจำเป็นจะต้องมีการบำบัดก่อนปล่อยลงสู่แหล่งน้ำธรรมชาติ ซึ่งหากไม่มีการบำบัดสารประกอบดังกล่าวอาจมีความเป็นพิษต่อสิ่งมีชีวิตที่อาศัยในแหล่งน้ำ และอาจก่อให้เกิดมลภาวะทางน้ำ ตามมาอีกด้วย ปัญหาของสีในน้ำเสียจากโรงงานอุตสาหกรรมผลิตเยื่อกระดาษก็เป็นปัญหาที่สำคัญปัญหาหนึ่ง ซึ่งเกิดจากสามกระบวนการที่แตกต่าง คือ การผลิตโดยกระบวนการทางเคมี การฟอกสีเยื่อกระดาษ และการผลิตกระดาษสี กระบวนการฟอกสีจะผลิตสีออกมาปริมาณมากกว่ากระบวนการทำเยื่อกระดาษ โดยมีผลกระทบที่เป็นอันตรายคือน้ำ คือ สีจะขัดขวางการผ่านของแสงอาทิตย์ ซึ่งมีผลต่อกระบวนการสังเคราะห์แสง ทำให้ลดปริมาณสิ่งมีชีวิตที่อาศัยอยู่ในน้ำ เกิดปัญหากับกระบวนการต่างๆ ในอุตสาหกรรม ถ้าใช้ช่วยในการบำบัดน้ำเสียสูง สีที่มีโลหะอินออนปน เช่น เหล็กหรือทองแดงจะไปขัดขวางกระบวนการเมตาบอลิซึมของสิ่งมีชีวิตในสายใยอาหาร

จากปัญหาข้างต้นอุตสาหกรรมผลิตเยื่อกระดาษดังกล่าวอาจมีแนวทางใหม่ให้เลือก อาทิเช่น แนวทางการนำเทคโนโลยีการฟอกเยื่อด้วยวิธีทางชีวภาพเข้ามาเป็นส่วนหนึ่งของกระบวนการฟอกเยื่อด้วย วิธีทางเคมีนับว่าเป็นประโยชน์อย่างมากเพราะสามารถลดต้นทุนการผลิตและไม่ก่อให้เกิดผลกระทบต่อสิ่งแวดล้อม

ดังนั้นคุณลักษณะ 3 ประการ ที่มีการนำเอนไซม์ไซลาลเนสที่จะนำมาประยุกต์ใช้ในอุตสาหกรรมการฟอกสีกระดาษ

1. มีอุณหภูมิที่เหมาะสมสูงและมีความเสถียรที่อุณหภูมิสูง สิ่งนี้จะช่วยประหยัดพลังงานและจะช่วยประหยัดได้มาก

2. มีพีเอชที่เหมาะสมสูง และมีความเสถียรที่พีเอชสูงจะช่วยเพิ่มประสิทธิภาพและลดราคาคັมนทุนในการจัดหาเครื่องมือเพื่อปรับค่าพีเอช ซึ่งสามารถช่วยแก้ปัญหาได้โดยการนำไปผสมกับเยื่อกระดาษ และสามารถใช้หมุนเวียนได้

3. มีค่า pI (isoelectric point) ที่เป็นค่าสูง เอนไซม์ไซลาลเนสยังคงเกาะติดอยู่กับสารตั้งต้นเมื่อมีค่าพีเอชไม่ต่ำกว่าค่า pI ของเอนไซม์ การเกาะกับสารตั้งต้นแสดงให้เห็นว่าเป็นการช่วยส่งเสริมการย่อยสารตั้งต้น ดังนั้น เอนไซม์ไซลาลเนสที่มีค่า pI เป็นค่าสูงจึงเป็นสิ่งจำเป็นมาก อย่างไรก็ตามในสภาวะที่จะมีการนำเอนไซม์มาใช้ใหม่ จะต้องพิจารณาที่ค่า pI สูง ๆ ซึ่งสิ่งนี้ก็เป็นอุปสรรคอย่างหนึ่งที่ต้องทำการศึกษากันต่อไป

Christoy และ Prior (1993) ใช้เอนไซม์ไซลาลเนสที่ได้จากเชื้อ *Aureobasidium pullulan* NRRL Y-2311-1 ที่มีแอกติวิตี 1500 ยูนิท/กรัม (เตรียมสารละลายเอนไซม์ในซีเตรทบัฟเฟอร์เข้มข้น 50 มิลลิโมลาร์ พีเอช 4.5) ย่อยสารละลายเยื่อไม้ที่อุณหภูมิ 40 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 24 ชั่วโมง พบว่าปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้นตามระยะเวลาที่บ่มและแอกติวิตีของเอนไซม์ที่เพิ่มขึ้น โดยย่อยได้น้ำตาลรีดิวซ์เท่ากับ 10 มิลลิกรัมต่อกรัมเยื่อไม้ น้ำตาลรีดิวซ์ที่ได้ในช่วงเวลาต่างๆ ส่วนใหญ่เป็นน้ำตาลไซโลส

2.10.2 การผลิตเอทานอล

ในกระบวนการผลิตเอทานอลจากวัสดุเหลือทิ้งทางการเกษตร เช่น ชานอ้อย ซึ่งมีองค์ประกอบเป็นไซแลน และเซลลูโลส ภายหลังจากการย่อยจะได้ผลผลิตเป็นน้ำตาลไซโลส และน้ำตาลกลูโคสตามลำดับ จากนั้นจึงใช้ยีสต์หมักน้ำตาลที่ได้เปลี่ยนเป็นเอทานอล (Puls, 1993) ซึ่งกระบวนการผลิตโดยส่วนใหญ่ใช้กรดในการย่อยวัสดุเหลือทิ้งเหล่านี้ หรือการใช้ความร้อนสูงร่วมด้วยในการย่อยสลายเพื่อให้ได้ผลผลิตเป็นน้ำตาลรีดิวซ์ (Morjanoff และ Gray, 1987) กระบวนการผลิตเหล่านี้จะมีสารประกอบพวกฟีนอล (phenolic compound) เกิดขึ้น ซึ่งฟีนอลนี้จะมีผลต่อการยับยั้งการเจริญของยีสต์จึงต้องมีการกำจัดฟีนอลออกโดยวิธีต่างๆ เช่น การใช้เรซินและถ่านกัมมันต์ (active charcoal) จากนั้นจึงใช้ด่างในปรับพีเอชให้เป็นกลางเพื่อให้เหมาะสมกับการเจริญของยีสต์ (Watson และคณะ, 1984)

ส่วนกระบวนการผลิตอีกวิธีหนึ่งคือ การใช้เอนไซม์ย่อยวัสดุเหลือทิ้งทางการเกษตร ได้แก่ เอนไซม์ไซลาลเนสและเอนไซม์เซลลูเลส พบว่าให้น้ำตาลรีดิวซ์สูง อีกทั้งยังสามารถใส่ยีสต์ลงไปเพื่อหมักให้เกิดเป็นเอทานอลได้เลย ทั้งยังเป็นการลดขั้นตอนการกำจัดฟีนอลและการปรับพีเอชให้เหมาะสมกับการเจริญของยีสต์ (Martin และคณะ, 2002)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

2.10.3 อุตสาหกรรมอาหารและเครื่องดื่ม

ในการทำนม เช่น เค้ก คุกกี้ แครกเกอร์ และอาหารอื่น ๆ เอนไซม์ไซลาลเนส จะช่วยในการทำลายพันธะในพอลิแซ็กคาไรด์ ช่วยให้การทำนมและอาหารเร็วขึ้น นอกจากนี้ยังช่วยทำให้น้ำผลไม้ใสขึ้นด้วย

2.10.4 อาหารสัตว์

เศษวัสดุเหลือทิ้งจากการเกษตร ซึ่งส่วนใหญ่มักประกอบด้วยลิกนิน จึงทำการกำจัดเอาส่วนที่เป็นลิกนินออกโดยใช้เอนไซม์ย่อยก่อนที่จะนำไปเป็นอาหารสัตว์ หรือเติมเอนไซม์ลงไปในอาหาร ฟีซที่ใช้ในการเลี้ยงสัตว์ จะช่วยเพิ่มประสิทธิภาพในการย่อยอาหารของสัตว์และยังเพิ่มการดูดซึมเกลือแร่และเป็นการเพิ่มคุณค่าของอาหารสัตว์

2.10.5 ประโยชน์ของเอนไซม์ไซลาลเนสอื่นๆ

1. การปรับปรุงเส้นใย เพื่อให้เส้นใยมีคุณภาพดีขึ้น (Singh, 2000)
 2. การสกัดกาแฟ โดยใช้ในขั้นตอนการย่อยเปลือกกาแฟ (Wong และ Saddler, 1992; Singh, 2000)
 3. ใช้ในการผลิตน้ำมันพืชและการทำแป้ง (Wong และ Saddler, 1992; Singh, 2000)
 4. ใช้ในการปรับปรุงที่ดินสำหรับการเกษตรและการปลูกข้าว โดยเอนไซม์ไซลาลเนสจะไปช่วยเพิ่มแร่ธาตุ ทำให้ดินมีความอุดมสมบูรณ์เหมาะแก่การเพาะปลูก (Wong และ Saddler, 1992; Singh, 2000)
 5. การกำจัดส่วนที่เหลือจากการเกษตร โดยใช้กระบวนการหมักแบบแข็ง (Biely, 1985)
 6. การทำให้น้ำผักและผลไม้ใส โดยเอนไซม์ไซลาลเนสจะไปทำปฏิกิริยากับผนังเซลล์ของผักและผลไม้ทำให้น้ำผักและผลไม้ใส เรียกว่า Clarification (Biely, 1985; Wong และ Saddler, 1992)
 7. การผลิตอาหารที่เพิ่มไฟเบอร์ หรือคล้ายเนื้อสัตว์ในอาหารเสริมสุขภาพและอาหารเพิ่มโปรตีนและอาหารสัตว์ (Kuhad และคณะ, 1997)
 8. การผลิตเชื้อเพลิงทางเคมี ไส้ลิกทอล เอทานอล สารทำลายและกรดอินทรีย์ (Biely, 1985; Singh, 2000)
 9. ใช้ในการผลิตโปรตีนเซลล์เดี่ยว (Singh, 2000; Kuhad, 1997)
 10. การใช้เอนไซม์ไซลาลเนสในการเตรียมวัตถุดิบในการวิจัยทางวิทยาศาสตร์ เช่น ใช้ในการศึกษา คุณสมบัติของ โพลีแซ็กคาไรด์ และผนังเซลล์ของพืช (Wong และคณะ, 1988)
 11. ประยุกต์ใช้ในอุตสาหกรรมการสกัดน้ำมันปาล์ม เช่นเดียวกับการใช้เอนไซม์เซลลูเลส และ เพคตินเอส ในอัตรา 200-1000 กรัมต่อตัน ที่อุณหภูมิ 25-40 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-4 ชั่วโมง เพื่อแปรสภาพเนื้อเยื่อพืชก่อนนำไปสกัด นอกจากนี้ยังใช้ช่วยปรับปรุงคุณภาพของน้ำมัน และน้ำทิ้ง โดยลดปริมาณเนื้อเยื่อของพืชที่มีน้ำหนักโมเลกุลสูงทำให้เกิดความหนืดและข้น เช่น กลูแคน
- เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เฮมิเซลลูโลส เซลลูโลส และเพคติน ซึ่งช่วยในการทำให้ใส (clarification) ในกระบวนการแยกน้ำมัน (Godfrey, 1983)

12. ใช้ช่วยปรับปรุงคุณภาพของน้ำมัน และน้ำทิ้งโดยลดปริมาณเนื้อเยื่อของพืชที่มีน้ำหนักโมเลกุลสูงทำให้เกิดความหนืดและข้น เช่น กากเยื่อ เฮมิเซลลูโลส เซลลูโลส และเพคติน ซึ่งช่วยในการทำให้ใส (clarification) ในกระบวนการแยกน้ำมัน

ตารางที่ 2.5 : สารเคมีที่เป็นพิษที่เกิดจากกระบวนการผลิตเยื่อและกระบวนการฟอกสี

กระบวนการ	สารเคมีที่เป็นพิษ
Kraft pulping	Resin acids include abietic, dehydroabietic, isopimaric, palustric, pimaric, aracopimaric and neobietic. Unsaturated fatty acids include oleic, linoleic, and palmitoleic.
Sulfite pulping	Resin acids include abietic, dehydroabietic, isopimaric, palustric, pimaric, aracopimaric and neobietic. Unsaturated fatty acids include oleic, linoleic and palmitoleic. Juvabines include juvabione, juvabiol, dehydrojuvabione and 3-dehydrojuvabiol. Lignin degradation products include eugenol, isoeugenol and 3, 3' dimethoxy-4 และ 4' dihydroxystilbene.
Mechanical pulping	Resin acids include abietic, dehydroabietic, isopimaric, palustric, pimaric, aracopimaric and neobietic. Unsaturated fatty acids include oleic, linoleic and palmitoleic. Diterpene alcohols include pimarol. Isopimarol, abienol, 12- β -abienol, และ 13-epimanool.
Mechanical pulping	Juvabiones include juvabione, juvabiol, - dehydrojuvabione and dehydrojuvabiol. Chlorinated resin acids include monchloro and dichlorodehydroabietic. Unsaturated fatty acid derivatives include epoxystearic acid and dichlorostearic acid. Included also are 3,4,5-trichloroguaiacol and 3,4,5-tetrachloroguaiacol.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 2.5 (ต่อ) : สารเคมีที่เป็นที่เปื้อนพิษจากกระบวนการผลิตเชื้อและกระบวนการฟอกสี

กระบวนการ	สารเคมีที่เป็นพิษ
Debarking	Resin acids include abietic, dehydroabietic, isopimaric, palustric, pimaric, aracopimaric and neobietic. Unsaturated fatty acids include oleic, linoleic and palmitoleic. Diterpene alcohols include pimoral, isopimarol, abienol, 12- β -abienol and 13-epimanool.

ที่มา : ภัทรพร และคณะ (2543)



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 3

วิธีดำเนินการวิจัย

3.1 วัสดุ

3.1.1 วัสดุดิบ

1. ไซเลนสกัดจากต้นโอ๊ก (oat spent xylan) สำเร็จรูป
2. ซังข้าวโพดอบ โดยต้องนำมาตากแดดให้แห้งเพื่อป้องกันเชื้อรา จากนั้นจึงนำไปอบให้ละเอียดให้มีขนาดไม่เกิน 2.5 มิลลิเมตร ด้วยเครื่องบดหยาบ และนำมาอบให้แห้งอีกครั้ง จากนั้นเก็บไว้ในภาชนะที่มีฝาปิดสนิท เพื่อป้องกันซังข้าวโพดดูดความชื้นทำให้เก็บไว้ใช้ตลอดการทดลอง

3.1.2 จุลินทรีย์

เชื้อที่นำมาใช้ในการทดลองเป็นเชื้อที่แยกได้จากธรรมชาติ โดยเป็นสายพันธุ์ของ *Aspergillus fumigatus* ที่แยกได้จากดินและสามารถเจริญได้ดีที่อุณหภูมิสูง (45 องศาเซลเซียส) (เรวดี ปริบัว, 2547) โดยทำการถ่ายเชื้อลงบนอาหารวุ้นแป้ง PDA (Potato Dextrose Agar) โดยถ่ายเชื้อเดือนละ 2 ครั้ง เมื่อเชื้อเจริญและสร้างสปอร์สมบูรณ์ จะทำการเก็บรักษาเชื้อไว้ในตู้เย็นที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

3.1.3 อุปกรณ์

1. แท่งแก้วกวนสารแม่เหล็ก (magnetic bar)
2. เครื่องกวนสาร (magnetic stirrer)
3. ฮีมาไซโคมิเตอร์
4. ตู้บ่มเชื้อหม้อนึ่งฆ่าเชื้อ
5. ตู้ฉายแสงอัลตราไวโอเลต (256 nm)
6. ตู้เขี่ยเชื้อ (laminar flow)
7. เครื่องเขย่า (shaker)
8. หม้อนึ่งฆ่าเชื้อ (autoclave)
9. แผ่นกรองซินเทอร์กลาส
10. ตู้อบแห้ง
11. กล้องจุลทรรศน์
12. เครื่องวัดการดูดกลืนแสง
13. เครื่องวัดพีเอช
14. ตู้เย็น

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

3.1.4 สารเคมี

1. ทวิน 80 (Tween 80) ความเข้มข้นร้อยละ 0.01
2. ซิเตรตบัฟเฟอร์ (Citrate buffer) ความเข้มข้น 0.05 โมล พีเอช 4.8
3. ส่วนประกอบอาหารเลี้ยงเชื้อ (ภาคผนวก ก)
4. สารเคมีที่ใช้วิเคราะห์น้ำตาลรีดิวซ์ (ภาคผนวก ก)
5. คองโก เรด (congo red)
6. โซเดียมคลอไรด์ (NaCl)

3.1.5 ขั้นตอนในการดำเนินงาน

3.1.5.1 การเตรียมสารละลายสปอร์

1. นำเชื้อตัวอย่างมาเลี้ยงลงบนอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA (Potato dextrose agar) และนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3-4 วัน เพื่อให้เกิดสปอร์เต็มที่
2. เตรียมสารละลายสปอร์ โดยการเติมน้ำกลั่นที่มีโซเดียมคลอไรด์ ร้อยละ 0.85 และทวิน 80 ความเข้มข้นร้อยละ 0.01 ที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว (Singh และคณะ, 1995)
3. กรองเส้นใยออกด้วยแผ่นกรองซินเทอร์กลาส (sinter glass)
4. นับจำนวนสปอร์ด้วยฮีมาไซโตมิเตอร์ให้ได้สารละลายสปอร์ 10^6 สปอร์/มิลลิลิตร

3.1.5.2 การหาร้อยละการอยู่รอดของเชื้อการชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยการใช้แสงอัลตราไวโอเล็ตร่วมกับสารเคมี

1. ทำการเตรียมสารละลายสปอร์ให้ได้จำนวนสปอร์เท่ากับ 10^6 สปอร์/มิลลิลิตร
2. นำสารละลายสปอร์ไปทำการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมีร่วมกับแสงอัลตราไวโอเล็ต โดยการนำสารละลายสปอร์ที่ถูกเตรียมไปทรีตด้วยสารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัม / มิลลิลิตร เป็นเวลา 30 นาที (Singh และคณะ, 1995)
3. จากนั้นนำ สปอร์ที่ผ่านการทรีตแล้วมาล้างด้วยน้ำเกลือความเข้มข้นร้อยละ 0.85 2-3 ครั้ง โดยผ่านการปั่นเหวี่ยงที่ 15,000 รอบ/นาที เป็นเวลา 20 นาที ที่ 4 องศาเซลเซียส
4. นำมาฉายแสงอัลตราไวโอเล็ตโดยใช้หลอดยูวี (254 นาโนเมตร) เป็นเวลา 0 , 1 , 3 , 5 , 7 และ 10 นาที โดยการสุ่มตัวอย่างตามช่วงเวลาต่างๆ กัน ในปริมาณ 0.1 มิลลิลิตร
5. นำไปเก็บในที่มืดเป็นเวลา 2 ชั่วโมง
6. จากนั้นนำไปทำการเจือจางในอัตราที่เหมาะสมแล้วนำมา spread plate ลงบนอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA โดยให้มีจำนวนโคโลนีเกิดขึ้นอยู่ในช่วง 100-300 โคโลนี โดยทำการทดลอง 3 ซ้ำ
7. นำมาบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-3 วัน
8. ทำการนับจำนวนโคโลนีและคำนวณหาร้อยละการอยู่รอดของเชื้อโดยการเปรียบเทียบกับชุดควบคุมที่ไม่ผ่านการทรีตด้วยสารเคมีและแสงอัลตราไวโอเล็ต

9. เลือกเวลาทำการทรีตด้วยสารเคมีและแสงอัลตราไวโอเลตที่มีร้อยละการอยู่รอดของเชื้อร้อยละ 5 (Singh และคณะ, 1995) เพื่อนำไปใช้ในการทดลองต่อไป

3.1.5.3 การชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์และการคัดเลือกเชื้อกลายพันธุ์ที่ทนอุณหภูมิสูง

1. นำสารละลายสปอร์ที่มีจำนวนสปอร์เท่ากับ 10^6 สปอร์/มิลลิลิตร มาทำการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยการทรีตด้วยสารเคมีและผ่านการฉายแสงแสงอัลตราไวโอเลตที่เวลาที่ทำให้อัตราการอยู่รอดร้อยละ 5

2. แล้วทำการ spread plate เชื้อลงในอาหาร PDA บ่มเชื้อที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 2-3 วัน

3. เมื่อเชื้อมีการเจริญ โดยแต่ละโคโลนี (colony) ของเชื้อจะถูกนำมาทำการเคลื่อนย้ายบนอาหารแข็ง Czapek-Dox (CD) ซึ่งมีส่วนประกอบของ NaNO_2 (3.0 กรัม/ลิตร), KH_2PO_4 (1.0 กรัม/ลิตร), MgSO_4 (0.5 กรัม/ลิตร), FeSO_4 (0.01 กรัม/ลิตร) และ yeast extract (5.0 กรัม/ลิตร) โดยมีการเติมคาร์บอนซีเมิลเซลลูโลสร้อยละ 1 น้ำหนัก/ปริมาตร หรือไซเลนจากไอกร้อยละ 1 น้ำหนัก/ปริมาตร และเติมวุ้นความเข้มข้นร้อยละ 18 (Anthony และคณะ, 2003) และการเติม Sodium tauroglucocholate (เป็นตัวยับยั้งการเจริญของโคโลนี) ที่ความเข้มข้นร้อยละ 1 (Singh และคณะ, 1995)

4. บ่มที่ 45 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 2-3 วัน

5. คัดเลือกโคโลนีที่ให้วงใสในอาหารแข็ง CD-medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนแต่ไม่ใสในอาหารแข็งที่มีเซลลูโลสและมีอัตราส่วนของวงใสรอบโคโลนีมากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม

6. ย้ายลงอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA เลี้ยงให้เกิดสปอร์เต็มๆ รวบรวมและทำการเก็บรักษาไว้ในตู้เย็น เพื่อนำไปใช้ในการศึกษาต่อไป

3.1.5.4 การคัดเลือกสายพันธุ์ที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงปริมาณและคุณภาพ

1. อาหารเลี้ยงเชื้อเพื่อผลิตเอนไซม์ ในสภาวะอาหารเหลวที่ประกอบด้วย เปปโตนร้อยละ 0.3, KH_2PO_4 ร้อยละ 0.2, MgSO_4 ร้อยละ 0.1, CaCl_2 ร้อยละ 0.1, บีสต์สก็ดร้อยละ 0.3 และการเติมแหล่งคาร์บอนเป็นไซเลนหรือซังข้าวโพดร้อยละ 1 ปรับให้อาหารมีค่าพีเอช 5.0

2. เติมอาหารเลี้ยงเชื้อ 50 มิลลิลิตร ลงไปใน Erlenmeyer flask ขนาด 250 มิลลิลิตร

3. เติมโคโลนีขึ้นต้น จากนั้นทำการบ่มที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส โดยมีการเขย่าที่ความเร็วรอบ 200 รอบ/นาที เป็นเวลา 4 วัน

4. เก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อไปปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที ที่ 4 องศาเซลเซียส โดยนำส่วนใส (clear supernatant) ที่ได้หลังจากปั่นเหวี่ยงจะถูกแบ่งใส่ภาชนะ

เล็กๆ เพื่อใช้เป็นแหล่งของเอนไซม์ไซลาลเนสเพื่อทำการทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงปริมาณและเชิงคุณภาพ

3.1.5.4.1 การทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงปริมาณ

1. โดยนำสารละลายเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ปริมาณหลุมละ 5 ไมโครลิตร
2. นำไปบ่มที่ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลาข้ามคืน
3. นำไปย้อมสี congo red ความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาที และล้างออกด้วย NaCl ความเข้มข้น 1 โมลาร์ เป็นเวลา 10 นาที
4. วัดขนาดวงใสรอบโคโลนีของเชื้อและหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนี/ขนาดของโคโลนีของเชื้อ

3.1.5.4.2 การทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงคุณภาพ

3.1.5.4.2.1 การวิเคราะห์ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลาลเนส

1. เติมสารละลายเอนไซม์ที่เจือจางอย่างเหมาะสม 0.5 มิลลิลิตร ในสารละลายไซเลนเข้มข้นร้อยละ 1.0 ที่ละลายในซิงเตรคบัฟเฟอร์ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ พีเอช 4.8
2. นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที
3. หยุดปฏิกิริยาโดยเติม DNS reagent ลงไป 3 มิลลิลิตร ต้มในน้ำเดือด 5 นาที
4. ทำให้เย็นทันทีด้วยน้ำก๊อก
5. เติมน้ำกลั่น 6 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน
6. ทำการวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ โดยปริมาณของน้ำตาลรีดิวซ์ (reducing suger) ในปฏิกิริยา สามารถวัดได้โดยการใช้สารเคมีกรดไดไนโตรไซลิไซริก (dinitrosalicylic-DNS) และใช้น้ำตาลไซโลสเป็นสารละลายมาตรฐาน (Miller, 1959)

โดย 1 ยูนิต (unit) ของเอนไซม์ไซลาลเนส หมายถึง ปริมาณเอนไซม์ที่เร่งปฏิกิริยาการย่อยสลายสับสเตรทให้เป็นไซโลส 1 ไมโครโมล ในเวลา 1 นาที ภายใต้สภาวะวิเคราะห์

3.1.5.4.2.2 การวิเคราะห์ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส (CMCase / endocellulase)

1. เติมสารละลายเอนไซม์ที่เจือจางอย่างเหมาะสมปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร ในสารละลายคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสเข้มข้นร้อยละ 1.0 ที่ละลายในซิงเตรคบัฟเฟอร์ความเข้มข้น 0.05 โมล พีเอช 4.8
2. นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที
3. หยุดปฏิกิริยาโดยเติม DNS reagent ลงไป 3 มิลลิลิตร ต้มในน้ำเดือด 5 นาที
4. ทำให้เย็นทันทีด้วยน้ำก๊อก
5. เติมน้ำกลั่น 6 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

6. ทำการวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ โดยปริมาณของน้ำตาลรีดิวซ์ (reducing sugar) ในปฏิกิริยา สามารถวัดได้โดยการใช้สารเคมีกรดไดไนโตรไซทิลไซริก (dinitrosalicylic-DNS) และใช้น้ำตาลไซโลสเป็นสารละลายมาตรฐาน (Miller, 1959)

โดย 1 ยูนิต (unit) ของเอนไซม์เซลลูเลส หมายถึง จำนวนของเอนไซม์ที่เร่งปฏิกิริยาการย่อยสลายสับบسترให้เป็นกลูโคส 1 ไมโครโมล ในเวลา 1 นาที ภายใต้สภาวะการวิเคราะห์



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 4

ผลการทดลองและอภิปรายผล

4.1 ลักษณะเบื้องต้นของเชื้อ *Aspergillus fumigatus*

ลักษณะเบื้องต้นของเชื้อรา *Aspergillus fumigatus* เจริญเติบโตเป็นเส้นใย มีลักษณะเป็นเส้นใยฟูสีเขียวนที่เกาะบนกระดาษกรอง (รูปที่ 4.1) ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อนี้ คือ ไมซีเลียของเชื้อนี้ประกอบด้วยเส้นใยที่แตกแขนงมากมาย เส้นใยมีผนังกันและไม่มีสีแต่ละเซลล์มีผนังนิวเคลียสหลายอัน มีคุณสมบัติทนต่ออุณหภูมิสูงๆ ได้ และเจริญเติบโตได้ที่อุณหภูมิสูงกว่า 55 องศาเซลเซียส และสามารถพบได้ทั่วไปในหลายๆที่ โดยเฉพาะในดินและในสารอินทรีย์ที่กำลังย่อยสลาย แคลคูลัสของเชื้อราชนิดนี้ยังเป็นต้นสาเหตุที่ก่อให้เกิดโรคนิวโมซิส และเป็นส่วนหลักในโรคแอสเพอริลโลซิส (aspergillosis) (Steven และคณะ, 2000)



รูปที่ 4.1 ลักษณะสัณฐานวิทยาของเชื้อ *Aspergillus fumigatus* ที่ใช้ในงานทดลอง

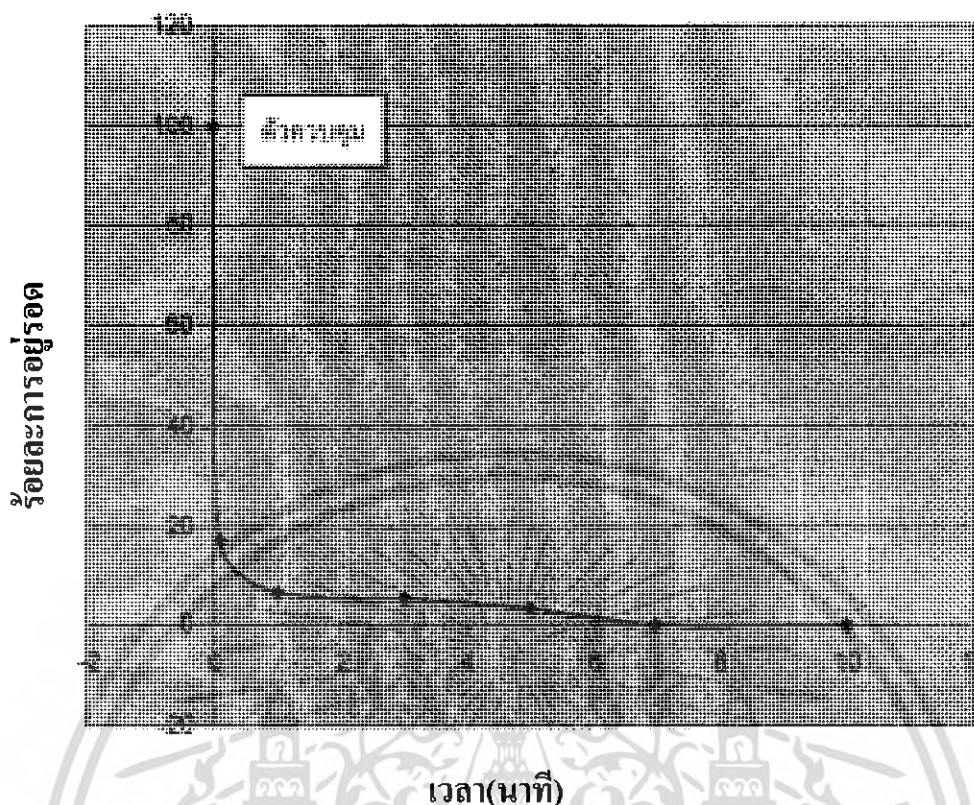
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.1 ศึกษาหาอัตราการอยู่รอด

ตารางที่ 4.1 : จำนวนโคโลนีต่อมิลลิลิตรและอัตราการอยู่รอดของเชื้อ *Aspergillus fumigatus* ที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมี N-methyl-N'-nitro-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 30 นาที (Singh และคณะ, 1995) ร่วมกับแสงอัลตราไวโอเลตที่เวลาต่างๆ ในระดับความเจือจาง 10^{-2}

เวลา (นาที)	จำนวนโคโลนีของเชื้อต่อมิลลิลิตร (x 100)	อัตราการอยู่รอด (ร้อยละ)
ตัวควบคุม	57	100
0	10	16.95
1	4	6.43
3	3	5.26
5	2	3.51
7	0	0
10	0	0

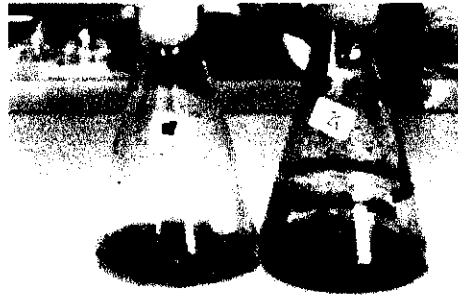
จากผลการทดลองหลังจากการผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมี เป็นเวลา 30 นาที ร่วมกับแสงอัลตราไวโอเลตที่เวลาต่างๆ พบว่า เชื้อตัวควบคุมที่ไม่ผ่านสารเคมีและแสงอัลตราไวโอเลตได้ 5.7×10^3 โคโลนี และการตรวจนับโคโลนีที่เวลาที่ 0 นาที เชื้อจะผ่านการทรีตด้วยสารเคมีแต่ไม่ผ่านการฉายแสงอัลตราไวโอเลตได้ 1.0×10^4 โคโลนี เมื่อนำมาคำนวณอัตราการอยู่รอดโดยเทียบกับจำนวนโคโลนีของเชื้อที่ผ่านสารเคมีร่วมกับแสงอัลตราไวโอเลต (ตัวทดลอง) ที่เวลา 3 นาทีจะมีอัตราการอยู่รอดประมาณร้อยละ 5.26 และได้คัดเลือกเอาเวลาที่ 3 นาที จาก killing curve ที่มีอัตราการอยู่รอดประมาณร้อยละ 5 ซึ่งมีความใกล้เคียงกับทฤษฎีในการก่อกลายพันธุ์ *Fusarium oxysporum* โดยสามารถเพิ่มความสามารถในการผลิตเอนไซม์ ไซลานเนสและ β -ไซโลซิเตสเป็นสามเท่าจากเดิม (Singh และคณะ, 1995) มาใช้ในการคัดเลือกสายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus* เพื่อเพิ่มผลผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ทนอุณหภูมิสูงที่ปราศจากเอนไซม์เซลลูเลส



รูปที่ 4.2 ร้อยละของการอยู่รอดของเชื้อ *Aspergillus fumigatus* ที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมีร่วมกับแสงอัลตราไวโอเล็ตที่เวลาต่างๆ ในระดับความเจือจาง 10^{-2}

4.1.2 การคัดเลือกสายพันธุ์ที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์เซลลูลาสในเชิงปริมาณและคุณภาพ

เมื่อนำเชื้อที่ผ่านการชักนำด้วยสารเคมีและแสงอัลตราไวโอเล็ตที่เวลาคัดเลือกได้ให้มีร้อยละการอยู่รอดร้อยละ 5 ได้สายพันธุ์กลายทั้งหมด 58 สายพันธุ์ แล้วนำลงลงบนอาหารเหลวที่มีส่วนประกอบของ เปปโตนร้อยละ 0.3, KH_2PO_4 ร้อยละ 0.2, MgSO_4 ร้อยละ 0.1, CaCl_2 ร้อยละ 0.1, บีสท์สกัดร้อยละ 0.3 และการเติมแหล่งคาร์บอนเป็นไซแลนร้อยละ 1 เป็นแหล่งคาร์บอนปรับให้อาหารมีค่าพีเอช 5.0 โดยเลี้ยงเชื้อในพลาสติกขนาด 250 มิลลิลิตร โดยใช้อาหารเลี้ยงเชื้อ 50 มิลลิลิตร แล้วทำการบ่มที่ 45 องศาเซลเซียส โดยใช้รอบของการหมุนเหวี่ยงที่ 200 รอบ/นาทีเป็นเวลา 4 วัน พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus* จะเจริญเติบโตในรูปของเส้นใย (mycelium) และในรูปของเพนเลต (pellet) ในอาหารเหลว โดยอาหารเหลวที่เชื้อเจริญเติบโตอยู่นั้นมีทั้งลักษณะใสและขุ่น (รูปที่ 4.3 และ 4.4)



รูปที่ 4.3 สายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus* ที่เจริญเติบโตในอาหารเหลวซึ่งจะให้อาหารเหลวที่มีลักษณะใสและขุ่น



รูปที่ 4.4 สายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus* ที่เจริญเติบโตในอาหารเหลวในรูปของ เพนเลต (pellet) และเส้นใย (mycelium)

หลังจากการเลี้ยงเชื้อสายพันธุ์กลาย *Aspergillus fumigatus* ในอาหารเหลว ที่ 45 องศาเซลเซียส โดยใช้รอบของการหมุนเหวี่ยงที่ 200 รอบ/นาที เป็นเวลา 4 วัน หลังจากนั้นเก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อไปปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที เก็บส่วนใสแบ่งใส่ภาชนะเล็กๆ เพื่อทำการทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์



รูปที่ 4.5 ตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อภายหลังจากปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที ซึ่งใช้

เป็นแหล่งของเอนไซม์เพื่อนำไปใช้ในการทดสอบ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.3 การศึกษากิจกรรมของเอนไซม์ไลซานในเชิงปริมาณ

เมื่อนำสายพันธุ์เชื้อ *Aspergillus fumigatus* ที่ผ่านการหมักนำการก่อกลายพันธุ์ด้วยสารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) และแสงอัลตราไวโอเล็ตทั้งหมด 58 สายพันธุ์ มาเลี้ยงลงในอาหารเหลวที่มีไขมันเป็นแหล่งคาร์บอน โดยเลี้ยงเชื้อในพลาสติกขนาด 250 มิลลิลิตร โดยใช้อาหารเลี้ยงเชื้อ 50 มิลลิลิตร แล้วทำการบ่มที่ 45 องศาเซลเซียส โดยใช้รอบของการหมุน เวกิ้งที่ 200 รอบ/นาที เป็นเวลา 4 วัน หลังจากนั้นเก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อที่ทำการเลี้ยง ไปปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที แล้วจึงนำไปทดสอบความสามารถในการผลิต เอนไซม์ในเชิงปริมาณ (วัดอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อ) โดยนำสารละลายเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไขมันเป็นแหล่ง คาร์บอนร้อยละ 1 ปริมาณหุ้มนละ 5 ไมโครลิตร จากนั้นนำไปบ่มที่ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง แล้วจึงนำไปย้อมสี congo red ความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาทีและล้างออก ด้วยสารละลาย NaCl ที่มีความเข้มข้น 1 โมลาร์เป็นเวลา 10 นาที แล้วจึงวัดขนาดวงใสโคโลนีของ เชื้อและทำการหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อ (รูปที่ 4.6) และทำการคัดเลือกที่ให้อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อที่ มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม



รูปที่ 4.6 ตัวอย่างของวงใสรอบโคโลนี เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD medium ที่มีการเติมไขมันความเข้มข้นร้อยละ 1 เป็นแหล่งคาร์บอน และทำการย้อมสีด้วย congo red

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.2 กิจกรรมของเอนไซม์ไซแลนของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD-medium ที่มีการเติมไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

ชื่อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	2.092 ^{efghijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 1	1.865 ^{jklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 2	2.502 ^{bcdefghij}
สายพันธุ์กลายที่ 3	1.986 ^{ghijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 4	1.219 ^{pqr}
สายพันธุ์กลายที่ 5	1.975 ^{ghijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 6	2.110 ^{efghijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 7	2.698 ^{bcdefg}
สายพันธุ์กลายที่ 8	1.961 ^{hijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 9	2.268 ^{defghijkl}
สายพันธุ์กลายที่ 10	2.893 ^{bed}
สายพันธุ์กลายที่ 11	1.973 ^{ghijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 12	1.939 ^{ijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 13	2.233 ^{dijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 14	1.810 ^{klmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 15	2.061 ^{efghijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 16	2.152 ^{efghijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 17	3.022 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 18	2.002 ^{ghijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 19	2.784 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 20	2.993 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 21	2.160 ^{efghijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 22	2.800 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 23	2.232 ^{dijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 24	2.739 ^{bcdef}
สายพันธุ์กลายที่ 25	1.999 ^{ghijklmno}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับกรใช้เฉพาะเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.2 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์ไซแลนเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 26	5.133 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 27	2.794 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 28	2.264 ^{defghijkl}
สายพันธุ์กลายที่ 29	1.925 ^{ijklmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 30	1.190 ^{qr}
สายพันธุ์กลายที่ 31	1.480 ^{nopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 32	2.249 ^{defghijkl}
สายพันธุ์กลายที่ 33	1.680 ^{klmnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 34	1.280 ^{op}
สายพันธุ์กลายที่ 35	2.339 ^{cdefghijkl}
สายพันธุ์กลายที่ 36	2.691 ^{bcdefg}
สายพันธุ์กลายที่ 37	1.520 ^{mnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 38	1.460 ^{nopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 39	2.995 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 40	1.440 ^{nopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 41	2.348 ^{cdefghijkl}
สายพันธุ์กลายที่ 42	1.870 ^{ijklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 43	1.170 ^{qr}
สายพันธุ์กลายที่ 44	1.951 ^{hijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 45	1.520 ^{mnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 46	1.024 ^r
สายพันธุ์กลายที่ 47	1.651 ^{lmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 48	3.164 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 49	2.675 ^{bcdefgh}
สายพันธุ์กลายที่ 50	2.630 ^{bcdefghi}
สายพันธุ์กลายที่ 51	1.448 ^{nopqr}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์และเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.2 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์โพลีแซคคาไรเดสของสายพันธุ์ดั้งเดิมกับสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD-medium ที่มีการเติมไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 52	1.432 ^{nopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 53	2.535 ^{bedefghij}
สายพันธุ์กลายที่ 54	2.086 ^{efghijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 55	2.386 ^{cdefghijk}
สายพันธุ์กลายที่ 56	2.020 ^{fghijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 57	2.133 ^{efghijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 58	1.814 ^{klmnopq}

จากผลการทดลองในการวัดค่าอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี และทำการคัดเลือกที่ให้อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อที่มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายจำนวน 24 สายพันธุ์มีอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อที่มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ที่ 23, 13, 32, 28, 9, 35, 41, 55, 53, 2, 50, 49, 36, 7, 24, 19, 27, 22, 10, 20, 39, 17, 48 และ 26 โดยเชื้อสายพันธุ์กลายที่ 26 มีค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงปริมาณสูงสุดเท่ากับ 5.133 เซนติเมตร แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆ ในทางสถิติอย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 (ตารางที่ 4.2)

4.1.4 การศึกษากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสในเชิงปริมาณ

ทำการเก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อไปปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที นำไปทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงปริมาณ (วัดอัตราส่วนระหว่างขนาดของวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อ) โดยนำสารละลายเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD-medium ที่มีการเติมเซลลูเลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ปริมาณหลุมละ 5 ไมโครลิตร นำไปบ่มที่ 45 องศาเซลเซียส ซ้ำมึน นำไปย้อมสี congo red ความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาที และล้างออกด้วย NaCl ความเข้มข้น 1 โมลาร์เป็นเวลา 10 นาที วัดขนาดของวงใสรอบโคโลนีของเชื้อและหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนี/ขนาดของโคโลนีของเชื้อ (ตารางที่ 4.3) และทำการคัดเลือกเชื้อที่ให้

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

อัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อน้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม เนื่องจาก โดยทั่วไปแล้วเชื้อราส่วนมากสามารถผลิตเอนไซม์เซลลูเลสและเอนไซม์เซลลูโลสในเวลาเดียวกัน ซึ่งเป็นผลของเอนไซม์ที่ไม่เป็นที่ต้องการสำหรับขบวนการการผลิตกระดาษในขั้นตอนการฟอกกระดาษ (pulp treatment) ซึ่งเอนไซม์เซลลูเลสที่นำไปใช้งานจำเป็นต้องปราศจากเอนไซม์เซลลูโลสซึ่งจะสามารถลดการทำลายเส้นใยของเยื่อให้น้อยลง (Antony และคณะ , 2003)

ตารางที่ 4.3 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	1.515 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 1	1.541 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 2	1.485 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 3	1.404 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 4	1.405 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 5	1.561 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 6	1.397 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 7	1.284 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 8	1.320 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 9	1.378 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 10	1.348 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 11	0.240 ^{cf}
สายพันธุ์กลายที่ 12	0.244 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 13	0.000 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 14	1.522 ^{bcde}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.3 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโลนี โคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 15	1.171 ^{cf}
สายพันธุ์กลายที่ 16	1.624 ^{bcd}
สายพันธุ์กลายที่ 17	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 18	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 19	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 20	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 21	1.356 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 22	0.239 ^{ef}
สายพันธุ์กลายที่ 23	1.345 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 24	1.307 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 25	2.241 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 26	1.280 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 27	1.396 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 28	1.317 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 29	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 30	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 31	0.000 ^{g**}
สายพันธุ์กลายที่ 32	0.000 ^{g**}
สายพันธุ์กลายที่ 33	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 34	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 35	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 36	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 37	1.196 ^{cf}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.3 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD-medium ที่มีการเติมเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 38	1.417 ^{cdef}
สายพันธุ์กลายที่ 39	1.490 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 40	1.596 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 41	1.569 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 42	2.155 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 43	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 44	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 45	1.666 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 46	1.490 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 47	1.387 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 48	2.013 ^{abc}
สายพันธุ์กลายที่ 49	1.586 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 50	1.543 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 51	1.661 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 52	1.621 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 53	1.497 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 54	1.648 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 55	0.833 ^f
สายพันธุ์กลายที่ 56	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 57	1.861 ^{abcd}
สายพันธุ์กลายที่ 58	1.261 ^{def}

* หมายถึง ไม่มีเชื้อขึ้นบนอาหารแข็ง

** หมายถึง มีเชื้อขึ้นแต่ไม่มีการผลิตเอนไซม์

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

จากผลการทดลองในการวัดค่าอัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโรนาโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี และทำการคัดเลือกที่ให้อัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโรนาโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อที่น้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายจำนวน 38 สายพันธุ์มีอัตราส่วนระหว่างขนาดวงโคโรนาโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อที่น้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ที่ 13, 17, 18, 19, 20, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 43, 44, 56, 55, 15, 37, 22, 11, 12, 58, 26, 7, 24, 28, 8, 23, 10, 21, 9, 47, 27, 6, 3 และ 4 โดยเชื้อสายพันธุ์กลายที่ 13, 17, 18, 19, 20, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 43, 44, 56 มีค่ากิจกรรมของเอนไซม์จริงปริมาณต่ำสุดเท่ากับ 0.000 เซนติเมตร แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆ ในทางสถิติอย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95

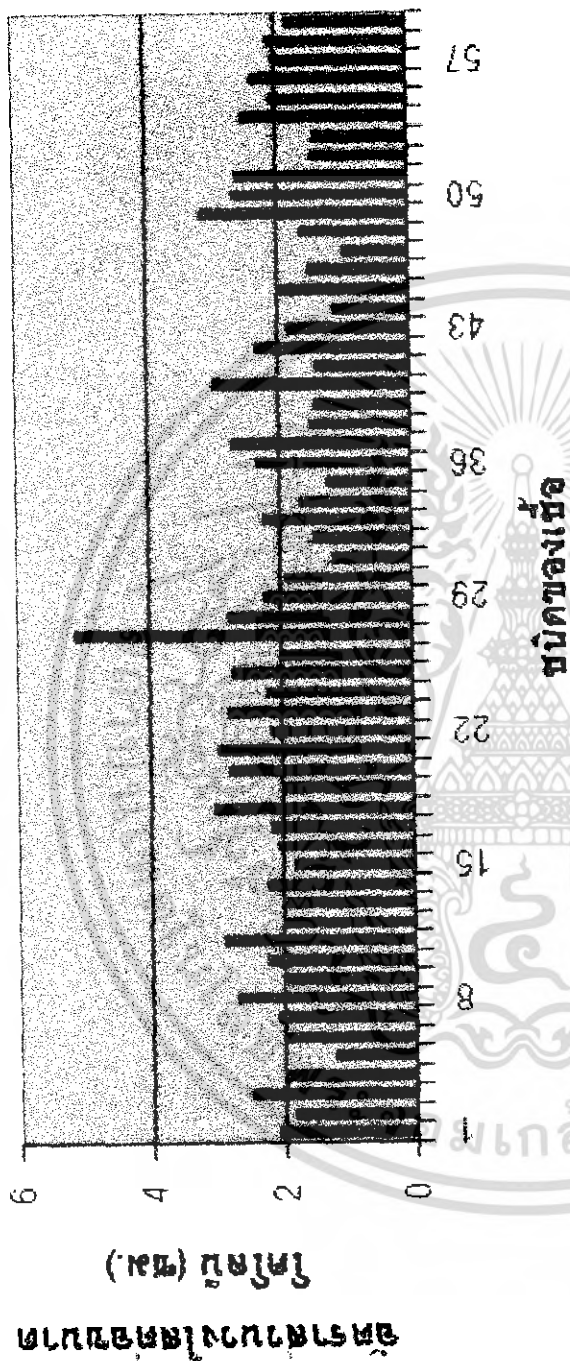


รูปที่ 4.7 ตัวอย่างของวงโคโลนี เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มี การเติมเซลลูโลสความเข้มข้นร้อยละ 1 เป็นแหล่งคาร์บอน และทำการย้อมสีด้วย congo red



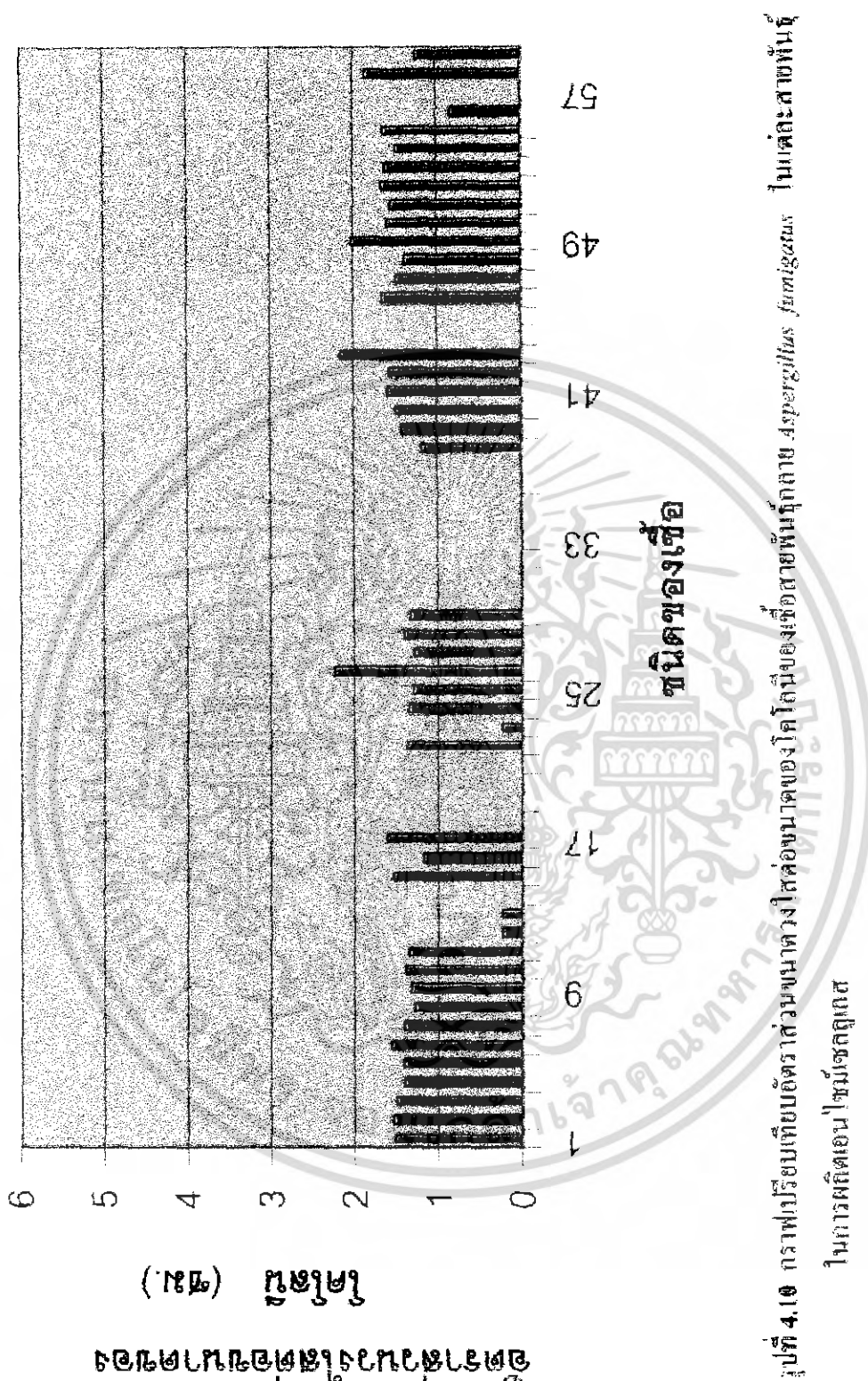
รูปที่ 4.8 เปรียบเทียบลักษณะของโคโลนีและวงโคโรนาของเชื้อ *Aspergillus fumigatus* เมื่อตัวอย่าง เอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีเอนไซม์เซลลูโลสความเข้มข้นร้อยละ 1 เป็นแหล่งคาร์บอน ย้อมสีด้วย congo red (งานเพาะเชื้อข้าวเหนียว) และ เมื่อนำตัวอย่าง เอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีเอนไซม์เซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอน ร้อยละ 1 (งานเพาะเชื้อข้าวเหนียว)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 4.7 กราฟเปรียบเทียบอัตราส่วนพบเชื้อ Aspergillus fumigatus ในแต่ละสายพันธุ์ในกรรมผลิตขนมปังโบราณ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 4.10 กราฟเปรียบเทียบสัดส่วนความถี่ของเชื้อรา Aspergillus fumigatus ในแต่ละสายพันธุ์ ในการติดเชื้อในช่องจมูก

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.5 ศึกษาค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงคุณภาพ

สามารถหาค่ากิจกรรมเอนไซม์ในเชิงคุณภาพในรูปของค่ากิจกรรม (enzyme activity) โดยการนำตัวอย่างเอนไซม์จากอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน มาวิธีการวิเคราะห์ตามวิธี DNS method ของ Tang และคณะ (1987) ในการวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เหลืออยู่ โดยวัดการดูดกลืนแสงที่ความเข้มข้น 550 นาโนเมตร (ตารางที่ 4.4)

ตารางที่ 4.4 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	31.345 ^{fghi}
สายพันธุ์กลายที่ 1	30.869 ^{fghi}
สายพันธุ์กลายที่ 2	34.444 ^{efgh}
สายพันธุ์กลายที่ 3	5.359 ^{lm}
สายพันธุ์กลายที่ 4	23.553 ^{ijklmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 5	24.850 ^{ijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 6	19.527 ^{klmnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 7	36.259 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 8	31.257 ^{fghi}
สายพันธุ์กลายที่ 9	23.675 ^{ijklmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 10	37.360 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 11	17.937 ^{mnoqr}
สายพันธุ์กลายที่ 12	24.039 ^{ijklmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 13	12.050 ^{rst}
สายพันธุ์กลายที่ 14	20.863 ^{ijklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 15	21.228 ^{ijklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 16	18.096 ^{lmnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 17	37.086 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 18	19.000 ^{klmnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 19	42.201 ^{de}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับกรณีใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.4 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์ไลลาเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายในอาหาร
เหลวที่มีไขมันเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไลลาเนส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์กลายที่ 20	66.799 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 21	20.408 ^{klmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 22	40.510 ^{de}
สายพันธุ์กลายที่ 23	20.235 ^{klmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 24	43.536 ^d
สายพันธุ์กลายที่ 25	16.823 ^{nopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 26	100.614 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 27	42.142 ^{de}
สายพันธุ์กลายที่ 28	36.391 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 29	3.248 ^u
สายพันธุ์กลายที่ 30	26.477 ^{ijkl}
สายพันธุ์กลายที่ 31	25.758 ^{ijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 32	25.098 ^{ijklm}
สายพันธุ์กลายที่ 33	2.971 ^u
สายพันธุ์กลายที่ 34	21.940 ^{klmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 35	23.774 ^{ijklmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 36	20.106 ^{klmnopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 37	17.638 ^{mnoqr}
สายพันธุ์กลายที่ 38	26.888 ^{hijk}
สายพันธุ์กลายที่ 39	56.993 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 40	16.074 ^{opqrs}
สายพันธุ์กลายที่ 41	41.622 ^{de}
สายพันธุ์กลายที่ 42	9.070 ^{stu}
สายพันธุ์กลายที่ 43	3.923 ^{stu}
สายพันธุ์กลายที่ 44	29.043 ^{ghij}

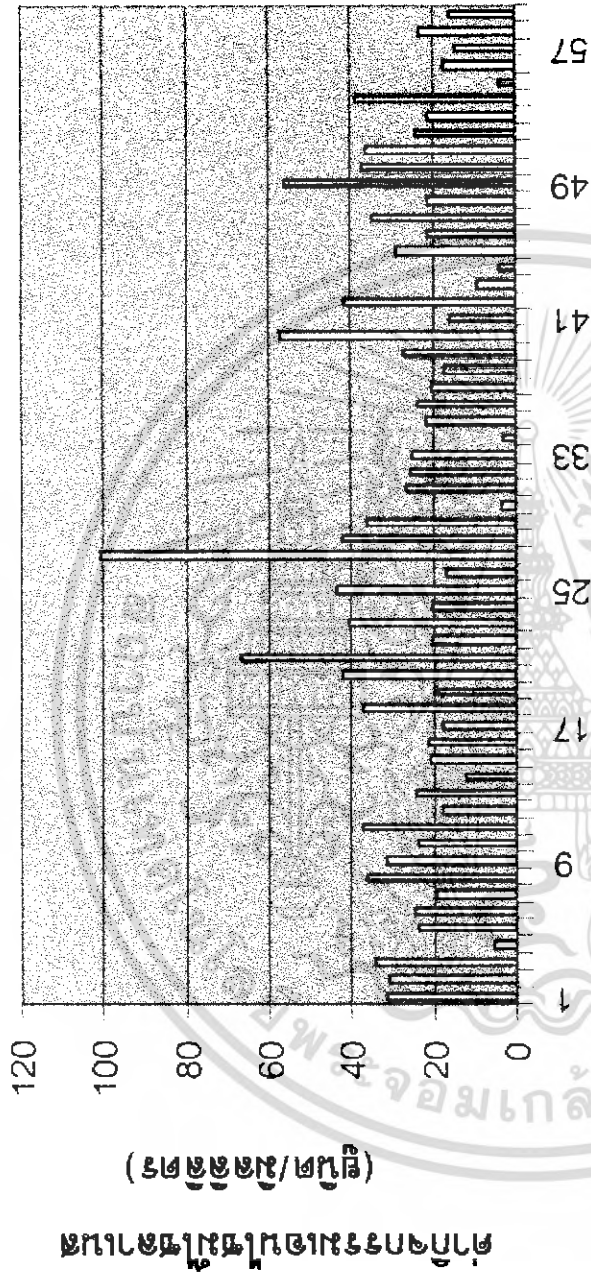
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.4 (ต่อ) แสดงค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลาเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย
ในอาหารเหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลาเนส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์กลายที่ 45	21.205 ^{ijklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 46	34.789 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 47	21.530 ^{ijklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 48	56.242 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 49	37.112 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 50	36.135 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 51	24.367 ^{ijklmno}
สายพันธุ์กลายที่ 52	21.070 ^{ijklmnopq}
สายพันธุ์กลายที่ 53	38.664 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 54	3.943 ^h
สายพันธุ์กลายที่ 55	17.261 ^{nopqr}
สายพันธุ์กลายที่ 56	14.280 ^{qrs}
สายพันธุ์กลายที่ 57	23.289 ^{ijklmnop}
สายพันธุ์กลายที่ 58	15.726 ^{pqrst}

จากผลการทดลองในการวัดค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลาเนสในเชิงคุณภาพ และทำการคัดเลือกที่ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อที่มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายจำนวน 18 สายพันธุ์ที่มีค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อที่มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ที่ 2, 46, 50, 7, 28, 17, 49, 10, 53, 22, 41, 27, 19, 24, 48, 39, 20 และ 26 โดยเชื้อสายพันธุ์กลายที่ 26 มีค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงคุณภาพสูงสุดเท่ากับ 100.6147 ยูนิต/มิลลิลิตร แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆในทางสถิติอย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 โดยจากการศึกษาการผลิตเอนไซม์ไซลาเนสบนร่อนของเชื้อสายพันธุ์ *Aspergillus sp.* ที่อุณหภูมิ 37 และ 45 องศาเซลเซียส พบว่า แม้การเจริญเติบโตของเชื้อจะต่ำเมื่ออยู่ในอุณหภูมิสูง แต่ความสามารถในการผลิตปริมาณเอนไซม์ไซลาเนสมีมากกว่าปริมาณเอนไซม์ที่ผลิตได้ที่อุณหภูมิต่ำกว่า (Castro และคณะ, 1997)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 4.11 กราฟเปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเชื้อราของเชื้อสายพันธุ์ *Aspergillus fumigatus* ในแต่ละสายพันธุ์

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.6 ศึกษาค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสในเชิงคุณภาพ

สามารถหาค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสในเชิงคุณภาพในรูปของค่ากิจกรรม(enzyme activity) โดยการนำตัวอย่างเอนไซม์จากอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน มาวิเคราะห์ตามวิธี DNS method ของ Tang และคณะ (1987) ในการวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เหลืออยู่ โดยวัดการดูดกลืนแสงที่ความเข้มข้น 540 นาโนเมตร (ตารางที่ 4.5) โดยคัดเลือกสายพันธุ์ที่ผลิตเอนไซม์น้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม

ตารางที่ 4.5 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	0.00941 ^{fde}
สายพันธุ์กลายที่ 1	0.00491 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 2	0.00544 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 3	0.02933 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 4	0.06723 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 5	0.00244 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 6	0.00202 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 7	0.00656 ^{cdefg}
สายพันธุ์กลายที่ 8	0.11603 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 9	0.00317 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 10	0.00523 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 11	0.00553 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 12	0.00835 ^{cdefg}
สายพันธุ์กลายที่ 13	0.00358 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 14	0.00566 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 15	0.00268 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 16	0.00586 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 17	0.00563 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 18	0.00244 ^{efg}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.5 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายในอาหาร
เหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์กลายที่ 19	0.00257 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 20	0.00069 ^g
สายพันธุ์กลายที่ 21	0.00247 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 22	0.00318 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 23	0.00444 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 24	0.00332 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 25	0.00241 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 26	0.00697 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 27	0.00318 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 28	0.00299 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 29	0.00515 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 30	0.00230 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 31	0.00541 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 32	0.00293 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 33	0.11663 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 34	0.00373 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 35	0.00449 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 36	0.00241 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 37	0.00147 ^g
สายพันธุ์กลายที่ 38	0.00180 ^{fg}
สายพันธุ์กลายที่ 39	0.00732 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 40	0.00145 ^g
สายพันธุ์กลายที่ 41	0.00963 ^{cdc}
สายพันธุ์กลายที่ 42	0.00720 ^{cddefg}

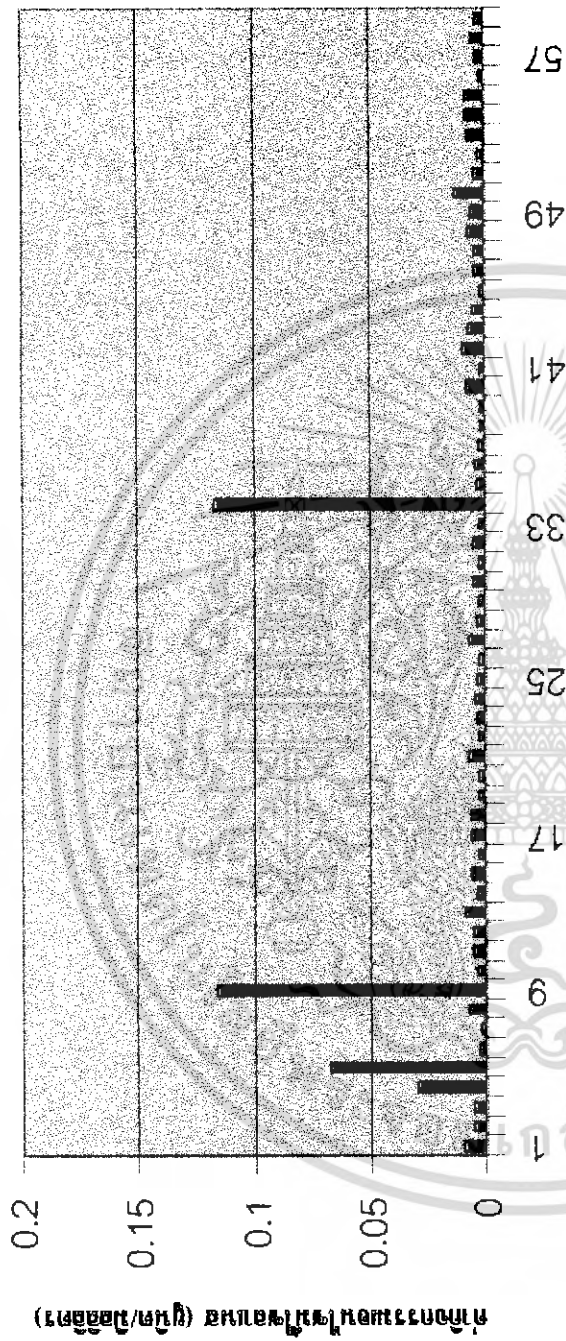
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.5 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลายในอาหาร
เหลวที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์กลายที่ 43	0.00524 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 44	0.00184 ^{fg}
สายพันธุ์กลายที่ 45	0.00463 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 46	0.00403 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 47	0.00720 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 48	0.00601 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 49	0.01330 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 50	0.00392 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 51	0.00281 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 52	0.00660 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 53	0.00780 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 54	0.00747 ^{cddefg}
สายพันธุ์กลายที่ 55	0.00187 ^{fg}
สายพันธุ์กลายที่ 56	0.00370 ^{efg}
สายพันธุ์กลายที่ 57	0.00483 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 58	0.00383 ^{efg}

จากผลการทดลองในการวัดค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสในเชิงคุณภาพ และทำการคัดเลือกที่ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อที่น้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายจำนวน 3 สายพันธุ์ที่มีค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อที่น้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ที่ 20, 40, และ 37 โดยเชื้อสายพันธุ์กลายทั้งสามมีค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงคุณภาพต่ำสุดที่ไม่มีความแตกต่างกันทางสถิติ คือ 0.0006950 , 0.00145 , 0.00147 ยูนิตต่อมิลลิลิตร แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆในทางสถิติอย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 โดยสายพันธุ์กลายที่ 26 ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ 0.00697 ยูนิตต่อมิลลิลิตรซึ่งไม่มีความแตกต่างกันทางสถิติกับสายพันธุ์ดั้งเดิม จากการศึกษากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสจาก *Aspergillus fumigatus* ที่สามารถผลิตได้ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส พบว่า สามารถให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์น้อยกว่า 0.4 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ซึ่งสามารถจัดได้ว่าเชื้อไม่มีการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสเลย (Anthony และคณะ, 2003)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 4.12 กราฟเปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเชื้อรา *Aspergillus fumigatus* ในแต่ละสายพันธุ์

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.7 การศึกษาการใช้วัสดุทดแทนแหล่งคาร์บอนในการผลิต

จากการก่อกลายพันธุ์สามารถการคัดเลือกสายพันธุ์กลายที่มีค่ากิจกรรมเอนไซม์ในเชิงปริมาณ และคุณภาพที่มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม และสายพันธุ์กลายมีการให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูโลส ต่ำกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม ดังนี้ สายพันธุ์ที่ 2, 7, 10, 17, 19, 20, 22, 24, 26, 27, 28, 39, 41, 46, 48, 49, 50 และ 53 (ตารางที่ 4.6) โดยใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนหลัก ซึ่งมีราคาแพง จึงมีการใช้ ชังข้าวโพดบดแห้ง มาทดแทนแหล่งคาร์บอนที่ใช้ เนื่องจากชังข้าวโพดเป็นวัตถุดิบเหลือใช้ทางการเกษตรที่มีราคาถูกกว่าการใช้ไซเลนบริสุทธิ์ เป็นแนวทางในการลดต้นทุนการผลิตได้

ตารางที่ 4.6 เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนของวงใสและกิจกรรมของเอนไซม์เชิงของเชื้อราสายพันธุ์ กลายที่คัดเลือกเพื่อไปเลี้ยงในอาหารเหลวที่มีชังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรม ไซเลนเนส (ยูนิต/มล.)	ค่ากิจกรรม เซลลูโลส (ยูนิต/มล.)	อัตราส่วนวงใส ไซเลนเนส (ชม.)	อัตราส่วนวงใส เซลลูโลส (ชม.)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	31.345 ^{fg}	0.00941 ^{fedc}	2.092 ^{efghijklmn}	1.515 ^{ede}
สายพันธุ์กลายที่ 2	34.444 ^{efgh}	0.00544 ^{defg}	2.502 ^{bcdefghij}	1.485 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 7	36.259 ^{defg}	0.00656 ^{cdefg}	2.698 ^{bcdefg}	1.284 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 10	37.360 ^{def}	0.00523 ^{defg}	2.893 ^{bcd}	1.348 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 17	37.086 ^{def}	0.00563 ^{defg}	3.022 ^{bc}	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 19	42.201 ^{dc}	0.00257 ^{efg}	2.784 ^{bcde}	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 20	66.799 ^b	0.00069 ^g	2.993 ^{bc}	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 22	40.510 ^{dc}	0.00318 ^{efg}	2.800 ^{bcde}	0.239 ^{ef}
สายพันธุ์กลายที่ 24	43.536 ^d	0.00332 ^{efg}	2.739 ^{bcdef}	1.307 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 26	100.614 ^a	0.00697 ^{cdefg}	5.133 ^a	1.280 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 27	42.142 ^{dc}	0.00318 ^{efg}	2.794 ^{bcde}	1.396 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 28	36.391 ^{defg}	0.00299 ^{efg}	2.264 ^{defghijkl}	1.317 ^{def}
สายพันธุ์กลายที่ 39	56.993 ^c	0.00732 ^{cdefg}	2.995 ^{bc}	1.417 ^{cdef}
สายพันธุ์กลายที่ 41	41.622 ^{de}	0.00963 ^{edc}	2.348 ^{cdefghijkl}	1.569 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 46	34.789 ^{efg}	0.00403 ^{efg}	1.024 ^r	1.490 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 48	56.242 ^c	0.00601 ^{cdefg}	3.164 ^b	2.013 ^{abc}
สายพันธุ์กลายที่ 49	37.112 ^{def}	0.01330 ^c	2.675 ^{bcdefgh}	1.586 ^{bcde}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.6 (ต่อ) เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนของวงใสและกิจกรรมของเอนไซม์เชิงของเชื้อราสายพันธุ์กลายที่คัดเลือกเพื่อไปเลี้ยงในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรม ไซลานเนส (unit/ml)	ค่ากิจกรรม เซลลูเลส (unit/ml)	อัตราส่วนวงใส ไซเลนเนส (ชม.)	อัตราส่วนวงใส เซลลูโลส (ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 50	36.135 ^{defg}	0.00392 ^{cfg}	2.630 ^{bcdefghi}	1.543 ^{bcde}
สายพันธุ์กลายที่ 53	38.664 ^{def}	0.00780 ^{cdefg}	2.535 ^{bcdefghij}	1.497 ^{cde}

4.1.8 การศึกษาค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส โดยการใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนไปปั่นเหวี่ยงที่ 5000 รอบเป็นเวลา 15-20 นาที นำไปทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงปริมาณ (วัดอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดโคโลนีของเชื้อ) โดยนำสารละลายเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ปริมาณหลุมละ 5 ไมโครลิตร นำไปบ่มที่ 45 องศาเซลเซียสข้ามคืน นำไปย้อมสี congo red ความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาที และล้างออกด้วย NaCl ความเข้มข้น 1 โมลาร์เป็นเวลา 10 นาที วัดขนาดวงใสรอบโคโลนีของเชื้อและทำการหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อ(ตารางที่ 4.7)

ตารางที่ 4.7 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	1.207 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 2	2.400 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 7	2.944 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 10	2.166 ^{bc}

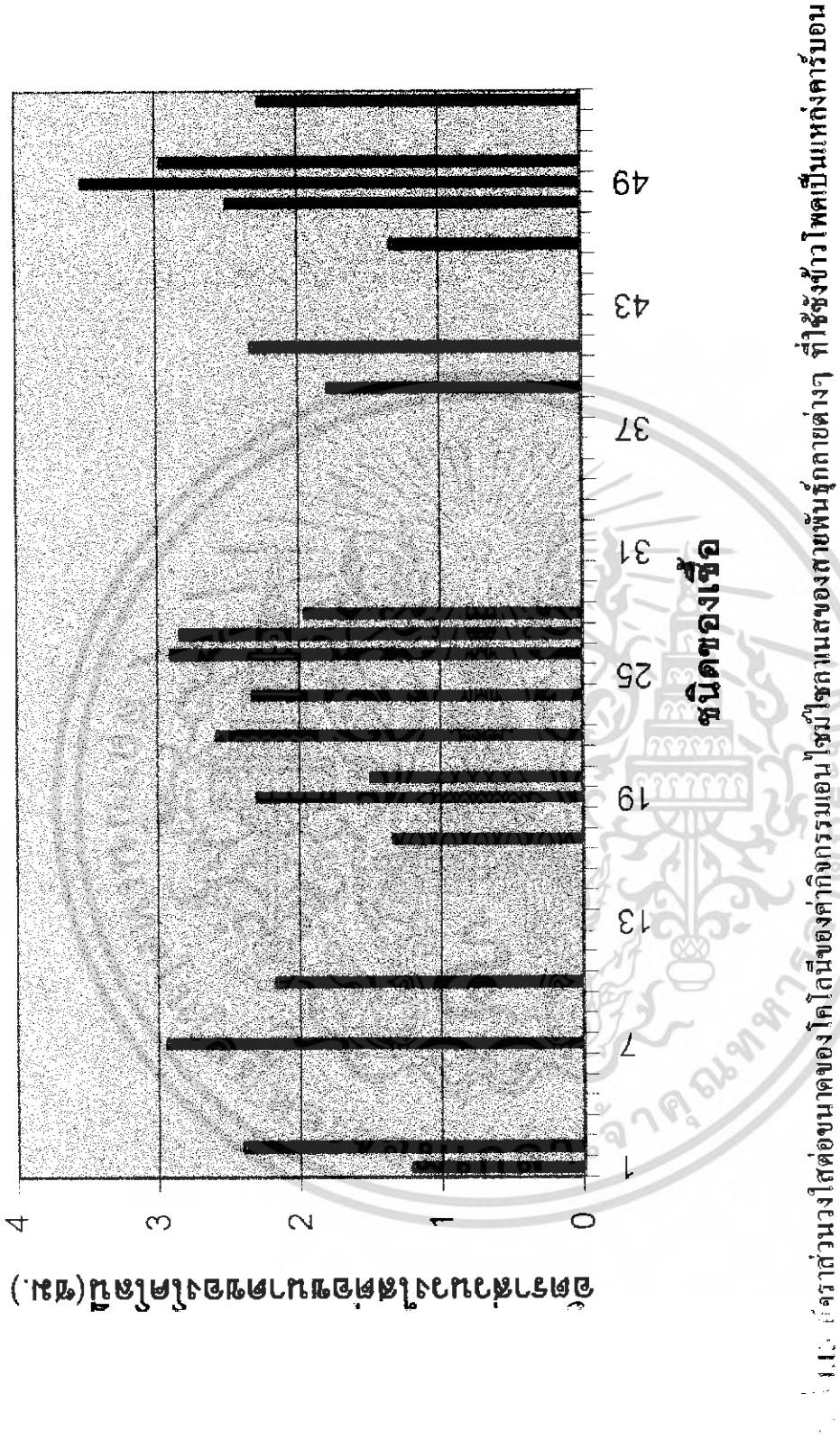
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.7 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

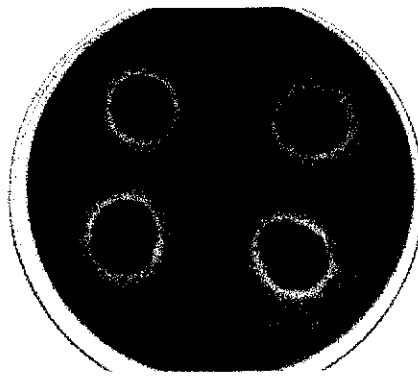
เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 17	1.334 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 19	2.300 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 20	1.493
สายพันธุ์กลายที่ 22	2.583 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 24	2.333 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 26	2.908 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 27	2.842 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 28	1.957 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 39	1.788 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 41	2.333 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 46	1.339 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 48	2.500 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 49	3.518 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 50	2.964 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 53	2.266 ^{bc}

จากผลการทดลองในการวัดค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสจากวงใสของสายพันธุ์กลายโดยวัดอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี พบว่า เชื้อสายพันธุ์กลายที่ 27, 26, 7, 50 และ 49 มีค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงปริมาณไม่มีความแตกต่างกันทางสถิติ โดยให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงสุดเท่ากับ 3.518 เซนติเมตร แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆ ในทางสถิติอย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 4.14 ตัวอย่างของวงไตของโคโคนี เมื่อนำตัวอย่างเอนไซม์ที่มีการใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซแลนความเข้มข้นร้อยละ 1 เป็นแหล่งคาร์บอน ซ้อมสีด้วย congo red

4.1.9 การศึกษาประสิทธิภาพเอนไซม์เซลลูเลส โดยการใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เก็บตัวอย่างอาหารเลี้ยงเชื้อที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนไปปั่นหัวซึ่งที่ 5000 รอบ เป็นเวลา 15-20 นาที นำไปทดสอบความสามารถในการผลิตเอนไซม์ในเชิงปริมาณ (วัดอัตราส่วนระหว่างขนาดวงไตรอบโคโคนีต่อขนาด โคโคนีของเชื้อ) โคนำสารละลายเอนไซม์ไปหยดลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมเซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1 ปริมาณหลุมละ 5 ไมโครลิตร นำไปหมักที่ 45 องศาเซลเซียสข้ามคืน นำไปย้อมสี congo red ความเข้มข้นร้อยละ 0.1 เป็นเวลา 15 นาที และล้างออกด้วย NaCl ความเข้มข้น 1 โมลาร์เป็นเวลา 10 นาที วัดขนาดวงไตรอบโคโคนีของเชื้อและหาอัตราส่วนระหว่างขนาดวงไตรอบโคโคนีต่อขนาดของโคโคนีของเชื้อ (ตารางที่ 4.8)

ตารางที่ 4.8 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงไตรอบโคโคนีต่อขนาดของโคโคนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงไตรอบโคโคนีต่อขนาดของโคโคนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 2	1.533 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 7	0.000 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 10	0.935 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 17	1.435 ^{ab}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.8 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายจากอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของเชื้อลงบนอาหารแข็ง CD- medium ที่มีการเติมไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนร้อยละ 1

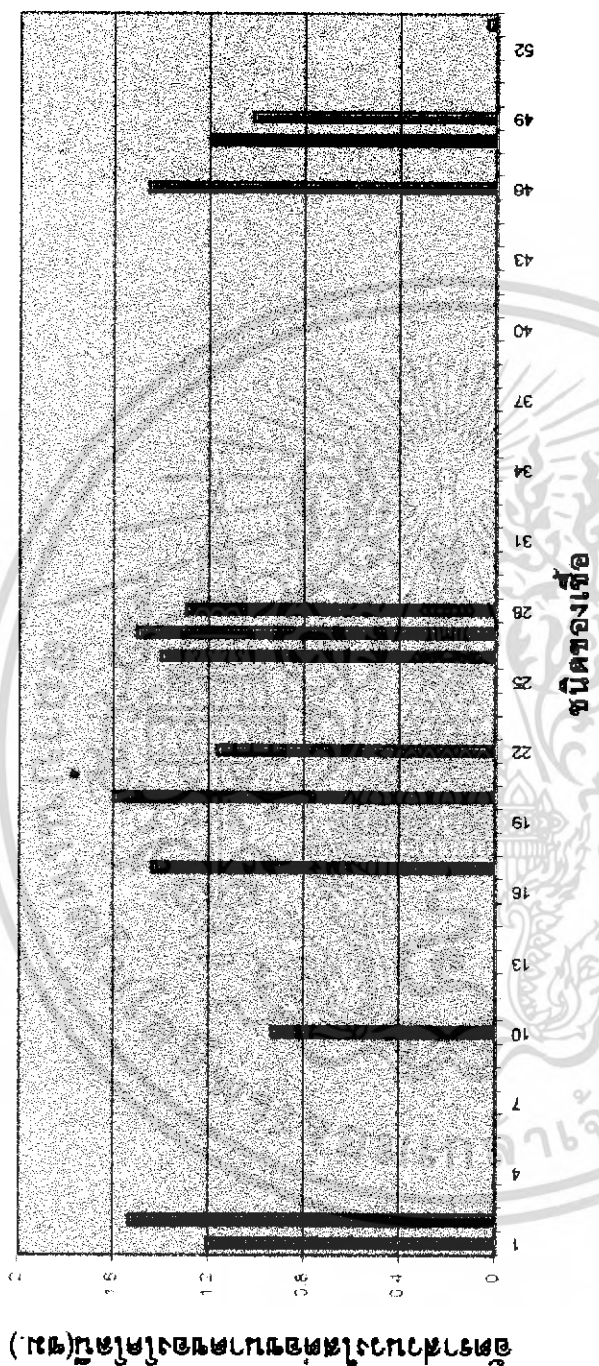
เชื้อ	อัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนี(ชม.)
สายพันธุ์กลายที่ 19	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 20	1.600 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 22	1.162 ^{dc}
สายพันธุ์กลายที่ 24	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 26	1.400 ^{abc}
สายพันธุ์กลายที่ 27	1.500 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 28	1.296 ^{bcd}
สายพันธุ์กลายที่ 39	0.000 ^{g**}
สายพันธุ์กลายที่ 41	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 46	1.452 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 48	1.197 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 49	1.017 ^{cf}
สายพันธุ์กลายที่ 50	0.000 ^{g*}
สายพันธุ์กลายที่ 53	0.033 ^g

* หมายถึง ไม่มีเชื้อขึ้นบนอาหารแข็ง

** หมายถึง มีเชื้อขึ้นแต่ไม่มีการผลิตเอนไซม์

จากผลการทดลองเมื่อทำการวัดอัตราส่วนระหว่างขนาดวงใสรอบโคโลนีต่อขนาดของโคโลนีของสายพันธุ์กลาย พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลาย 8 สายพันธุ์ ที่ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสน้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ที่ 19 , 24 , 7 , 39, 41, 50, 53 และ 10 ที่ให้ค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงปริมาณไม่มีความแตกต่างกันทางสถิติ โดยให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงสุดเท่ากับ 0.000 เซนติเมตร แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆ ในทางสถิติอย่างมีนัยสำคัญที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 4.15 อัตราส่วนวงโคจรของโคโคไลน์ของคอกิจกรรมออนไลน์ "เซมเซกดูเสตของสายพันรักหลายต่างๆ ที่ใช้จ้งข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.10 การศึกษาค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส โดยการใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

สามารถหาค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงคุณภาพในรูปของค่ากิจกรรม (enzyme activity) โดยการนำตัวอย่างเอนไซม์จากอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายจำนวน 13 สายพันธุ์ ที่มีค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อที่มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ที่ 2 ,17 , 20, 22 , 26, 27 , 28, 39, 41 ,48 ,49, 50 และ 53 โดยเชื้อสายพันธุ์กลายที่มีค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงคุณภาพสูงสุดไม่มีความแตกต่างกันทางสถิติ คือ สายพันธุ์ที่ 49 , 26 และ 41 ที่ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงสุด คือ 56.656 ยูนิตต่อมิลลิลิตร (ตารางที่ 4.9) แตกต่างจากเชื้อสายพันธุ์กลายตัวอื่นๆในทางสถิติ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95

ตารางที่ 4.9 กิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสของสายพันธุ์ดั้งเดิมกับสายพันธุ์กลาย ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส(ยูนิต/มล.)
สายพันธุ์กลายที่ 2	39.631 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 7	22.990 ^{ghi}
สายพันธุ์กลายที่ 10	24.972 ^{fgh}
สายพันธุ์กลายที่ 17	31.111 ^{dof}
สายพันธุ์กลายที่ 19	16.957 ⁱ
สายพันธุ์กลายที่ 20	35.683 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 22	36.681 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 24	21.100 ^{hi}
สายพันธุ์กลายที่ 26	53.993 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 27	32.524 ^{cde}
สายพันธุ์กลายที่ 28	35.661 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 39	47.548 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 41	56.656 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 46	26.136 ^{efgh}
สายพันธุ์กลายที่ 48	35.792 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 49	52.470 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 50	29.859 ^{defg}
สายพันธุ์กลายที่ 53	35.032 ^{cd}

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

โดยจากการศึกษาการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ปราศจากเซลล์ โดยเชื้อสายพันธุ์ *Thermomyces langinosus* โดยการใช้วัตถุดิบที่เป็นลิกโนเซลลูโลส พบว่า เมื่อใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ทำการเลี้ยงเชื้อในสภาวะอาหารเหลวที่ 50 องศาเซลเซียส จะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงสุดกว่าการใช้วัตถุดิบที่เป็นลิกโนเซลลูโลสชนิดอื่นๆ คือ 1,438.7 ยูนิต/มิลลิลิตร (Gome และคณะ,1993)

โดยจากการศึกษาการเลี้ยงเชื้อ *Aspergillus fumigatus* AR1 เพื่อผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ปราศจากเซลล์ โดยการเลี้ยงในอาหารเหลว CD-medium ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส ที่ปรับค่าพีเอชเป็น 9.0 โดยใช้แหล่งคาร์บอน คือ ซังข้าวโพด พบว่า ค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสที่ผลิตได้ของเชื้อ *Aspergillus fumigatus* AR1 มีค่าเท่ากับ 19.3 ยูนิต/มิลลิลิตร (Anthony และคณะ, 2003)

4.1.11. การศึกษาค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสโดยการใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

สามารถหาค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสในเชิงคุณภาพในรูปของค่ากิจกรรม (enzyme activity) โดยใช้ตัวอย่างเอนไซม์จากอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน พบว่าเชื้อสายพันธุ์กลายจำนวน 18 สายพันธุ์ที่มีค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อไม่มีแตกต่างกันทางสถิติกับสายพันธุ์ดั้งเดิม คือ สายพันธุ์ 2, 7, 10, 17, 19, 22, 24, 26, 27, 28, 39, 41, 46, 48, 49, 50 และ 53 ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 (ตารางที่ 4.10)

ตารางที่ 4.10 กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

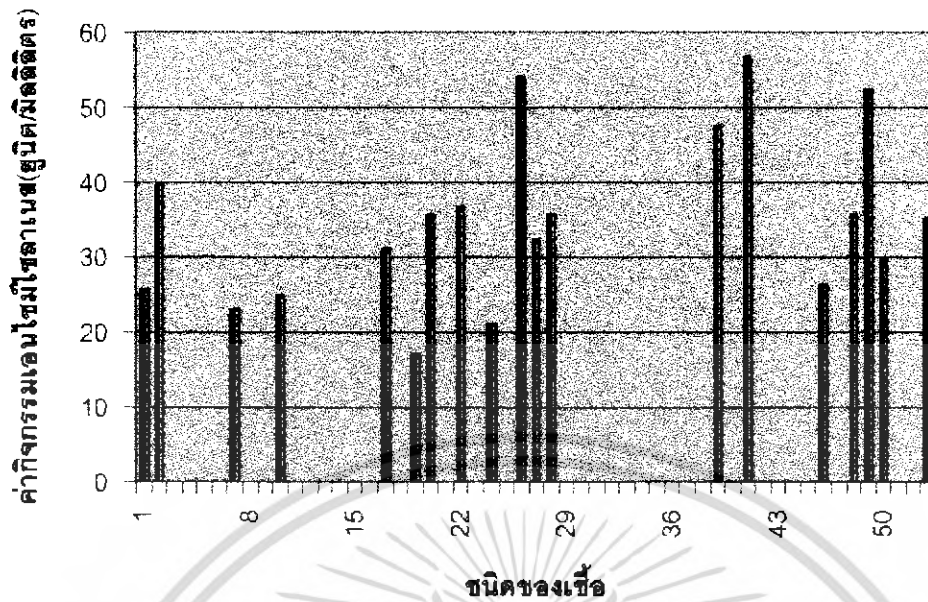
เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	0.00091 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 2	0.02253 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 7	0.01765 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 10	0.01555 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 17	0.02823 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 19	0.00121 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 20	0.05884 ^a

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

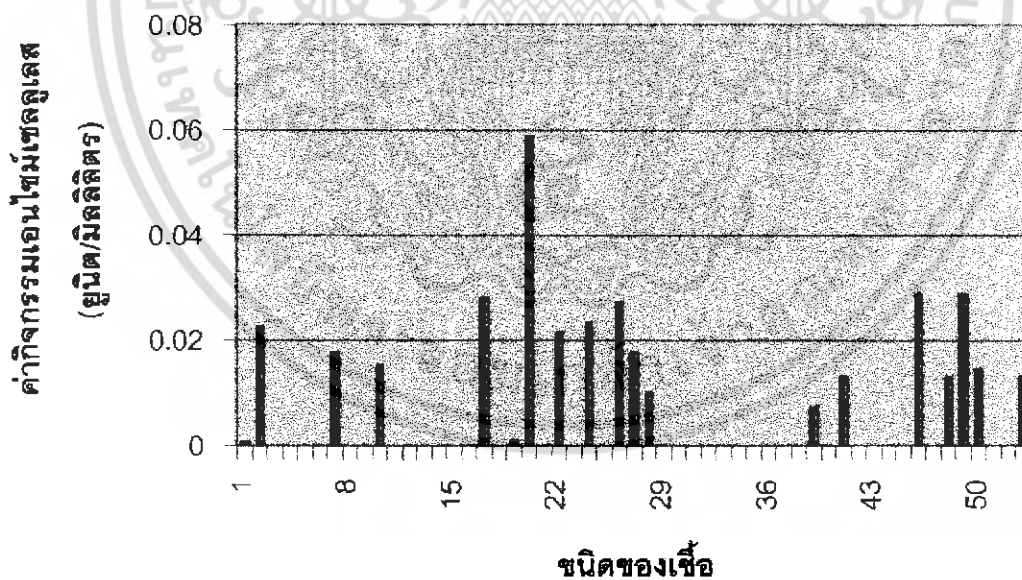
ตารางที่ 4.10 (ต่อ) กิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์ดั้งเดิมและสายพันธุ์กลาย
ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เชื้อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์กลายที่ 22	0.02169 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 24	0.02361 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 26	0.02738 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 27	0.01785 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 28	0.00996 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 39	0.00718 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 41	0.01322 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 46	0.02873 ^{ab}
สายพันธุ์กลายที่ 48	0.01474 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 49	0.01312 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 50	0.01525 ^b
สายพันธุ์กลายที่ 53	0.01484 ^b

โดยจากการศึกษาการผลิตเอนไซม์ไซลาลเนสที่ปราศจากเซลลูเลส โดยเชื้อสายพันธุ์ *Thermomyces langinosus* โดยการใช้วัตถุดิบที่เป็นลิกโนเซลลูโลส พบว่า เมื่อใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ทำการเลี้ยงเชื้อในสภาวะอาหารเหลวที่ 50 องศาเซลเซียส จะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสน้อยมาก สามารถนับได้ว่าไม่มีการผลิตเอนไซม์เซลลูเลส คือ น้อยกว่า 0.01 ยูนิต/มิลลิลิตร (Gome และคณะ,1993)



รูปที่ 4.16 กิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายต่างๆ ที่ใช้ขังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน



รูปที่ 4.17 กิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายต่างๆ ที่ใช้ขังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.1.11 เปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงคุณภาพ จากแหล่งคาร์บอนที่ต่างกัน
 ตารางที่ 4.11 เปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสและเซลลูเลสของสายพันธุ์ กลายและ
 สายพันธุ์ดั้งเดิม ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

ชื่อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน (ยูนิต/มิลลิลิตร)	ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสใช้ ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน (ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	31.524 ^{hijklm}	25.810 ^{lmn}
สายพันธุ์กลายที่ 2	34.444 ^{ghijk}	40.510 ^{ghijk}
สายพันธุ์กลายที่ 7	36.259 ^{ghij}	22.990 ^{mn}
สายพันธุ์กลายที่ 10	37.360 ^{ghij}	4.972 ^{lmno}
สายพันธุ์กลายที่ 17	37.088 ^{ghij}	31.111 ^{ijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 19	42.201 ^{ef}	16.957 ^o
สายพันธุ์กลายที่ 20	66.799 ^b	35.683 ^{ghij}
สายพันธุ์กลายที่ 22	40.510 ^{efgh}	36.681 ^{ghij}
สายพันธุ์กลายที่ 24	43.536 ^{cf}	21.100 ^{no}
สายพันธุ์กลายที่ 26	100.614 ^a	53.860 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 27	42.143 ^{cf}	32.524 ^{ghijklh}
สายพันธุ์กลายที่ 28	36.397 ^{ghij}	35.661 ^{ghij}
สายพันธุ์กลายที่ 39	56.993 ^c	37.548 ^{de}
สายพันธุ์กลายที่ 41	41.662 ^{efg}	56.656 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 46	34.789 ^{ghij}	26.136 ^{klmn}
สายพันธุ์กลายที่ 48	53.860 ^{cd}	35.792 ^{ghij}
สายพันธุ์กลายที่ 49	37.112 ^{ghij}	52.470 ^{cd}
สายพันธุ์กลายที่ 50	36.135 ^{ghij}	29.859 ^{ijklmn}
สายพันธุ์กลายที่ 53	38.664 ^{efghij}	35.032 ^{ghij}

จากการทดลองพบว่า สายพันธุ์กลายที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนจะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสสูงกว่าสายพันธุ์กลายที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนในทางสถิติ คือ สายพันธุ์กลาย 49 และสายพันธุ์กลาย 41 ซึ่งมีค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนส คือ 52.470 ยูนิต/มิลลิลิตร และ 56.656 ยูนิต/มิลลิลิตร ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 ส่วนสายพันธุ์กลายที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนจะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสไม่แตกต่างกันทางสถิติกับสายพันธุ์กลายที่ใช้เอกสารเป็นเอกสารที่สวงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไมออนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน คือ สายพันธุ์ดั้งเดิม สายพันธุ์กลายที่ 2, 17, 22, 28, 50 และ 53 ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 ส่วนสายพันธุ์กลายที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนจะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซเลนน้อยกว่าสายพันธุ์กลายที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนในทางสถิติ คือ สายพันธุ์กลาย 7, 10, 19, 20, 24, 27, 26, 39, 46 และสายพันธุ์กลาย 48 โดยสายพันธุ์กลายที่ 26 ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซเลนสที่ผลิตได้สูงสุดที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน คือ 100.6147 ยูนิค/มิลลิลิตรอย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 (ตารางที่ 4.11) จากการศึกษาการเลี้ยงเชื้อ *Aspergillus fumigatus* ARI ในอาหารเหลวที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส ที่ค่าพีเอช 9.0 โดยใช้แหล่งคาร์บอนที่แตกต่างกัน คือ ไซเลนและซังข้าวโพด พบว่า เชื้อที่เจริญในอาหารที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนให้กิจกรรมเอนไซม์ไซเลนส (24 ยูนิค/มิลลิลิตร) สูงกว่าเชื้อที่เจริญในอาหารที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน (19.3 ยูนิค/มิลลิลิตร) (Anthony และคณะ, 2003)

4.1.12 เปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสในเชิงคุณภาพ จากแหล่งคาร์บอนที่ต่างกัน
ตารางที่ 4.12 เปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กลายและสายพันธุ์ดั้งเดิม
ในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

ชื่อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสใช้ ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน (ยูนิค/มิลลิลิตร)	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่ง คาร์บอน(ยูนิค/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์ดั้งเดิม	0.00941 ^{bc}	0.00091 ^c
สายพันธุ์กลายที่ 2	0.00527 ^{bc}	0.02253 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 7	0.00656 ^{bc}	0.01765 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 10	0.00523 ^{bc}	0.01555 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 17	0.00563 ^{bc}	0.02823 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 19	0.00257 ^{bc}	0.00121 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 20	0.00069 ^c	0.05888 ^a
สายพันธุ์กลายที่ 22	0.00318 ^{bc}	0.02169 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 24	0.00332 ^{bc}	0.02361 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 26	0.00697 ^{bc}	0.02738 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 27	0.00318 ^{bc}	0.017853 ^{bc}
สายพันธุ์กลายที่ 28	0.00299 ^{bc}	0.00996

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4.12 (ต่อ) เปรียบเทียบค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสของสายพันธุ์กล้วยและพันธุ์
ดั้งเดิมในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน

ชื่อ	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสใช้ ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน (ยูนิต/มิลลิลิตร)	ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลส ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่ง คาร์บอน(ยูนิต/มิลลิลิตร)
สายพันธุ์กล้วยที่ 39	0.00748 ^{bc}	0.00748 ^{bc}
สายพันธุ์กล้วยที่ 41	0.00963 ^{bc}	0.01322 ^{bc}
สายพันธุ์กล้วยที่ 46	0.00403 ^{bc}	0.02873 ^{bc}
สายพันธุ์กล้วยที่ 48	0.00601 ^{bc}	0.01474 ^{bc}
สายพันธุ์กล้วยที่ 49	0.13303 ^{bc}	0.01312 ^{bc}
สายพันธุ์กล้วยที่ 50	0.00392 ^{bc}	0.01525 ^{bc}
สายพันธุ์กล้วยที่ 53	0.00780 ^{bc}	0.01484 ^{bc}

จากการทดลองพบว่า สายพันธุ์กล้วยที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนจะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสสูงกว่าสายพันธุ์กล้วยที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนในทางสถิติ คือ สายพันธุ์กล้วย 20 ซึ่งมีค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซเลนเนส คือ 0.5884 ยูนิต/มิลลิลิตร อย่างมีนัยสำคัญ ที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 และสายพันธุ์กล้วยที่ใช้ซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนที่เหลือจะให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซเลนเนสไม่แตกต่างกันทางสถิติกับสายพันธุ์กล้วยที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอนที่ระดับความเชื่อมั่นร้อยละ 95 (ตารางที่ 4.12)

บทที่ 5

สรุปผลการทดลองและข้อเสนอแนะ

จากการศึกษาการหาร้อยละของอัตราการอยู่รอด เพื่อใช้ในการคัดเลือกเชื้อที่เกิดการกลายพันธุ์ โดยการคัดเลือกที่เซลล์เริ่มต้นหายไปร้อยละ 95 หรือร้อยละของการอยู่รอดเท่ากับ 5 เมื่อผ่านการชักนำโดยสารเคมี N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) 100 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 30 นาที และการฉายแสงอัลตราไวโอเล็ต (256 นาโนเมตร) ได้ที่เวลา 3 นาที ที่ความเจือจางของสปอร์ คือ 10^{-2} จะมีอัตราการอยู่รอดประมาณร้อยละ 5.26 เพื่อใช้ในการคัดเลือกเชื้อกลายพันธุ์ที่ต้องการต่อไป

เมื่อนำเชื้อสายพันธุ์กลายที่ผ่านการชักนำแล้ว ไปทดสอบการคัดเลือกสายพันธุ์กลายตามจุดประสงค์ของงานวิจัย โดยการศึกษาหาค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงปริมาณ จากการวัดอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในอาหารที่มีแหล่งไซแลนเป็นคาร์บอน ซึ่งมีคุณสมบัติในการชักนำการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส และศึกษาหาค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลานเนสในเชิงคุณภาพ เพื่อใช้ในการเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์ระหว่างเอนไซม์ทั้งสอง เพื่อใช้ในการคัดเลือกเชื้อกลายพันธุ์ที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่ปราศจากเซลล์เลส พร้อมทั้งเปรียบเทียบกิจกรรมเอนไซม์ที่ผลิตจากเชื้อสายพันธุ์ดั้งเดิมกับเชื้อกลายพันธุ์ และจากการทดลองพบว่า เชื้อสายพันธุ์กลาย 26 มีประสิทธิภาพมากที่สุดในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสทนร้อนสูงสุดต่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสทั้งในเชิงปริมาณและในเชิงคุณภาพในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน ซึ่งให้ค่ากิจกรรมของเอนไซม์เชิงคุณภาพสูงสุดเท่ากับ 100.6147 ยูนิต/มิลลิลิตรและมีอัตราส่วนของวงใสต่อขนาดของโคโลนีเท่ากับ 5.133 เซนติเมตร พร้อมทั้งมีความสามารถในการผลิตเอนไซม์เซลล์เลสน้อยกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมในเชิงปริมาณและมีค่ากิจกรรมเอนไซม์เท่ากับสายพันธุ์ดั้งเดิมในเชิงคุณภาพ โดยสามารถคัดเลือกสายพันธุ์กลายที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสที่สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมและให้ค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลล์เลสในปริมาณต่ำกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม ได้ทั้งหมด 18 สายพันธุ์ ได้แก่ สายพันธุ์ที่ 2, 7, 10, 17, 19, 20, 22, 24, 26, 27, 28, 39, 41, 46, 48, 49, 50 และ 53 ไปเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีการเปลี่ยนแหล่งคาร์บอนไปเป็นซังข้าวโพด พบว่าสายพันธุ์กลายที่ 49, 41 และสายพันธุ์กลายที่ 26 มีประสิทธิภาพมากที่สุดในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสสูงสุดต่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสทั้งในเชิงปริมาณและในเชิงคุณภาพ ที่ให้ค่ากิจกรรมเอนไซม์สูงสุด คือ 56.656 ยูนิต/มิลลิลิตรและให้อัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีเท่ากับ 3.518 เซนติเมตร และให้ค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลล์เลสในปริมาณต่ำกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม และเมื่อนำมาเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสและเซลล์เลสที่มีแหล่งคาร์บอนต่างกัน พบว่าสายพันธุ์กลายที่ 41 และสายพันธุ์ที่ 49

เอ็กสักรีนเป็นเอกสารที่สงวนลิขสิทธิ์ไว้เพื่อใช้ในการศึกษาเท่านั้น เมื่อผู้เผยแพร่เห็นประโยชน์ทางด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ที่ใช้ซึ่งข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนมีค่ากิจกรรมสูงกว่าสายพันธุ์กล้วยเดียวกันที่ใช้ไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน ในขณะที่ความสามารถในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสของทั้งสองสภาวะไม่แตกต่างกัน

เมื่อนำผลที่ได้จากการทดลองทั้งหมดทุกๆ เชื้อมาพิจารณารวมกัน สามารถหาสายพันธุ์ที่เหมาะสมในการผลิตเอนไซม์ไซลานีสทนอุณหภูมิสูงปราศจากเซลลูเลสที่มีไซเลนเป็นแหล่งคาร์บอน คือ สายพันธุ์กล้วยที่ 26 สามารถผลิตเอนไซม์ไซลานีสมากที่สุด และสายพันธุ์ที่มีความเหมาะสมในการใช้แหล่งคาร์บอนทดแทน คือ สายพันธุ์กล้วยที่ 49 และสายพันธุ์ที่ 41



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ข้อเสนอแนะ

1. ในขั้นตอนการฉายแสงอัลตราไวโอเลตควรมีการระมัดระวังไม่ให้โดนแสง เนื่องจากอาจเกิด photoreactivity หรือ reverse mutation จะทำให้เชื้อเกิดการกลายพันธุ์น้อยลง
2. ควรมีการวิเคราะห์หาปริมาณโปรตีนเพิ่มเติม เพื่อที่จะสามารถหาค่ากิจกรรมเอนไซม์ได้อย่างถูกต้องและน่าเชื่อถือมากขึ้น เพราะแหล่งของเอนไซม์อาจมีโปรตีนชนิดอื่นปะปนอยู่
3. นอกจากซังข้าวโพดที่เป็นวัตถุดิบเหลือใช้ทางการเกษตรแล้ว ควรมีการวิจัยใช้แหล่งวัตถุดิบเหลือใช้อื่นๆมาเป็นแหล่งคาร์บอนอีก เช่น เปลือกข้าว หรืออาจมีการแปรผันขนาดของแหล่งคาร์บอนเพื่อที่จุลินทรีย์จะนำไปใช้ในการผลิตเอนไซม์ได้ดียิ่งขึ้น
4. ในการเก็บรักษาแหล่งของเอนไซม์ที่ได้จากจุลินทรีย์ ควรมีการเก็บรักษาที่อุณหภูมิเหมาะสมและไม่ควรนำมา thaw ใหม่บ่อยครั้ง อาจเป็นผลให้ค่ากิจกรรมของเอนไซม์เปลี่ยนแปลงหรือลดลงได้
5. ศึกษาเปรียบเทียบการผลิตเอนไซม์จากเชื้อชนิดอื่น ๆ ที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์เช่นเดียวกัน
6. ศึกษาหาสภาวะที่เหมาะสมในการผลิตเอนไซม์จากสายพันธุ์กลายชนิดนี้ เพื่อให้จุลินทรีย์สามารถผลิตเอนไซม์มากที่สุด
7. ควรมีการปรับปรุงสายพันธุ์ที่ศึกษาอยู่เพื่อให้ผลิตเอนไซม์มากขึ้น ด้วยการใช้กรรมวิธีชักนำ โดยการใช้สารชักนำชนิดอื่นๆช่วย

เอกสารอ้างอิง

- จุฑามาศ มณีวงศ์. 2546. การคัดเลือกแบคทีเรียที่ชอบด่างที่ผลิตเอนไซม์ไซลานเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 28-49
- ชนัญญา ทิพย์มงคลศิลป์, นัฐวัฒน์ ชินะโยธิน และอภิวัฒน์ ถีกคุ้ม. 2545. การชักนำและการคัดเลือกสายพันธุ์กลายจากเชื้อราเพื่อเพิ่มการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 12-57
- บัญญัติ สุขศรีงาม. พิมพ์ครั้งที่ 3. จุลชีววิทยาทั่วไป. กรุงเทพฯ : โอเดียนสโตร์. หน้า 57-62
- ภัทรพร แสงสว่าง, พัชรี จารุวัฒน์ชัยกุล และอริพงษ์ สายหยุด. 2543. การชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์กลายออกโซโทรปจากเชื้อ *Penicillium sp.* เพื่อผลิตเอนไซม์ไซลานเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 8-24
- มาริสา บินอุสมัน, ยุทธกร นาคศรี และรอง พิริยะพิทยา. 2540. การแยกและการคัดเลือกสายพันธุ์ของเชื้อราในสภาพธรรมชาติเพื่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 22-34
- เรวดี ปรีบัว. 2547. การแยกและการคัดเลือกเชื้อราจากดินในเขตภาคตะวันออกเฉียงเหนือของประเทศไทยเพื่อการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 14-48
- วิรัชญา ขวเจริญพันธ์, เสาวภา อาสน์ศิริรัตน์ และอารยา วงศ์พินิจวโรดม. 2546. การชักนำและการคัดเลือกสายพันธุ์กลายจากเชื้อ *Aspergillus fumigatus* เพื่อเพิ่มการผลิตเอนไซม์ไซลานเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 11-25
- สมใจ ศิริโชค. 2537. เทคโนโลยีการหมัก. กรุงเทพฯ : ศูนย์ส่งเสริมกรุงเทพ. หน้า 17-19
- สุพัตรา บวรลักษณ์กุล, สุวัฒน์วดี ไชยวัน และอังฉา บุตรสุด. 2542. การหาสภาวะที่เหมาะสมในการผลิตเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อราที่แยกได้จากสภาพธรรมชาติ. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขา เทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 22-34

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

อารี ฤทธิบุรณ์. 2547. เทคโนโลยีของเอนไซม์. กรุงเทพฯ :โครงการตำรา คณะวิทยาศาสตร์
สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง. หน้า 72-74

Anand, I., Krishnamurthy, S. and Vithayathil, P. J. 1990. Purification and properties of xylanase from the thermophilic fungus *Humicola lanuginosa*. *Arch Biochemistry biophysical*. (257) : 546-53.

Anthony, T., Chandra Raj, K., Rajendram, A. and Gunasekaran, P. 2003. High molecular weight cellulase-free xylanase from alkali-tolerant *Aspergillus fumigatus* AR1. *Enzyme and Microbial Technology*.(32) : 647-654.

Anthony, T., Chandra Raj, K., Rajendram, A. and Gunasekaran, P. 2003. Inhibition of proteases during fermentation improves xylanase production by alkali tolerant *Aspergillus fumigatus* AR1. *Journal of Bioscience and Bioengineering*. (96) : 394-396.

Bailey, M. J. and Viikari, L. 1993. Production of xylanase by *Aspergillus fumigatus* and *Aspergillus oryzae* on xylan based media. *World Journal of Microbial and Biotechnology*. (9) : 80-84.

Bansod, S. M., Dutta-Choudary, M., Srinivasan, M. C. and Rele, N. V. 1993. Xylanase active at high pH from an alkali-tolerant *Cephalosporium* sp. *Biotechnology Letter*. (15) : 965-970.

Balakrishana, H., Srinivasan, M. C. and Rele, M. V. 1997. Extracellular protease activities in relation to xylanase secretion in an alkalophilic *Bacillus* sp. *Biotechnology Letter*. (18) : 599-601.

Bansod, S. M., Dutta-Choudary, M., Srinivasan, M. C. and Rele, M. V. 1993. Xylanase active at high pH from an alkalo-tolerant *Cephalosporium* sp. *Biotechnology Letter*. (35) : 965-970.

Bastawde, K.B. 1992. Xylan structure, microbial xylanase and their mode of action. *World Journal of Microbiology and Biotechnology*. (8) : 353-368.

Beg, O.K., Bushan, B., Kapoor, M. and Hoondal, G. S. 2000. Production and characterization of thermostable xylanase and pectinase from a *Streptomyces* sp. QG-11-3. *Journal of Industry Microbiology and Biotechnology*. (24) : 396-402.

Biely, P. 1985. Microbial xylanolytic systems. *Tread in Biotechnology*. (3) : 286-290.

Carlile, S., Hyams, S. and Delancy, S. 200. Discrepancies between Gleason scores of needle biopsy and redicle prostatectomy specimens. *Pathos Interchange*. (256):364-70.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

- Chandra Raj, K. and Chandra, T. S. 1995. Production of cellulase-free xylanase from an alkalo-tolerant *Aspergillus fischeri* Fxn1. *Biotechnology Letter*. (17) : 309–314.
- Chandra Raj, K. and Chandra T. S. 1996. Purification and characterization of xylanase from alkalo-tolerant *Aspergillus fischeri* Fxn1. *FEMS Microbial Letter*. (145) : 457–461.
- Chaplin, M. F. and Bucke, C. 1992. *Enzyme technology*. London : Cambridge university. pp. 75-84
- Clarke, R. T. J., Bally, R. W. and Gaillard, B. D. E. 1969. Growth of rumen bacteria on plant cell wall polysaccharide. *Journal of General Microbiology*. (56) : 79-86.
- Coughlan, M. P. and Hazlewood, G. P. 1993. β -1,4-D-xylan-degrading enzyme systems: biochemistry, molecular biology and applications. *Biotechnology Application Biochemistry*. (17) : 259-289.
- Das, A. and Nanda, G. 1995. Production of xylanolytic enzymes during growth on pulverized grass by *Aspergillus ochraceus*-42. *Letter Application of Microbial*. (20) : 141–144.
- Derewenda, Z., Green, R., Smith, S., Swenson, L. 1994. Crystallization of thioesterase II from *Escherichia coli*. *Journal of Molecular Biology*. 236(2):660-662.
- Eisenthal, R. and Danson, M. J. 1992. *Enzyme assays a practical approach*. New York: Oxford University Press. 22 pp.
- Espinar, M. T. F., Pinaga, F., Sanz, P., Ramon, D. and Valles, S. 1993. Purification and characterization of a neutral endoxylanase from *Aspergillus nidulans*. *FEMS Microbial Letter*. (113) : 223–228.
- Frederick, M., Kiang, C. H., Frederick, J. R. and Reilly, P. J. 1985. Purification and characterization of endoxylanases from *Aspergillus niger* two isoenzymes active on xylan backbones near branch points. *Biotechnology and Bioengineer*. (26) : 525–532.
- Gamerith, G., Groicher, R., Zeilinger, S., He4rzog, P. and Kubicek, C. P. 1992. Cellulase-poor xylanase produced by *Trichoderma reesei* Rut C-30 on hemicellulose substrates. *Applied Microbiology and Biotechnology*. (38) : 315-322.
- Gascoigne, J. and Gascoigne, M. M. 1960. The xylanase of *Fusarium roseum*. *Journal of General Microbiology*. (22) : 242-248.
- Ghosh, M. and Nanda, G. 1994. Physiological studies on xylose induction and glucose repression of xylanolytic enzyme in *Aspergillus sydowii* MG 49. *FEMS Microbiology Letter*. (117) : 151-156.

- Gomes, J., Purkarthofer, H., Hayn, M., Kapplmuller, J., Sinner, M. and Steiner, W. 1993. Production of a high level of cellulase-free xylanase by the thermophilic fungus *Thermomyces lanuginosus* in laboratory and pilot scale using lignocellulosic materials. *Application of Microbial and Biotechnology*. (39) : 700–707.
- Gomes, D. J., Gomes, J. and Steiner, W. 1994. Production of highly thermostable xylanase by a wild strain of thermophilic fungus *Thermoascus aurantiacus* and partial characterisation of the enzyme. *Journal of Biotechnology*. (37) : 11-22.
- Filho, E. F. X. 1998. *Hemicellulose and biotechnology*. India :Pandalai. pp 47-55 .
- Haas, H., Herfurth, E., Stoffler, G. and Redl, B. 1992. Purification characterization and amino acid sequences of xylanase produced by *Penicillium chrysogenum*. *Biochemistry and Biophysical Activity*. 111(17) : 279–86.
- Hawksworth, D. L. 1991. The fungal dimension of biodiversity: magnitude, significance and conservation. *Mycological Research*. (95) : 641-655.
- Horikoshi, T. 1999. Alkaliphile : some application of their products for biotechnology. *Microbial Molecular and Biology Review*. 63(4) : 735-750.
- Horikoshi, K. and Akiba, T. 1982. *Alkaliphilic microorganism-a new microbial world*. Tokyo : Japan societies Press. pp 60-62 .
- Hrmova, M., Biely, P. and Vrsanska, M. 1989. Cellulose and xylan-degrading enzyme of *Aspergillus terreus* and *Aspergillus niger*. *Archives of Microbiology*. (11) : 610-616.
- Iwamoto, T., Sasaki, T. and Inaoka, M. 1973. Hemicellulase their occurrence, purification, properties and mode of function. *Advance Carbohydrate Chemistry and Biochemistry*. (32) : 277-352.
- John, M., Schmidt, B. and Schmidt, J. 1979. Purification and some properties of five endo-1,4- β -D-xylosidase and β -D-xylosidase produced by strain of *Aspergillus niger*. *Canadian Journal of Biochemistry*. (57) : 125-135.
- Kang, M. K., Maeng, P. and Rhee, Y. H. 1996. Purification and characterization of two xylanases from alkaliphilic *Cephalosporium* sp. *Application of Environment Microbial*. (62) : 3480–3482.
- Khanna, P., Sundari, S. S. and Kumar, N. J. 1995. Production isolation and partial purification of xylanases from an *Aspergillus* sp. *World Journal of Microbial and Biotechnology*. (11) : 242–243.

- Kimura, I., Sasahara, H. and Tajima, S. 1995. Purification and characterization of two xylanases and an arabinofuranases from *Aspergillus sojae*. *Journal of Fermentation Technology and Bioengineer.* (80) : 334–339.
- Kitprechavanich, V., Hayashi, M. and Nagai, S. 1984. Production of xylan degrading enzymes by thermophilic fungi *Aspergillus fumigatus* and *Humicola lanuginosa*. *Journal of Fermentation Technology.* (62) : 63–69.
- Kirk, P. M., Cannon, P. E., David, J. C. and Stalpers, J. A. 2001. *Ainsworth and Bisby's dictionary of fungi* . 9th (ed.). UK : Publishing. 55 pp.
- Kormelink, F. J. M., Gruppen, H., Victor, R. J. and Voragen, A. G. J. 1993. Model of action of the xylan degrading enzymes from *Aspergillus awamori* on alkali-extractable cereal arabinoxylans. *Carbohydrate Rescher.* (249) : 369–375.
- Kormelink, F. J. M., Scarle-van Lecuween, M. J. F., Wood, T. M. and Voragen, A. G. J. 1993. Purification and characterization of three endo- (1,4)- β -xylanase and one β -xylosidase from *Aspergillus awamorsi* . *Journal of Biotechnology.* (27) : 249-265.
- Krall, R. G. 1990. *Alkalophiles*. New York :Mc Graw-Hill Publishing Co. pp 48-49.
- Kubata, B. K., Sujuki, T., Horitsu, H., Kawai, K. and Takamizawa, K. 1994. Purification and characterization of *Aeromonas caviae* ME-1 xylanaseV which produce exclusively xylobiose from xylan. *Applied of Environment Microbial.* (60) : 531-537.
- Kulkarni, N., Shendyc, A. and Rao, M. 1999. Molecular and biotechnological aspects of xylanases. *FEMS Microbiology Review.* (23) : 411-456.
- Kuhad, R. C., Sing, A., Tripathi, K. K., sexena, R. X. and Eriksson, K. E. L. 1997. Microorganism as an alternative source of protein. *Nutrition Review.* (55) : 65-75.
- Kunert, J. and Kopecek, P. 2000. Multiple forms of the serine protease alp of *Aspergillus fumigatus*. *Mycoses.* (43) : 339-347.
- Lenartovicz, V., Souza, C., Moreira, F. and Peralta, R. 2003. Temperature and carbon source affect the production and secretion of a thermostable b-xylosidase by *Aspergillus fumigatus*. *Process Biochemistry.* (38) : 1775-1780.
- Lowry, O. H., Rosebrough, N. J., Farr, A. L. and Randall, R. J. 1951. Protein measurement with the Folin phenol reagent. *Genetic Microbial.* (131) : 3017-3027.
- Magnuson, T. S. and Crawford, D. L. 1997. Purification and characterization of an alkaline xylanase from *Streptomyces viridosporus* T7A. *Enzyme and Microbial Technology.* (21) : 260–264.

- Mandels, M. and Weber, J. 1969. *The production of cellulase, Advances in Chemistry Serology*. Washington D.C. : American Chemistry Serology. pp 47-48 .
- Martin, C., Galbe, M., Wahlbom, F. C., Hahn-Hagerdal, B. and Jonsson, J. L 2002. Ethanol production from enzymatic hydrolysates of sugarcane bagasse using recombinant xylose-utilising *Saccharomyces Cerevisiae*. *Enzyme and Microbial Technology*. (31) : 274-282.
- Miller, G. L. 1959. Use of dinitrosalicylic acid reagent for determination of reducing sugar. *Analysis Chemistry*. (31) : 426-428.
- Mitchell, R. E. J., Morrison, D. P. and Gragtmans N. J. 1988. The influence of a hyperthermia treatment on chemically induced tumor initiation and progression in mouse skin. *Carcinogenesis*. 9(3) : 379-385.
- Morales, P., Madarro, A., Flors, A., Sendra, J. M. and Perez-Gonzalez, J. A. 1995. Purification and characterization of a xylanase and an arabinofuranosidase from *Bacillus polymyxa*. *Enzyme and Microbial Technology*. (17) : 424-429.
- Nummi, M., Perrin, J. M., Niku-Paavola, M. L. and Enari, T. M. 1985. Measurement of xylanase activity with insoluble xylan substrate. *Biochemistry Journal*. (226) : 617-620.
- Paice, M. G., Jurask, L., Carpenter, M. R. and Smillie, L. H. 1978. Production, characterization and partial amino acid sequence of xylanase A. from *Schizophyllum commune*. *Applied of Environmental Microbiology*. (36) : 802-808.
- Pou-Llinas, J. and Driguez, H. 1987. D-xylose as inducer of xylan-degrading enzyme system in yeast *Pullularia pullulans* . *Applied Microbiology and Biotechnology*. (27) : 355-361.
- Purkarthofer, H. and Steiner, W. 1995. Induction of endo β -xylanase in the fungus *Thermomyces langinosus*. *Enzyme and Microbial Technology*. (17) : 114-118.
- Raj, K. and Chandra, T. S. 1996. Purification and characterization of xylanase from alkalotolerant *Aspergillus fischeri* Fxn1. *Biotechnology Letter*. (17) : 309-314.
- Rotto, M., Poutanen, K. and Viikari, L. 1992. Production of xylanase enzyme by an alkali-tolerant *Bacillus circulans* strain. *Applied Microbiology and Biotechnology*. (37) : 470-473.
- Royer, J. C. and Nakas, J. P. 1990. Interrelationship of xylanase induction and cellulase induction of *Trichoderma longibrachiatum*. *Applied Microbiology and Biotechnology*. (11) : 405-410.

- Saddler, J. N., Nazhad, M. and Ramos, L. 1993. Effect of enzymatic hydrolysis on the morphology and fine structure of pretreated cellulosic residues. *Enzyme and Microbial Technology*. (15) : 821-831.
- Singh, S., Pillay, B., Dilsook, V. and Prrior, B. A. 2000. Production and properties of hemicellulase by *Thermomyces Langinosus* strain. *Journal of Applied Microbiology*. (88) : 119-128.
- Steiner, W., Lafferty, R. M., Gomes, I. and Esterbauer, H. 1987. Studies on wild strain of *Schizophyllum commune* : cellulase and xylanase production and formation of the extracellular polysaccharide schizophyllan. *Biotechnology and Bioengineer*. (30) : 169-178.
- Strobel, G.A. 1963. A xylanase system produced by *Diplodia viticola*. *Phytophysical Pathlogy*. (53) : 592-596.
- Sunna , A. and Antranikian, G. 1997. Xylanase enzyme from Fungi and Bacteria. *Critical Review Biotechnology*. (17) : 39-47.
- Tang, L. U. L., Yu, E. K. C., Louis-Scize, G. W. and Saddler, J. W. 1987. Inexpensive, rapid produre for bulk purification of cellulose-free beta,1-4.D-xylanase for High specific activity. *Biotechnology and Bioengineering*. (30) : 96-106.
- Toh, W. 1978. Wage sausality in the aukruse-cfo model:The Australin case. *Economic Letter*. 1(2) : 379-382.
- Tsujibo, H., Ohtsuki, T., Ito, T., Yamasaki, I., Miyamoto, K., Sugiyama, M. and Inamori, Y. 1997. Cloning and sequence analysis of gene encoding xylanase and acetyl xylan esterase from *Strptomyces thermoviolaceus* OPC-520. *Applied of Environmental Microbiology*. (63) : 615-620.
- Viikari , L., Kantelinan, A ., Poutanen, K. and Ranua, M. 1990. Characterization of pulp treated with hemicellulolytic enzyme prior to bleaching: *Biotechnology in pulp and paper manufacture*. Boston:Butterworth Heinemann. pp 24-32 .
- Vodopich and Moore. 2002. *Biology laboratory manual*. 5th (ed.) Massachusetts : McGraw-Hill Companies, Inc. pp 12-13 .
- Vrocmen, S., Heldeas, J., Boyd, C., Henrissat, B. and Keen, T. N. 1995. Cloning and characterization of the *bgx A* gene from *Erwinia chrysanthemi* D1, which Encodes a β -Glucosidase/xyloxidase Enzyme. *Molecular genetic and genetechonlogy*. (246) :465-477.

Whister, R. L. and Richards, E. L. 1970. The carbohydrates chemistry and biochemistry. Vol.2
New York : academic Press. 22 pp.

Wong, K. K. Y., Larry Tan, U. L. and Saddler, J. N. 1988. Multiplicity of 14-xylanases in
microorganism functions and applications. *Microbial Review*. (52) : 305-317.

Wong, K. K. Y. and Saddler, S. N. 1992. *Trichoderma* xylanases, their properties and
applications. *Critical Review Biotechnology*. (12) : 413-435.

http://www.enzyme.co.uk/Basics/cell_wall.gif

<http://www.lsbu.ac.uk/water/hycmc.html>

<http://www.mrc-lmb.cam.ac.uk/genomes/date/1bg4.html>

<http://www.sci.muni.cz/mikrob/Miniatlas/asp-fu.htm>



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ภาคผนวก

ภาคผนวก ก

ก. อาหารสูตรต่างๆในการเลี้ยงและการรักษาจุลินทรีย์

PDA Medium

มันฝรั่ง	200	กรัมต่อลิตร
เด็กโทส	20	กรัมต่อลิตร
วุ้น	15	กรัมต่อลิตร

วิธีการเตรียมอาหารที่ใช้เก็บรักษาจุลินทรีย์

1. ชั่งอาหาร PDA ในสัดส่วนให้ได้ปริมาตรตามต้องการ
2. ละลายสารเข้าด้วยกันในน้ำกลั่นปริมาตร 1 ลิตร
3. นำไปปรับค่าพีเอชให้ได้ 6.0
4. บรรจุลงในขวดอาหารเลี้ยงเชื้อ
5. นำอาหารที่เตรียมไว้หนึ่งขวดที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส 15 นาที

Czapek-Dox (CD) medium

ส่วนที่ 1,แร่ธาตุหลัก

NaNO_2	3.0	กรัมต่อลิตร
KH_2PO_4	1.0	กรัมต่อลิตร
MgSO_4	0.5	กรัมต่อลิตร
FeSO_4	0.01	กรัมต่อลิตร
Yeast extract	5.0	กรัมต่อลิตร
ผงวุ้น	15	กรัมต่อลิตร

ส่วนที่ 2 ,แร่ธาตุเสริม

Cellulose	10	กรัมต่อลิตร
หรือ Oat spelt xylan	10	กรัมต่อลิตร

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

วิธีการเตรียมอาหารที่ใช้ในการคัดเลือกจุลินทรีย์

1. ชั่งส่วนประกอบของอาหารส่วนที่ 1 ในสัดส่วนให้ได้ปริมาณตามต้องการ ชกเว้น $MgSO_4$ จากนั้นละลายสารส่วนที่ 1 เข้าด้วยกันในน้ำกลั่นปริมาตร 1 ลิตร
2. แยกเติมไซแลนหรือคาร์บอกซีเมทิลเซลลูโลสที่ 1 % ลงในอาหารที่แบ่งไว้คนละส่วน
3. ใส่วุ้นลงไป ต้มวุ้นให้ละลาย และเติม $MgSO_4$ ที่ละลายไว้ตามสัดส่วน คนให้เข้ากัน
4. บรรจุลงในขวดอาหารเลี้ยงเชื้อ
5. นำอาหารที่เตรียมไว้นิ่งฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส 15 นาที

อาหารเลี้ยงเชื้อเพื่อชักนำการสร้างเอนไซม์ (Czapek-Dox (CD) medium)

ส่วนที่ 1,แร่ธาตุหลัก

$NaNO_2$	3.0	กรัมต่อลิตร
KH_2PO_4	1.0	กรัมต่อลิตร
$MgSO_4$	0.5	กรัมต่อลิตร
$FeSO_4$	0.01	กรัมต่อลิตร
Yeast extract	5.0	กรัมต่อลิตร

ส่วนที่ 2,แร่ธาตุเสริม

xylose	1	กรัมต่อลิตร
หรือ xylan	1	กรัมต่อลิตร
Glycerol	1	มิลลิลิตรต่อลิตร
ปรับค่า pH , Na_2CO_3	10	กรัมต่อลิตร

วิธีการเตรียมอาหารที่ใช้ในการชักนำการสร้างเอนไซม์

1. ชั่งส่วนประกอบของอาหารส่วนที่ 1 ในสัดส่วนให้ได้ปริมาณตามต้องการ ชกเว้น $MgSO_4$ จากนั้นละลายสารส่วนที่ 1 และกลีเซอรอลเข้าด้วยกันในน้ำกลั่นปริมาตร 1 ลิตร
2. นำมาปรับค่าพีเอชเป็น 5.0 และ 9.0 ด้วย 10 % Na_2CO_3 ลงในอาหารที่แบ่งไว้คนละส่วน
3. แยกเติมไซแลนหรือไซโลสที่ 1 % ลงในอาหารที่แบ่งไว้คนละส่วน โดยเติมไซแลนลงในอาหารที่มีค่าพีเอช 5.0 และไซโลสลงในอาหารที่มีค่าพีเอช 9.0 บรรจุลงในขวดอาหารเลี้ยงเชื้อ
4. นำอาหารที่เตรียมไว้นิ่งฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส 15 นาที

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ข.วิธีการวิเคราะห์

1. การวิเคราะห์ค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซแลนตามวิธีของ Tang และคณะ (1987)

สารเคมี

DNS reagent	ประกอบด้วย (ร้อยละ)
1. dinitrosalicylic (DNS) acid	1.0
2. phenol	0.2
3. sodium potassium tartrate	20.0
4. sodiumsulphit (Na_2SO_3)	0.05
5. sodiumhydroxide	1.0

วิธีการเตรียม DNS reagent

ละลาย sodiumhydroxide ในน้ำกลั่นตามปริมาณที่ต้องการ แล้วจึงเติม sodium potassium tartrate, phenol และ dinitrosalicylic (DNS) acid ลงในสารละลาย sodiumhydroxide จากนั้นทิ้งให้เย็น ปรับปริมาตรให้เป็น 1 ลิตร บรรจุในขวดสีชาเก็บไว้ในที่มืด ก่อนใช้ให้เติม sodiumsulphite 0.5 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร DNS reagent

วิธีการวิเคราะห์

1. เติมสารละลายเอนไซม์ที่เจือจางอย่างเหมาะสม 0.5 มิลลิลิตร ในสารละลายไซแลน เข้มข้นร้อยละ 1.0 ที่ละลายในซีเตรตบัฟเฟอร์ความเข้มข้น 0.05 โมล พีเอช 4.8 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที
2. หยุดปฏิกิริยาโดยเติม DNS reagent ลงไป 3 มิลลิลิตร แล้วต้มในน้ำเดือด 5 นาที
3. ทำให้เย็นทันทีด้วยน้ำก๊อก
4. เติมน้ำกลั่น 6 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน
5. วัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 550 นาโนเมตร แล้วนำไปเปรียบเทียบกับกราฟมาตรฐาน ไซโลส

(ชุดควบคุม : นำเอนไซม์ไปต้มเดือด 5 นาที แล้วทำการเติมสารละลายไซแลน แต่ไม่มีการบ่ม โดยเติม DNS reagent ลงไปทันที นำไปต้มแล้วทำตามวิธีการข้างต้น)

2. การวิเคราะห์ค่ากิจกรรมของเอนไซม์เซลลูเลสตามวิธีของ Mendal และคณะ (1969)

เติมสารละลายเอนไซม์ที่เจือจางอย่างเหมาะสม 0.5 มิลลิลิตร ในสารละลายคาร์บอกซีเมททิลเซลลูโลส ความเข้มข้นร้อยละ 1.0 ที่ละลายในซีเตรตเรคตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมล พีเอช 4.8 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที แล้วทำการวิเคราะห์เช่นเดียวกับการวิเคราะห์ค่ากิจกรรมของเอนไซม์ไซลันเนส (ข้อ 1)

การคำนวณค่ากิจกรรมเซลลูเลส

$$\text{ยูนิตต่อมิลลิลิตร} = \frac{\text{มิลลิกรัมของกลูโคส} \times 1000 \times \text{จำนวนเท่าการเจือจางสารละลายเอนไซม์}}{\text{น้ำหนักโมเลกุลกลูโคส} \times \text{ระยะเวลาบ่ม} \times \text{ปริมาตรสารละลายเอนไซม์}}$$

(กรัมต่อโมล) (นาที) (มิลลิลิตร)

1 ยูนิต หมายถึง ปริมาณเอนไซม์ที่เร่งปฏิกิริยาการย่อยสลายสับสเตรทให้เป็นกลูโคส

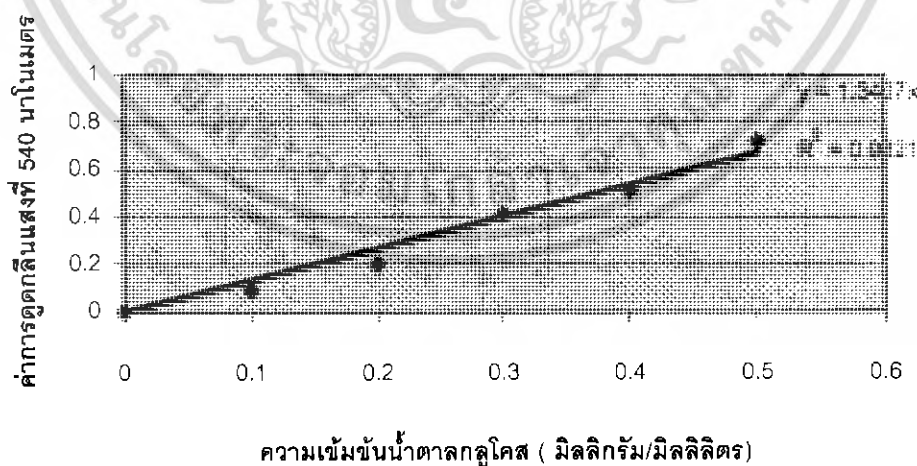
1 ไมโครโมล ในเวลา 1 นาที

2.1 การเตรียมกราฟมาตรฐานของกลูโคสในการวิเคราะห์น้ำตาลรีดิวซ์โดยใช้ DNS reagent ของ Miller (1959)

วิธีการเตรียมกราฟมาตรฐานของกลูโคส

ทำการวิเคราะห์ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เช่นเดียวกับการเตรียมกราฟมาตรฐานของไซโลส (ข้อ 1.1) แต่ใช้สารละลายกลูโคสแทนสารละลายไซโลส นำข้อมูลที่ได้ไปเขียนกราฟมาตรฐานระหว่างค่าการดูดกลืนแสงกับความเข้มข้นของกลูโคส

กราฟมาตรฐานของน้ำตาลกลูโคส



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

3. การตรวจนับสปอร์ของเชื้อราโดยใช้ Haemocytometer (Petreoff-Hausserchamber)

3.1 การตรวจนับสปอร์ของเชื้อรา

เตรียมตัวอย่างที่ทำการตรวจนับ ถ้าเป็นของเหลวสามารถนำมานับได้ทันที แต่ถ้าเป็นของแข็งให้ละลายในน้ำกลั่นในปริมาตรที่ต้องการก่อนเช่น ตัวอย่าง 1 กรัม ละลายในน้ำกลั่นจำนวน 10 มิลลิลิตร (จะได้ความเจือจางเป็น 10^{-1}) หรืออาจต้องทำการเจือจางมากขึ้น ในกรณีมีสปอร์จำนวนมาก เช่น เจือจาง 10^{-2} หรือ 10^{-3} เป็นต้น

ปิเปตสารละลายตัวอย่างที่เตรียมไว้ลงใน Haemocytometer (ที่ปิดด้วย cover slip) โดยใช้ปิเปตผ่านการฆ่าเชื้อแล้วดูดตัวอย่างมา 1-2 หยด หยดลงด้านข้างของแผ่น cover slip

ตรวจนับโดยใช้กล้องจุลทรรศน์หัว objective กำลังขยาย 10 เท่า

นับจำนวนจุลินทรีย์ในแต่ละช่องเล็ก หรือนับช่องใหญ่แล้วนำมาหาค่าเฉลี่ยโดยหารด้วยจำนวนช่องทั้งหมดที่ทำการนับ นำไปคูณด้วย 4×10^6 จะได้ปริมาณสปอร์ต่อกรัมหรือมิลลิลิตร

3.2 วิธีการคำนวณหาค่าจำนวนสปอร์

พื้นที่ 1 ช่องเล็กในช่องใหญ่ มีค่า	= 0.0025	ตารางมิลลิเมตร
ความลึกระหว่าง cover slip และช่อง	= 0.1	มิลลิเมตร
ดังนั้นปริมาตร 1 ช่องเล็กจะมีค่า	= $0.0025 \times 0.1 = 0.00025$	ลูกบาศก์เซนติเมตร
ปริมาตร 0.00025 ลูกบาศก์เซนติเมตร จะมีจุลินทรีย์	= Z	สปอร์
ปริมาตร 1 ลูกบาศก์เซนติเมตร จะมีจุลินทรีย์	= $Z \times 1000 / 0.00025$	สปอร์
	= $Z \times 4 \times 10^6$	

ภาคผนวก ข

ตารางภาคผนวก ข-1. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติในการหาค่าอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในการผลิตเอนไซม์ไซแลนของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสถานะอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: clearzone

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	75.014(a)	58	1.293	10.127	.000
Intercept	819.581	1	819.581	6417.265	.000
mutant	75.014	58	1.293	10.127	.000
Error	15.070	118	.128		
Total	909.666	177			
Corrected Total	90.085	176			

a. R Squared = .833 (Adjusted R Squared = .750)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

clearzone

mutant	Duncan																	
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18
46	1.02400																	
43	1.17623	1.17623																
30	1.19565	1.19565																
4	1.21943	1.21943	1.21943															
34	1.28333	1.28333	1.28333	1.28333														
52	1.43233	1.43233	1.43233	1.43233	1.43233													
40	1.44655	1.44655	1.44655	1.44655	1.44655													
51	1.44833	1.44833	1.44833	1.44833	1.44833													
38	1.46667	1.46667	1.46667	1.46667	1.46667													
31	1.48933	1.48933	1.48933	1.48933	1.48933													
37	1.52033	1.52033	1.52033	1.52033	1.52033	1.52033												
45	1.52233	1.52233	1.52233	1.52233	1.52233	1.52233	1.52233											
47	1.65100	1.65100	1.65100	1.65100	1.65100	1.65100	1.65100	1.65100										
33	1.68517	1.68517	1.68517	1.68517	1.68517	1.68517	1.68517	1.68517	1.68517									
14	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167	1.81167								
58	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400	1.81400								
1	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503	1.86503							
42	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020	1.87020						
29	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533	1.92533					
12	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920	1.93920				
44	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182	1.95182			
8	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197	1.96197		
11	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343	1.97343		
5	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	1.97540	
3	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683	1.98683
25	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937	1.99937
18	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215	2.00215
56	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020	2.05020

ตารางภาคผนวก ข-2. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติในการหาอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: clearzone

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	84.030(a)	58	1.449	15.898	.000
Intercept	204.300	1	204.300	2241.793	.000
mutant	84.030	58	1.449	15.898	.000
Error	10.754	118	.091		
Total	299.084	177			
Corrected Total	94.784	176			

a. R Squared = .887 (Adjusted R Squared = .831)

clearzone

Duncan

mutant	N	Subset						
		1	2	3	4	5	6	7
13	3	.00000						
17	3	.00000						
18	3	.00000						
19	3	.00000						
20	3	.00000						
29	3	.00000						
30	3	.00000						
31	3	.00000						
32	3	.00000						
33	3	.00000						
34	3	.00000						
35	3	.00000						
36	3	.00000						
43	3	.00000						
44	3	.00000						
56	3	.00000						
55	3		.83333					
15	3		1.17133	1.17133				
37	3		1.19633	1.19633				
22	3		1.23937	1.23937				
11	3		1.24007	1.24007				
12	3		1.24400	1.24400	1.24400			
58	3		1.26127	1.26127	1.26127			

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

26	3	1.28009	1.28009	1.28009				
7	3	1.28473	1.28473	1.28473				
24	3	1.30783	1.30783	1.30783				
28	3	1.31788	1.31788	1.31788				
8	3	1.32054	1.32054	1.32054				
23	3	1.34551	1.34551	1.34551				
10	3	1.34847	1.34847	1.34847				
21	3	1.35647	1.35647	1.35647				
9	3	1.37830	1.37830	1.37830				
47	3	1.38767	1.38767	1.38767				
27	3	1.39616	1.39616	1.39616				
6	3	1.39747	1.39747	1.39747				
3	3	1.40480	1.40480	1.40480				
4	3	1.40560	1.40560	1.40560				
38	3	1.41700	1.41700	1.41700	1.41700			
2	3		1.48533	1.48533	1.48533			
39	3		1.49010	1.49010	1.49010			
46	3		1.49017	1.49017	1.49017			
53	3		1.49733	1.49733	1.49733			
0	3		1.51593	1.51593	1.51593			
14	3		1.52200	1.52200	1.52200	1.52200		
1	3		1.54100	1.54100	1.54100	1.54100		
50	3		1.54367	1.54367	1.54367	1.54367		
5	3		1.56100	1.56100	1.56100	1.56100		
41	3		1.56910	1.56910	1.56910	1.56910		
49	3		1.58667	1.58667	1.58667	1.58667		
40	3		1.59667	1.59667	1.59667	1.59667		
52	3		1.62167	1.62167	1.62167	1.62167		
16	3		1.62483	1.62483	1.62483	1.62483		
54	3		1.64810	1.64810	1.64810	1.64810		
51	3		1.66110	1.66110	1.66110	1.66110		
45	3		1.66667	1.66667	1.66667	1.66667		
57	3			1.86160	1.86160	1.86160	1.86160	
48	3				2.01307	2.01307	2.01307	
42	3					2.11523	2.11523	
25	3						2.24153	
Sig.		1.000	.060	.118	.051	.053	.050	.164

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = .091.

a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b. Alpha = .05.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางภาคผนวก ข-3. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์ไลลาเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: activity

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	45439.255(a)	58	783.435	44.870	.000
Intercept	133398.428	1	133398.428	7640.225	.000
mutant	45439.255	58	783.435	44.870	.000
Error	2060.281	118	17.460		
Total	180897.965	177			
Corrected Total	47499.537	176			

a. R Squared = .957 (Adjusted R Squared = .935)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

activity

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21
Student	3	2,971,913																			
26.0	3	3,248,200																			
54.0	3	3,043,800																			
3.0	3	5,359,102	5,359,102																		
43.0	3	5,923,447	5,923,447																		
42.0	3	9,070,103	9,070,103																		
13.0	3	12,050,63	12,050,63																		
56.0	3	14,280,72	14,280,72																		
58.0	3	16,720,01	16,720,01																		
40.0	3	18,074,89	18,074,89																		
25.0	3	18,623,98	18,623,98																		
55.0	3	17,201,78	17,201,78																		
37.0	3	17,838,17	17,838,17																		
11.0	3	17,837,30	17,837,30																		
10.0	3	18,086,04	18,086,04																		
19.0	3	18,000,99	18,000,99																		
0.0	3	18,527,35	18,527,35																		
30.0	3	20,100,04	20,100,04																		
23.0	3	20,235,32	20,235,32																		
74.0	3	20,408,60	20,408,60																		
14.0	3	20,803,24	20,803,24																		
53.0	3	21,070,00	21,070,00																		
46.0	3	21,205,97	21,205,97																		
16.0	3	21,228,90	21,228,90																		
47.0	3	21,530,24	21,530,24																		
34.0	3	21,640,86	21,640,86																		
57.0	3	23,209,94	23,209,94																		
4.0	3	23,553,88	23,553,88																		
0.0	3	23,675,07	23,675,07																		
36.0	3	23,774,62	23,774,62																		
12.0	3	24,039,78	24,039,78																		
61.0	3	24,367,34	24,367,34																		
5.0	3	24,850,40	24,850,40																		
32.0	3	25,008,31	25,008,31																		
31.0	3	25,068,31	25,068,31																		
30.0	3	25,758,88	25,758,88																		
38.0	3	26,477,84	26,477,84																		
44.0	3	28,868,02	28,868,02																		
1.0	3	29,043,00	29,043,00																		
9.0	3	30,868,68	30,868,68																		
2.0	3	31,267,75	31,267,75																		
2.0	3	31,340,54	31,340,54																		
46.0	3	34,444,54	34,444,54																		
40.0	3	34,780,44	34,780,44																		
7.0	3	36,258,65	36,258,65																		
28.0	3	36,381,60	36,381,60																		
17.0	3	37,080,00	37,080,00																		
40.0	3	37,112,12	37,112,12																		
53.0	3	37,360,28	37,360,28																		
22.0	3	38,664,35	38,664,35																		
41.0	3	41,822,40	41,822,40																		
27.0	3	42,201,65	42,201,65																		
19.0	3	42,201,65	42,201,65																		
24.0	3	43,539,48	43,539,48																		
48.0	3	50,542,22	50,542,22																		
38.0	3	50,796,17	50,796,17																		
20.0	3	100,814,7	100,814,7																		
Sub.	122	075	069	051	073	053	054	055	056	051	067	054	055	053	070	060	063	075	820	1,000	1,000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.
 Based on Type III Sum of Squares.
 The error term is Mean Square(Error) = 17,490
 a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000
 b. Alpha = .05

ตารางภาคผนวก ข-4. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลล์ของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 58 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: activity

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	.014(a)	58	.000	17.853	.000
Intercept	.007	1	.007	506.352	.000
mutant	.014	58	.000	17.853	.000
Error	.002	118	1.39E-005		
Total	.023	177			
Corrected Total	.016	176			

a. R Squared = .898 (Adjusted R Squared = .847)

activity

Duncan

mutant	N	Subset						
		1	2	3	4	5	6	7
20	3	.0006950						
40	3	.0014500						
37	3	.0014710						
38	3	.0018067	.0018067					
44	3	.0018437	.0018437					
55	3	.0018717	.0018717					
6	3	.0020267	.0020267	.0020267				
30	3	.0023000	.0023000	.0023000				
36	3	.0024133	.0024133	.0024133				
25	3	.0024367	.0024367	.0024367				
18	3	.0024413	.0024413	.0024413				
5	3	.0024433	.0024433	.0024433				
21	3	.0024767	.0024767	.0024767				
19	3	.0025777	.0025777	.0025777				
15	3	.0026867	.0026867	.0026867				
51	3	.0028110	.0028110	.0028110				
32	3	.0029367	.0029367	.0029367				
28	3	.0029910	.0029910	.0029910				
9	3	.0031700	.0031700	.0031700				
22	3	.0031803	.0031803	.0031803				
27	3	.0031870	.0031870	.0031870				

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

24	3	.0033267	.0033267	.0033267				
13	3	.0035847	.0035847	.0035847				
56	3	.0037043	.0037043	.0037043				
34	3	.0037333	.0037333	.0037333				
58	3	.0038333	.0038333	.0038333				
50	3	.0039293	.0039293	.0039293				
46	3	.0040313	.0040313	.0040313				
23	3	.0044487	.0044487	.0044487	.0044487			
35	3	.0044933	.0044933	.0044933	.0044933			
45	3	.0046373	.0046373	.0046373	.0046373			
57	3	.0048333	.0048333	.0048333	.0048333			
1	3	.0049133	.0049133	.0049133	.0049133			
29	3	.0051500	.0051500	.0051500	.0051500			
10	3	.0052337	.0052337	.0052337	.0052337			
43	3	.0052450	.0052450	.0052450	.0052450			
31	3	.0054100	.0054100	.0054100	.0054100			
2	3	.0054403	.0054403	.0054403	.0054403			
11	3	.0055333	.0055333	.0055333	.0055333			
17	3	.0056333	.0056333	.0056333	.0056333			
14	3	.0056667	.0056667	.0056667	.0056667			
16	3	.0058663	.0058663	.0058663	.0058663			
48	3	.0060147	.0060147	.0060147	.0060147	.0060147		
7	3	.0065677	.0065677	.0065677	.0065677	.0065677		
52	3	.0066000	.0066000	.0066000	.0066000	.0066000		
26	3	.0069727	.0069727	.0069727	.0069727	.0069727		
47	3	.0072023	.0072023	.0072023	.0072023	.0072023		
42	3	.0072033	.0072033	.0072033	.0072033	.0072033		
39	3	.0073200	.0073200	.0073200	.0073200	.0073200		
54	3	.0074700	.0074700	.0074700	.0074700	.0074700		
53	3	.0078067	.0078067	.0078067	.0078067	.0078067		
12	3	.0083500	.0083500	.0083500	.0083500	.0083500		
0	3		.0094160	.0094160	.0094160	.0094160		
41	3		.0096333	.0096333	.0096333	.0096333		
8	3			.0116033	.0116033	.0116033		
33	3			.0116633	.0116633	.0116633		
49	3			.0133033	.0133033	.0133033		
3	3				.0293333	.0293333		
4	3					.0672333		
Sig.		.052	.053	.053	.062	.051	1.000	1.000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = 1.39E-005.

a Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b Alpha = .05.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางภาคผนวก ข-5. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติโดยการวัดอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในการผลิตเอโนไซม์ไซลาเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: clearzone

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	21.332(a)	18	1.185	6.859	.000
Intercept	295.248	1	295.248	1708.779	.000
mutant	21.332	18	1.185	6.859	.000
Error	6.566	38	.173		
Total	323.146	57			
Corrected Total	27.898	56			

a. R Squared = .765 (Adjusted R Squared = .653)

clearzone

Duncan

mutant	N	Subset				
		1	2	3	4	5
0	3	1.20700				
17	3	1.33467				
46	3	1.39997				
20	3	1.49367	1.49367			
39	3	1.78887	1.78887	1.78887		
28	3	1.95733	1.95733	1.95733		
10	3		2.16667	2.16667	2.16667	
53	3			2.26667	2.26667	
19	3			2.30000	2.30000	
24	3			2.33333	2.33333	
41	3			2.33333	2.33333	
2	3			2.40000	2.40000	
48	3			2.50000	2.50000	
22	3			2.58333	2.58333	
27	3				2.84233	2.84233
26	3				2.90833	2.90833
7	3				2.94443	2.94443
50	3				2.96400	2.96400
49	3					3.51843
Sig.		.058	.076	.053	.055	.082

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = .173.

a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b. Alpha = .05

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางภาคผนวก ข-6. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติโดยการวัดอัตราส่วนวงใสต่อขนาดของโคโลนีในการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: clearzone

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	24.105(a)	18	1.339	96.722	.000
Intercept	39.265	1	39.265	2835.930	.000
mutant	24.105	18	1.339	96.722	.000
Error	.526	38	.014		
Total	63.896	57			
Corrected Total	24.631	56			

a. R Squared = .979 (Adjusted R Squared = .969)

clearzone

Duncan

mutant	N	Subset						
		1	2	3	4	5	6	7
7	3	.00000						
19	3	.00000						
24	3	.00000						
39	3	.00000						
41	3	.00000						
50	3	.00000						
53	3	.03333						
10	3		.93513					
49	3		1.01700	1.01700				
22	3			1.16200	1.16200			
48	3			1.19767	1.19767	1.19767		
0	3			1.20600	1.20600	1.20600		
28	3				1.29610	1.29610	1.29610	
26	3					1.40000	1.40000	1.40000
17	3						1.43567	1.43567
46	3						1.45267	1.45267
27	3						1.50000	1.50000
2	3							1.53333
20	3							1.60063
Sig.		.767	.399	.079	.211	.060	.064	.073

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = .014.

a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b. Alpha = .05.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางภาคผนวก ข-7. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์ไลลาเนสของเชื้อที่ผ่าน การชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน เขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: activity

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	6874.518(a)	18	381.918	25.624	.000
Intercept	68907.543	1	68907.543	4623.246	.000
mutant	6874.518	18	381.918	25.624	.000
Error	566.374	38	14.905		
Total	76348.436	57			
Corrected Total	7440.892	56			

a. R Squared = .924 (Adjusted R Squared = .888)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

activity

Duncan	Subset								
	1	2	3	4	5	6	7	8	9
mutant									
19	3	16.9570367							
24	3	21.1009067	21.1009067						
7	3	22.9901600	22.9901600	22.9901600					
10	3	24.9722333	24.9722333	24.9722333	24.9722333				
0	3	25.8107767	25.8107767	25.8107767	25.8107767	25.8107767			
46	3	26.1364900	26.1364900	26.1364900	26.1364900	26.1364900			
50	3	29.8590867	29.8590867	29.8590867	29.8590867	29.8590867			
17	3	31.1116333	31.1116333	31.1116333	31.1116333	31.1116333			
27	3	32.5243733	32.5243733	32.5243733	32.5243733	32.5243733	32.5243733		
53	3	35.0326033	35.0326033	35.0326033	35.0326033	35.0326033	35.0326033		
28	3	35.6617400	35.6617400	35.6617400	35.6617400	35.6617400	35.6617400		
20	3	35.6836467	35.6836467	35.6836467	35.6836467	35.6836467	35.6836467		
48	3	35.7927400	35.7927400	35.7927400	35.7927400	35.7927400	35.7927400		
22	3	36.6811667	36.6811667	36.6811667	36.6811667	36.6811667	36.6811667		
2	3	39.6314533	39.6314533	39.6314533	39.6314533	39.6314533	39.6314533	47.5488800	
39	3	52.4709767	52.4709767	52.4709767	52.4709767	52.4709767	52.4709767	52.4709767	52.4709767
49	3	53.9938867	53.9938867	53.9938867	53.9938867	53.9938867	53.9938867	53.9938867	53.9938867
26	3	56.65669233	56.65669233	56.65669233	56.65669233	56.65669233	56.65669233	56.65669233	56.65669233
41	3								
Sig.		.077	.163	.057	.089	.063	.056	.059	.218

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = 14.905.

a Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b Alpha = .05.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางภาคผนวก ข-8. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติของค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในสภาวะอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอนเหลวที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: activity

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	.009(a)	18	.000	1.312	.235
Intercept	.020	1	.020	53.793	.000
mutant	.009	18	.000	1.312	.235
Error	.014	38	.000		
Total	.042	57			
Corrected Total	.022	56			

a. R Squared = .383 (Adjusted R Squared = .091)

activity

Duncan

mutant	N	Subset	
		1	2
0	3	.0009183	
19	3	.0012160	
39	3	.0071897	
28	3	.0099647	
49	3	.0131213	
41	3	.0132210	
48	3	.0147453	
53	3	.0148447	
50	3	.0152503	
10	3	.0155520	
7	3	.0176523	
27	3	.0178533	
22	3	.0216910	
2	3	.0225337	
24	3	.0236103	
26	3	.0273863	.0273863
17	3	.0282370	.0282370
46	3	.0287653	.0287653
20	3		.0588460
Sig.		.147	.072

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = .000.

a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b. Alpha = .05.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางภาคผนวก ข-9. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์ไซลานเนสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนกับค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ในสภาวะการเขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: activity

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	23030.065(a)	35	658.002	32.183	.000
Intercept	166253.252	1	166253.252	8131.360	.000
mutant	23030.065	35	658.002	32.183	.000
Error	1472.107	72	20.446		
Total	190755.424	108			
Corrected Total	24502.172	107			

a. R Squared = .940 (Adjusted R Squared = .911)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

Duncan	activity															
	N	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15
19.1	3	16.957036 7														
24.1	3	21.100906 7	21.100906 7													
7.1	3	22.990160 0	22.990160 0	22.990160 0												
10.1	3	24.972233 3	24.972233 3	24.972233 3	24.972233 3											
.1	3	25.810776 7	25.810776 7	25.810776 7	25.810776 7											
48.1	3	26.136490 0	26.136490 0	26.136490 0	26.136490 0	26.136490 0										
50.1	3	29.859086 7	29.859086 7	29.859086 7	29.859086 7	29.859086 7	29.859086 7									
17.1	3	31.111633 3	31.111633 3	31.111633 3	31.111633 3	31.111633 3	31.111633 3	31.111633 3								
.0	3	31.345460 0	31.345460 0	31.345460 0	31.345460 0	31.345460 0	31.345460 0	31.345460 0	31.345460 0							
27.1	3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3	32.524373 3						
2.0	3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3	34.444533 3					
48.0	3	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7	34.789436 7				
53.1	3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3	35.032603 3			
28.1	3	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0	35.661740 0		
20.1	3	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7	35.683646 7
48.1	3	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0	35.792840 0
50.0	3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3	36.135973 3
7.0	3	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7	36.259646 7
28.0	3	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7	36.391956 7
22.1	3	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7	36.681166 7
17.0	3	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7	37.086556 7
49.0	3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3	37.112123 3
10.0	3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3	37.360283 3
53.0	3	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7	38.664346 7
2.1	3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3	39.631453 3
22.0	3	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0	40.510290 0

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

27.0	3	.127	.232	.052	.081	.051	.055	.064	.062	.092	.057	.063							
19.0	3																		
24.0	3																		
39.1	3																		
49.1	3																		
26.1	3																		
48.0	3																		
39.0	3																		
20.0	3																		
26.0	3																		
Sig.																			

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.
 Based on Type III Sum of Squares
 The error term is Mean Square(Error) = 20.446.
 a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.
 b. Alpha = .05.

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
 ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



ตารางภาคผนวก ข-10. การวิเคราะห์ค่าทางสถิติเปรียบเทียบค่ากิจกรรมเอนไซม์เซลลูเลสของเชื้อที่ผ่านการชักนำการกลายพันธุ์ 18 สายพันธุ์ ในอาหารเหลวที่มีไซแลนเป็นแหล่งคาร์บอนกับค่ากิจกรรมเอนไซม์ของเชื้อในอาหารเหลวที่มีซังข้าวโพดเป็นแหล่งคาร์บอน ในสภาวะการเขย่าที่ 200 รอบ/นาที ที่อุณหภูมิ 45 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 4 วัน

Tests of Between-Subjects Effects

Dependent Variable: activity

Source	Type III Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Corrected Model	.014(a)	37	.000	2.039	.004
Intercept	.017	1	.017	90.920	.000
mutant	.014	37	.000	2.039	.004
Error	.014	76	.000		
Total	.045	114			
Corrected Total	.028	113			

a. R Squared = .498 (Adjusted R Squared = .254)

activity

Duncan

mutant	N	Subset		
		1	2	3
20.0	3	.0006950		
.2	3	.0009183		
19.1	3	.0012160	.0012160	
19.0	3	.0025777	.0025777	
28.0	3	.0029910	.0029910	
22.0	3	.0031803	.0031803	
27.0	3	.0031870	.0031870	
24.0	3	.0033267	.0033267	
50.0	3	.0039293	.0039293	
46.0	3	.0040313	.0040313	
10.0	3	.0052337	.0052337	
2.0	3	.0052703	.0052703	
17.0	3	.0056333	.0056333	
48.0	3	.0060147	.0060147	
7.0	3	.0065677	.0065677	
26.0	3	.0069727	.0069727	
39.0	3	.0073200	.0073200	
39.1	3	.0074897	.0074897	
53.0	3	.0078067	.0078067	
.0	3	.0094160	.0094160	
41.0	3	.0096333	.0096333	
28.1	3	.0099647	.0099647	
49.1	3	.0131213	.0131213	
41.1	3	.0132210	.0132210	
49.0	3	.0133033	.0133033	

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

48.1	3	.0147453	.0147453	
53.1	3	.0148447	.0148447	
50.1	3	.0152503	.0152503	
10.1	3	.0155520	.0155520	
7.1	3	.0176523	.0176523	
27.1	3	.0178533	.0178533	
22.1	3	.0216910	.0216910	
2.1	3	.0225337	.0225337	
24.1	3	.0236103	.0236103	
26.1	3	.0273863	.0273863	
17.1	3	.0282370	.0282370	
46.1	3		.0287653	
20.1	3			.0588460
Sig.		.051	.051	1.000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

Based on Type III Sum of Squares

The error term is Mean Square(Error) = .000.

a Uses Harmonic Mean Sample Size = 3.000.

b Alpha



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆ ทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้