

รายงานวิจัยฉบับสมบูรณ์

เรื่อง การอนุรักษ์และปรับปรุงพันธุ์วานิลลาสายพันธุ์ป่าในประเทศไทย
ณ พระตำหนักสวนปทุม (โครงการต่อเนื่อง)



RCH
SB
304
V2
กช 93 ก

โดย
ผศ. ดร. วัฒนชัย พงษ์นาค
หัวหน้าโครงการ

เลขที่.....
เลขที่.....
วัน, เดือน, ปี 19 ก. ย. 2551

โครงการวิจัย (research project) ที่ได้รับการสนับสนุนประจำปีงบประมาณ พ.ศ. 2550 ตาม
มติคณะรัฐมนตรี

สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง กรุงเทพฯ

b.....
:

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เรื่อง การอนุรักษ์และปรับปรุงพันธุ์วานิลาสายพันธุ์ป่าในประเทศไทย ณ พระตำหนักสวนปทุม

บทคัดย่อ

จากการทดลองอย่างต่อเนื่องพบว่าวานิลาชอบเจริญในที่แสงแดครำไร ปริมาณความชื้นของแสงต่ำ อุณหภูมิค่อนข้างเย็นและความชื้นในอากาศต้องเหมาะสม จึงจะแตกตาดอกได้และโรคแอนแทรกโนส เป็นโรคที่ระบาดทำความเสียหายมากที่สุด ซึ่งเกิดจากเชื้อรา *Colletotrichum gloeosporioides* โดยเฉพาะจะระบาดมากในช่วงฤดูฝนทั้งที่ปลูกวานิลาภายในและนอกโรงเรือน วานิลาที่ปลูกภายในและภายนอกโรงเรือนมีการจัดการโดยให้ปุ๋ยอินทรีย์ชีวภาพ ป้องกันแมลงศัตรู โดยฉีดสารสกัดสะเดา ควบคุมโรคแอนแทรกโนสโดยใช้ยาเชื้อจุลินทรีย์คีโตเมียมชนิดผง ฉีดพ่นในวนิลาทั้ง 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* (พันธุ์จากประเทศฝรั่งเศส) จากศึกษาอย่างต่อเนื่องพบว่าวานิลา 4 สายพันธุ์ ได้แก่ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera* และ *V. albida* ที่ปลูกภายในบริเวณพระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี พบว่า *V. albida* ออกดอกในช่วงธันวาคมถึงกุมภาพันธ์ปีละครั้งเดียว และพัฒนาจากดอกเป็นฝักจนกระทั่งเก็บเกี่ยวเป็นเวลา 10 เดือน

จากการทดลองศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของวานิลา 6 สายพันธุ์ ด้วยวิธี RAPD โดยใช้ไพรเมอร์ OPA-07, OPA-20, OPB-14, OPB-18 และ OPC-09 โดยไพรเมอร์ OPB-14 เท่านั้นที่ไม่สามารถแยกได้ และพบว่าวานิลาสายพันธุ์ *V. planifolia varigata* และ *V. planifolia* มีความสัมพันธ์กัน ซึ่งอาจเป็นไปได้ว่าทั้งสองสายพันธุ์มีลักษณะใกล้เคียงกันมาก ไพรเมอร์ OPB-18 และ OPA-20 สามารถใช้แยก *V. siamensis* ได้ แต่สำหรับวานิลาสายพันธุ์อื่นยังไม่สามารถจำแนกได้อย่างชัดเจน พบว่าวานิลาทั้ง 2 สายพันธุ์สามารถพัฒนาส่วนดาข้างไปเป็นต้นใหม่ได้ ซึ่งต้นที่เกิดขึ้นมีสีเขียวเข้ม และสีเขียวอมเหลืองแตกต่างกันไปในแต่ละสูตรอาหาร โดยขั้นตอนมีลำดับดังภาพที่แสดง

นอกจากนี้ วานิลาสายพันธุ์ *V. planifolia* ที่ทำการเพาะเลี้ยงในอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 0.5+0.5, 0.5+1 และ 0.5+3 มิลลิกรัมต่อลิตร สามารถชักนำดาข้างของวานิลาให้เจริญเป็นต้นใหม่ได้ ส่วนอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 1+0.5, 1+1 และ 1+3 มิลลิกรัมต่อลิตร ไม่สามารถชักนำดาข้างของวานิลาให้เป็นต้นใหม่ได้ (ตารางที่ 2) โดยอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 0.5+1 มิลลิกรัมต่อลิตร มีอัตราการเจริญเป็นต้นใหม่ได้ดีที่สุด

al. 2007) กลิ่นหอมของวานิลาเกิดจากสารองค์ประกอบต่างๆ ในระหว่างการหมักและบ่มฝักของวานิลา ซึ่งมีสารประกอบที่ทำให้เกิดกลิ่นมากกว่า 250 ชนิด ซึ่งสารวานิลิน (Vanillin) 4-hydroxy-3-methoxybenzaldehyde เป็นสารที่ทำให้เกิดกลิ่นที่สำคัญที่สุดของวานิลา (Havkin-Frenkel *et al.* 1996) จากสถิติที่รายงานไว้ใน International Trade Center (ITC) ของการนำเข้าฝักวานิลาและสารวานิลินในประเทศไทย พบว่ามีแนวโน้มที่เพิ่มมากขึ้นทุกปี ในปี 2003 2004 และ 2005 มีการนำเข้าฝักวานิลา 287 131 และ 185 กิโลกรัม ตามลำดับ และการนำเข้าสารวานิลิน 55,391 64,532 และ 86,210 กิโลกรัม ตามลำดับ ซึ่งในการนำเข้าแต่ละครั้งมีมูลค่าสูงมาก ซึ่งในปี 2006 พบว่ามี การนำเข้าสารวานิลินถึง 81 ตัน เป็นมูลค่าถึง 1,055 พันเหรียญสหรัฐอเมริกา (<http://www.Trademap.net>) และสำหรับในประเทศไทย ได้มีการค้นคว้าวิจัยถึงเทคนิคและวิธีการปลูกวานิลาในแหล่งต่างๆ ทางภาคเหนือ ภาคใต้ ภาคตะวันออกของประเทศ ที่ศูนย์วิจัยและสถาบันวิจัยพืชสวนหลายแห่ง โดยเฉพาะสถานีทดลองพืชสวนคอกหมูเขือ จังหวัดตาก ศูนย์วิจัยพืชสวนห้างฉัตร จังหวัดลำปาง ศูนย์วิจัยพืชสวนชุมพร ศูนย์วิจัยพืชสวนจันทบุรี เพื่อนำมาทดสอบให้ได้ผลผลิตสูงสุด ซึ่งจะช่วยลดการนำเข้าของฝักวานิลาและสารวานิลิน

วัตถุประสงค์หลักของโครงการวิจัย

1. เพื่อศึกษาลักษณะทางพฤกษศาสตร์ของวานิลาสายพันธุ์ป่าที่พบ ตลอดจนการเพาะเลี้ยง การเจริญเติบโต การให้ดอกและฝัก ในสภาพภูมิอากาศและระบบนิเวศน์ต่าง ๆ การให้สารวานิลินของแต่ละสายพันธุ์
2. ศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของวานิลา
3. เพื่อศึกษาความเป็นไปได้ในการปรับปรุงพันธุ์ลูกผสมวานิลาสายพันธุ์ใหม่ให้ได้ตามลักษณะที่ต้องการและการขึ้นทะเบียนสายพันธุ์ใหม่
4. เพื่อศึกษาการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อจากวานิลา
5. เพื่อศึกษาการสกัดสารวานิลิน

ขอบเขตของโครงการวิจัย

โครงการนี้เป็น โครงการต่อเนื่อง เป็นศึกษาลักษณะทางพฤกษศาสตร์ การเจริญเติบโต การให้ดอกและฝัก การปรับปรุงพันธุ์ของวานิลาสายพันธุ์ป่าที่พบในประเทศไทย จำนวน 4 สายพันธุ์ ศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรม การเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อวานิลา ที่ปลูกที่พระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี และศึกษาการสกัดสารวานิลินและสารประกอบทางเคมีอื่น ๆ ที่พบในฝักวานิลา สร้างวานิลาสายพันธุ์ลูกผสมใหม่ ที่มีศักยภาพในการผลิตสารวานิลิน

ผลงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

วานิลลา (Vanilla) เป็นพืชจัดอยู่ในตระกูลกล้วยไม้ (Orchidaceae) มีชื่อวิทยาศาสตร์ว่า *Vanilla fragrans* (Salish) Ames วานิลลาเป็นพืชเถาเลื้อย อายุการให้ผลผลิตหลายปี เถาจะเลื้อยพันไปบนค้างหรือไม้ยืนต้นอื่นๆ วราวุธ ชูธรรมรัช (2536) อธิบายลักษณะทางพฤกษศาสตร์ของวานิลลา โดยทั่วไปมีดังนี้ ลำต้น มีลักษณะเป็นเถายาว ทรงกระบอก สีเขียว มีลักษณะอวบน้ำ ขนาดของลำต้นขึ้นอยู่กับความสมบูรณ์ของเถา เมื่อโค้งงอจะหักง่าย มีเส้นผ่านศูนย์กลางเถา 1-2 เซนติเมตร เถา วานิลลามีปากใบจึงสามารถสังเคราะห์แสงได้ ปล้องมีความยาว 5-15 เซนติเมตร ใบ สีเขียวมีลักษณะแบน อวบน้ำ ลักษณะใบแบบ oblong-elliptic จนถึง lanceolate ใบอาจยาว 8-25 เซนติเมตร กว้าง 2-8 เซนติเมตร ปลายใบมีลักษณะแบบ acute ถึง acuminate ใบออกสลับกัน (Alternate) มีก้านใบสั้น ราก วานิลลามีราก 2 ประเภทคือ รากอากาศ มีสีขาวยืดเขียวอ่อน เป็นรากเดี่ยวค่อนข้างยาว มีลักษณะอวบน้ำ จะเจริญออกจากเถาบริเวณข้อตรงข้ามกับใบ มีขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 2 มิลลิเมตร ทำหน้าที่ยึดเกาะ ส่วนรากบริเวณโคนจะแตกออกมาเป็นแขนง ทำหน้าที่ดูดซับธาตุอาหารและน้ำในดิน ช่อดอกเกิดจากตรงข้อใบ เป็นช่อแต่ไม่มีก้านช่อดอกย่อยแตกออกไป แต่ละต้นมีประมาณ 4 ช่อ ช่อดอกยาวประมาณ 8 เซนติเมตร กว้างประมาณ 0.78 เซนติเมตร มีจำนวน 5-20 ดอก ดอกจะบานจากโคนช่อดอกไปยังปลายช่อดอก ดอกจะบานครั้งละ 1-2 ดอก ดอกแต่ละช่อดอกจะมีดอกเฉลี่ย 15 ดอก ดอกของวานิลลาไม่เป็นที่ดึงดูดของแมลง ดังนั้นผู้ปลูกจึงช่วยผสมเกสรให้ไม่เช่นนั้นจะไม่ติดฝัก ดอกจะบานในตอนเช้าเป็นเวลาที่เหมาะจะผสมเกสรคือระหว่าง 8.00-10.00 น. ภายหลังผสมติดแล้วรังไข่จะเจริญอย่างรวดเร็ว ดอกวานิลลามีสีเขียวออกเหลือง กลีบดอกหนา ดอกมีขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 10 เซนติเมตร ก้านดอกสั้นหรือแทบไม่มี มีรังไข่แบบ inferior ovary ยาวประมาณ 4-7 เซนติเมตร เส้นผ่านศูนย์กลาง 0.3-0.5 เซนติเมตร กลีบเลี้ยงมี 3 กลีบ รูปร่างยาวรีขนาด 4-7x10-15 เซนติเมตร ส่วนกลีบดอกก็มี 3 กลีบเช่นเดียวกัน สองกลีบด้านบนของดอกมีลักษณะคล้ายกลีบเลี้ยง อีกกลีบหนึ่งเปลี่ยนรูปไปเป็นรูปปากแตร จะมีขนาดสั้นกว่ากลีบดอกอื่น ปลายของฝา (ปากแตร) แยกเป็น 3 ส่วนและขอบหยักไม่สม่ำเสมอ เกสรตัวผู้มี 1 อัน ประกอบด้วย อับละอองเกสรตัวผู้ 2 อัน ส่วนของเกสรตัวผู้และเกสรตัวเมียจะแยกออกจากกัน โดยมีเยื่อบางๆ กั้นอยู่ เยื่อนี้เรียกว่า โรสเทลลัม (Rostellum) ซึ่งเป็นส่วนสำคัญที่ทำให้ละอองเกสรตัวผู้ไม่สามารถถ่ายละอองเกสรลงไปผสมกับเกสรตัวเมียได้ ผล เป็นประเภท capsule ปกติเรียกว่า ฝัก (Pod) มีลักษณะคล้ายทรงกระบอกแคบโป่งตรงปลายฝัก มี 3 มุม ฝักยาวประมาณ 10-15 เซนติเมตร เส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 5-15 มิลลิเมตร การเจริญเติบโตของฝักวานิลลาจะเป็นไปอย่างรวดเร็วภายใน 2 สัปดาห์หลังการผสมเกสรติด จากนั้นการเจริญเติบโตจะค่อนข้างคงที่ ฝักจะมีเมล็ดอยู่จำนวนมาก เมื่อฝักแห้งจะมีกลิ่นหอม ผลบางชนิดเมื่อสุกจัดจะแตกตามยาว บางพันธุ์เมื่อสุกผลจะไม่แตก

ชนิดของวานิลลา

วานิลลาที่ปลูกเป็นการค้าโดยทั่วไปมี 3 ชนิดคือ

1. *Vanilla planifolia* เป็นชนิดที่สำคัญที่สุดในการปลูกเป็นการค้าและเป็นแหล่งผลิตสารวานิลลินที่สำคัญ ปลูกแถบทางตะวันออกเฉียงใต้ของประเทศเม็กซิโก เวสต์ อินเดียน กัวเตมาลา เอลซัลวาดอร์ เวเนซุเอล่า ซูรินัม เปรู โปลิเวียและปลูกทั่วไปในแถบร้อน วานิลลาสายพันธุ์นี้มีลักษณะใบยาว อวบน้ำ สีเขียว ใบออกตรงกันข้ามกับราก ก้านใบสั้น ใบมีลักษณะ oblong-elliptic จนถึง narrow lanceolate หรือ acute จนถึง acuminate ยาว 9-23 เซนติเมตร กว้าง 2-8 เซนติเมตร ช่อดอกอาจมีมากกว่า 20 ดอก ดอกสีเขียวออกเหลืองมี 3 กลีบดอก 3 กลีบเลี้ยง ตรงกลางคือ column มี stamen และ pistil อยู่ หนึ่งใน petal จะเปลี่ยนและขยายเป็น lip, sepal และ petal มีลักษณะ oblong-oblongate, obtuse จนถึง subacute ยาว 4-7 เซนติเมตร กว้าง 1-1.5 เซนติเมตร หนึ่งใน petal จะเปลี่ยนและขยายเป็น lip คล้ายทริแอมเปตเกือบติดกับยอดของ column ซึ่งจะมีอยู่ 3 lobed ต้นมีลักษณะแบนยาว 4-8 เซนติเมตร กว้าง 1.5-3 เซนติเมตร (Divakaran et al. 2006)

2. *Vanilla pompona* บางครั้งเรียกว่า วานิลลอน เวสต์อินเดียน เซาท์อเมริกัน หรือ ปอมโปนา วานิลลาเป็นพืชที่ปลูกกันในแถบอเมริกากลาง ตรินิแดด ตะวันออกเฉียงใต้ของเม็กซิโกและทางเหนือของอเมริกาใต้ *V. pompona* ต้องการความชื้นน้อยกว่า *V. planifolia* และต้านทานต่อโรครากเน่า (*Fusarium batatalis* var. *vanillae* Tuckes) วานิลลา pompona จะมีการออกดอกเมื่ออายุ 1 หรือ 2 ปี หลังจากปลูก โดยทั่วไป *V. pompona* จะคล้ายกับ *V. planifolia* มาก ยกเว้นใบจะมีขนาดใหญ่กว่า ยาวประมาณ 15-18 เซนติเมตร กว้าง 4-11 เซนติเมตร ดอกจะมีสีเขียวออกเหลือง ฝักมีลักษณะสามเหลี่ยมขนาดยาว 15-17.8 เซนติเมตร กว้าง 2.5-3.3 เซนติเมตร เวลาฝักแก่มักจะไม่ค่อยแตก แต่คุณภาพของฝักจะต่ำกว่า *V. planifolia* จึงทำให้มีราคาต่ำกว่าด้วย กลิ่นมักจะนำมาใช้ในอุตสาหกรรมยาสูบ สบู่ น้ำหอม ยาและเครื่องสำอาง (Hawkes. 1965)

3. *Vanilla tahitensis* ปลูกกันมากในประเทศตาฮิติ เรียกว่า Tahitian vanilla มาจากหมู่เกาะของประเทศฝรั่งเศสในมหาสมุทรแปซิฟิก พันธุ์นี้ยังนิยมปลูกใน Hawaii ด้วย ลำต้นเรียกว่า *V. planifolia* ใบแคบกว่า ส่วนของ perianth ยาวกว่าและ lip สั้นกว่า sepals ฝักสั้นกว่า สีปนแดงน้ำตาล ยาว 12-14 เซนติเมตร กว้าง 9 มิลลิเมตร ตรงกลางฝักจะกว้างและค่อยๆ แคบลงตรงด้านปลาย (วราวุธ ชูธรรมรัช. 2536)

วานิลลาชนิดที่พบในประเทศไทย (เต็ม สมิตินันท์. 2523; อดิพันธ์ ไทยทอง. 2543; Seidenfaden and Smitinand. 1958; Comber. 1990) ได้แก่

1. *Vanilla aphylla* Rolfe (เถาภูเขา เครือภูเขา คคนกภูค) ลำต้นเป็นลำเกือบกลมหรือแบนเล็กน้อย ผิวคันเกลี้ยง สีเขียวเข้ม ปล้องยาวได้ถึง 50 เซนติเมตร กว้าง 0.5-1 เซนติเมตร รากออกที่ข้อ ใบลดรูปไปมีลักษณะเป็นเกล็ดคมองคูดคล้ายไม่มีใบ ดอกออกตามข้อเป็นช่อสั้น ช่อละ 2-3

ดอก ขนาดดอกประมาณ 3-4 เซนติเมตร ฤดูออกดอก ออกตลอดปี แหล่งที่พบ เกือบทุกภาคตามป่าดิบแล้ง

2. *Vanilla siamensis* Rolfe ex Downie (พลูช้าง) ลำต้นสีเขียวเข้ม ผิวคันเกลี้ยง กลม ปล้องยาว 20-50 เซนติเมตร กว้าง 1-1.5 เซนติเมตร รากออกที่ข้อ ใบรูปรี มีขนาดใหญ่ ขนาด 10-30x6-12 เซนติเมตร แผ่นใบเรียบ หนา อวบน้ำ ปลายใบแหลมหรือปลายมน สีเขียวเข้ม ดอกออกตามข้อเป็นช่อสั้นๆ ดอกในช่อทยอยบานเป็นเวลานาน ขนาดดอก 4-5 เซนติเมตร กลีบค่อนข้างอวบน้ำ ฤดูออกดอกเมษายน-มิถุนายน แหล่งที่พบ ภาคเหนือ (คอยสุเทพ คอยเชียงดาว) ภาคตะวันออกเฉียงเหนือ (เขาสอยดาว)

3. *Vanilla ptilifera* Holttum (งค สามร้อยค่อใหญ่) ลำต้นปล้องยาว 7-10 เซนติเมตร สีเขียวเข้ม รากออกที่ข้อ ใบมีขนาด 10-16x4-8 เซนติเมตร ใบบางปลายแหลม ดอกสีขาวปนเขียว ออกตามข้อเป็นช่อสั้นๆ ขนาดดอก 2-3 เซนติเมตร แหล่งที่พบ ตรง ประจวบคีรีขันธ์

4. *Vanilla albida* Bl., Bijdr. ลำต้นปล้องยาว สีเขียวเข้ม รากออกที่ข้อ ใบแคบขนาด 12-14x3.5-5 เซนติเมตร ดอกช่อดอกสั้น ยาวประมาณ 1-3 เซนติเมตร ช่อละ 6-12 ดอก ดอกมีสีขาวปนเขียวข้างในมีสีม่วง

วานิลลา (*Vanilla*) เป็นพืชที่จัดอยู่ในตระกูลกล้วยไม้ (*Orchidaceae*) เป็นพืชเครื่องเทศที่มีการใช้ประโยชน์โดยการนำเอาฝักมาหมักและบ่มให้เกิดกลิ่น จากนั้นนำไปสกัดให้ได้สารที่ทำให้เกิดกลิ่นหอมและรสชาติ มาใช้ในการปรุงแต่งกลิ่นไอศกรีม ช็อคโกแลต ขนม ลูกกวาด นอกจากนี้ยังใช้ในอุตสาหกรรมยาและน้ำหอมอีกด้วย (วราวุธ ชูธรรมรัช, 2536) กลิ่นหอมของวานิลลานั้น เกิดจากสารองค์ประกอบต่างๆ ในระหว่างการหมักและบ่มฝักของวานิลลา ซึ่งมีสารประกอบที่ทำให้เกิดกลิ่นมากกว่า 250 ชนิด แต่สารวานิลลิน (*vanillin*) 4-hydroxy-3-methoxybenzaldehyde เป็นสารที่ทำให้เกิดกลิ่นที่สำคัญที่สุดของวานิลลา (Haykin-Frenkel *et al.* 1996) การนำไปใช้ประโยชน์ของวานิลลานั้นมีหลายรูปแบบ เช่น สารสกัดวานิลลา (*vanilla extract*) วานิลลาทิงเจอร์ (*vanilla tincture*) หรือวานิลลาผง สารวานิลลินที่สกัดได้จากวานิลลาจะมีกลิ่นหอมที่เกิดจากธรรมชาติ ซึ่งมีคุณภาพดีกว่าสารวานิลลินสังเคราะห์ ซึ่งสังเคราะห์จากของเสียของโรงงานทำกระดาษ และ *eugenol* จากน้ำมันกานพลู ที่มีราคาถูกกว่าวานิลลินที่สกัดได้จากธรรมชาติ (วราวุธ ชูธรรมรัช และ อรุณ เลียววสุต, 2535)

วานิลลาเป็นพืชที่เกิดขึ้นในป่าพื้นเมืองตะวันออกเฉียงใต้ของประเทศเม็กซิโก กัวเตมาลา และบางส่วนของประเทศแถบอเมริกากลาง ปัจจุบันมีการปลูกกระจายอยู่ทั่วไปโดยเฉพาะในเขตร้อนชื้น เช่น มาดากัสการ์ หมู่เกาะริยูเนียน อินโดนีเซีย (Heywood, 1985) ประเทศที่ผลิตและส่งออกเป็นรายใหญ่ที่สุดในโลกคือประเทศมาดากัสการ์ รองลงมาคือ ประเทศอินโดนีเซีย วานิลลาถือเป็นพืชทองของอินโดนีเซีย ทางรัฐบาลอินโดนีเซียกำลังส่งเสริมและพัฒนาพืชนี้ให้เป็นพืชเศรษฐกิจ ที่สำคัญพืชหนึ่ง ทำรายได้ให้แก่เกษตรกรค่อนข้างสูง โดยจำหน่ายราคาฝักสดกิโลกรัมละ

125 บาท ฝักที่แห้งแล้วหลังจากหมักบ่มแล้วราคา กิโลกรัมละ 700-1,000 บาท ขึ้นอยู่กับการคัดเกรด (ประยูร สมฤทธิ์. 2544) แต่การปลูกวานิลาก็มักจะมีปัญหาจากการทำลายของโรคอยู่เสมอ เช่น โรคเน่าดำ (Black rot) ซึ่งเกิดจากเชื้อ *Phytophthora palmivora* (แสงมณี ชิงดวง และคณะ. 2536) นอกจากนี้ยังมีโรค *Phytophthora rot* เชื้อสาเหตุคือ *Phytophthora meadii* (Bhai and Thomas. 2000) โรคลำต้นเน่า (Stem rot) ซึ่งเกิดจากเชื้อ *Fusarium oxysporum* f.sp. *vanillae* (George. 1973) และโรคแอนแทรคโนส เชื้อสาเหตุคือ *Glomerella vanillae* (George. 1973)

ลักษณะทางพฤกษศาสตร์ของวานิลาวานิลาเป็นพืชเถาเลื้อย พบขึ้นในป่าดิบชื้น มีอายุการให้ผลหลายปี (perennial) ลำต้นสีเขียว อวบน้ำ ยาวได้หลายเมตร ค่อนข้างกลมหรือแบนเล็กน้อย ผิวเรียบหรือเป็นร่องตามยาว มีรากอากาศสำหรับยึดติดบนต้นไม้อื่นหรือไม้หลัก ใบมีลักษณะเรียวยาวรูปไข่ ใบหนาและอวบน้ำ บางสายพันธุ์ใบได้ลครูปไปมีลักษณะเป็นเกล็ดมองคล้ายไม่มีใบ ช่อดอกสั้น เกิดตามข้อ ดอกค่อนข้างโต ดอกมีสีเหลืองอมเขียวหรือสีเขียวปนขาว กลีบดอกขนาดใกล้เคียงกัน โคนกลีบปากด้านข้างเชื่อมกับเส้าเกสร ส่วนปลายกางออกและมีขนครุยตรงกลางหรือแนวกลางกลีบ ฝักยาว 7-22 เซนติเมตร ภายในฝักมีเมล็ดขนาดเล็กละเอียดสีดำจำนวนมาก (อบฉันท์ ไทยทอง. 2543 : Ames and Correll. 1985)

วราวุธ ชูธรรมรัช (2536) กล่าวไว้ว่าสภาพแวดล้อมที่มีผลต่อการเจริญเติบโตของวานิลา ได้แก่ ฝนและอุณหภูมิ โดยวานิลาสามารถเจริญเติบโตได้ดีในเขตร้อนชื้น ในแหล่งปลูกวานิลาควรมีปริมาณฝนระหว่าง 850-2000 มิลลิเมตร ต่อปี วานิลาต้องการการกระจายของฝนที่สม่ำเสมอ ประมาณ 9-10 เดือน เพื่อให้เถาและฝักที่ติดมีการเจริญเติบโตดี ต้องการช่วงแล้งอย่างน้อย 2 เดือน สำหรับการออกดอก แต่ไม่ควรมีช่วงแล้งนานเกินไป อุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโตของวานิลาอยู่ระหว่าง 21-23 องศาเซลเซียส ความชื้นสัมพัทธ์ระหว่าง 60-80 เปอร์เซ็นต์ ปริมาณแสงที่พอเหมาะมีความสำคัญต่อการเจริญเติบโตและให้ผลผลิตของวานิลา นอกจากนี้ยังมีผลต่อน้ำหนักและกลิ่นของฝักวานิลาด้วย วานิลาต้องการแสงเพียงเล็กน้อย โดยวานิลาจะมีการเจริญเติบโตทางด้านเถาและรากดีเมื่อได้รับแสงเพียง 30-50 เปอร์เซ็นต์

เมื่อวานิลาออกดอกจำเป็นต้องช่วยผสมเกสร มิฉะนั้นจะไม่ติดฝัก ช่วงเวลาที่เหมาะสมคือช่วงเช้า ในต้นเดียวกันควรผสมไม่เกิน 10-12 ช่อ เค็ดาดอกที่เหลือทิ้งเพื่อไม่ให้แย่งอาหาร วิธีผสมเกสรโดยใช้ไม้ไผ่ปลายแหลม หรือไม้จิ้มฟันด้านแหลมเขี่ยแผ่นบาง ๆ ที่กั้นระหว่างเกสร ตัวผู้กับตัวเมียออกและใช้นิ้วหัวแม่มือบีบเกสรตัวเมียให้ติดกับเกสรตัวผู้ เคลี่ยละอองเกสรให้ทั่ว วานิลาจะให้ผลผลิตเมื่ออายุ 2-3 ปี และให้ผลผลิตเพิ่มขึ้นจนอายุ 7-8 ปี ฝักวานิลานับแต่ได้รับการผสมเกสรจนถึงเจริญเต็มที่ใช้เวลาประมาณ 10 เดือน ระยะเวลาที่เหมาะสมสำหรับการเก็บเกี่ยวคือ ฝักเริ่มมีสีเหลืองที่ปลายฝัก หากปล่อยให้ฝักเหลืองจะเริ่มปริแตก (กลุ่มพืชสมุนไพรและ เครื่องเทศ. 2543)

สายพันธุ์ของวานิลลา วานิลลาสายพันธุ์ที่ปลูกเป็นการค้า *Vanilla planifolia* Andrews (Hawkes.1965) ลำต้นสีเขียวเข้ม ผิวต้นเกลี้ยง กลมหรือแบนเล็กน้อย รากออกที่ข้อ ใบมีก้านสั้น ใบหนาอวบน้ำ รูปไข่ยาวรี ขนาดกว้าง 3 นิ้ว ยาว 9 นิ้ว ดอกออกตามข้อ ช่อดอกยาวประมาณ 3 นิ้ว แต่ละช่อมีดอกมากถึง 20 ดอก ขนาดดอกประมาณ 2.5 นิ้ว มีสีเหลืองอมเขียว วานิลลาสายพันธุ์ที่พบในประเทศไทย (อบฉันท ไทยทอง. 2543 : Seidenfaden and Smitinand. 1958 : Comber. 1990 : Seidenfaden and Wood. 1992) ได้แก่ *V. aphylla* Rolfe (เถาเขียว เครื่องเขียว คคนกกุค) ลำต้นเป็นลำเกือบกลมหรือแบนเล็กน้อย ผิวต้นเกลี้ยง สีเขียวเข้ม ปล้องยาวได้ถึง 50 เซนติเมตร กว้าง 0.5 - 1 เซนติเมตร รากออกที่ข้อ ใบลดรูปไปมีลักษณะเป็นเกล็ดมองคล้ายใบไม้ ใบ ดอกออกตามข้อ เป็นช่อสั้น ช่อละ 2-3 ดอก ขนาดดอกประมาณ 3-4 เซนติเมตร ฤดูออกดอก ออกตลอดปี แหล่งที่พบ เกือบทุกภาคตามป่าดิบแล้ง *V. siamensis* Rolfe ex Downie (พลูช้าง) ลำต้นสีเขียวเข้ม ผิวต้นเกลี้ยง กลม ปล้องยาว 20 - 50 เซนติเมตร กว้าง 1 - 1.5 เซนติเมตร รากออกที่ข้อ ใบรูปรี มีขนาดใหญ่ ขนาด 10 - 30 x 6 - 12 เซนติเมตร แผ่นใบเรียบ หนา อวบน้ำ ปลายแหลมหรือปลายมน สีเขียวเข้ม ดอกออกตามข้อเป็นช่อสั้น ๆ ดอกในช่อทยอยบานเป็นเวลานาน ขนาดดอก 4 - 5 เซนติเมตร กลีบค่อนข้างอวบน้ำ ฤดูออกดอก เมษายน-มิถุนายน แหล่งที่พบ ภาคเหนือ (ดอยสุเทพ ดอยเชียงดาว) ภาคตะวันออก (เขาสอยดาว) *V. pilifera* Holttum (งค สามร้อยค้อใหญ่) ลำต้นปล้องยาว 7 - 10 เซนติเมตร สีเขียวเข้ม รากออกที่ข้อ ใบมีขนาด 10 - 16 x 4 - 8 เซนติเมตร ใบบางปลายแหลม ดอกสีขาวปนเขียว ออกตามข้อเป็นช่อสั้น ๆ ขนาดดอก 2 - 3 เซนติเมตร แหล่งที่พบ ครัวประจวบคีรีขันธ์ *V. albida* Bl., Bijdr. ลำต้นปล้องยาว สีเขียวเข้ม รากออกที่ข้อ ใบแคบ ขนาด 12 - 14 x 3.5 - 5 เซนติเมตร ดอกช่อดอกสั้น ยาว 1 - 3 เซนติเมตร ช่อละ 6 - 12 ดอก ดอกมีสีขาวปนเขียว ช้างในมีสีม่วง

โรคที่สำคัญของวานิลลา ได้แก่ โรคแอนแทรคโนส เกิดจากเชื้อรา *Glomerella vanillae* (Zimm.) Petch & Ragun เชื้อเข้าทำลายบริเวณลำต้นและใบ บริเวณที่เป็นโรคเห็นเป็นรอยบุ๋มลงเป็นรูปไข่หรือวงรี อาการเริ่มแรกเห็นเป็นจุดดำน้ำก่อนแล้วจึงเริ่มเปลี่ยนเป็นสีเหลืองและแผลเริ่มแห้ง หลังจากนั้นสีของแผลจะเริ่มเข้มขึ้น ทำให้เถาเหี่ยวและฝกร่วงได้ (George. 1973) โรคลำต้นเน่า (Stem rot) เกิดจากเชื้อรา *Fusarium oxysporum* f. sp. *vanillae* ระยะแรกบริเวณรากจะเริ่มมีสีน้ำตาลและเริ่มตาย โดยเริ่มสังเกตเห็นบริเวณผิวดิน ต่อมารากก็จะตายและจะมีผลต่อการสร้างรากใหม่ ส่วนปลายยอดก็จะตาย ส่วนลำต้นและใบเริ่มเป็นสีเหลือง จนในที่สุดก็อาจถึงตายได้ (George. 1973) โรคลำต้นเน่านี้เป็นโรคที่สำคัญและมีการแพร่กระจายอย่างกว้างขวางของพื้นที่ปลูกในประเทศอินโดนีเซีย ซึ่งทำให้เกิดความเสียหายทางเศรษฐกิจทุกปี โดยจะมีการแพร่ระบาดรุนแรงบริเวณ ซวา บาห์ลี และสุมาตราเหนือ (Tombe et al. 1991) โรค Phytophthora rot เกิดจากเชื้อ *Phytophthora meadii* เชื้อจะเข้าทำลายทำให้เกิดอาการบริเวณเนื้อเยื่อที่อยู่เหนือดิน และทำให้เกิดอาการรากเน่า Bhai and Thomas (2000) รายงานว่าที่ประเทศอินเดีย โรคนี้ทำให้เกิด

อาการเน่าที่ฝัก ใบ และลำต้นของวานิลลา ซึ่งเป็นรายงานครั้งแรกที่พบโรคที่เกิดจากเชื้อ *Phytophthora* spp. เป็นครั้งแรกในอินเดียอีกด้วย และโรคเน่าดำ (Black rot) เกิดจากเชื้อรา *Phytophthora palmivora* ซึ่งแสงมณี ชิงดวงและคณะ (2536) รายงานว่า จากการทดลองปลูกวานิลลา ของสถาบันวิจัยพืชสวนจังหวัดเชียงใหม่ ได้ประสบปัญหาการเกิดโรคของวานิลลา โดยจะระบาดรุนแรงมากขึ้นเมื่อมีความชื้นของอากาศสูง อาการเริ่มแรก คือใบหรือลำต้นเป็นสีเหลือง โดยเชื้อจะเข้าทำลายที่บริเวณรากอ่อน แล้วลุกลามขึ้น โคนต้นและจากลำต้น ไปสู่ใบและยอด ส่วนที่ถูกทำลายจะเหลือง จากนั้นใบ ลำต้น ท่อน้ำและท่ออาหารจะถูกทำลาย เกิดอาการเน่าเป็นสีดำ และแห้งตายไปในที่สุด ส่วนใบและยอดมีอาการเน่าและเป็นสีดำและเหี่ยวช่น

โรคแอนแทรคโนส (Anthracnose) เกิดจากเชื้อรา *Glomerella vanillae* (Zimm.) Petch&Ragun imperfect Stage of *Colletotrichum* sp. เข้าทำลายบริเวณลำต้นและใบ เป็นรอยปุ่มรูปไข่หรือวงรี อาการเริ่มแรกเห็นเป็นจุดดำน้ำก่อนแล้วจึงเริ่มเปลี่ยนเป็นสีเหลืองและแผลเริ่มแห้ง หลังจากนั้นสีของแผลจะเริ่มเข้มขึ้นทำให้เถาเหี่ยวและฝักร่วงได้ (George. 1973) จากรายงานการปลูกวานิลลาในประเทศอินเดียพบว่าโรคที่ทำให้เกิดความเสียหายรุนแรงในแหล่งปลูกคือ โรคแอนแทรคโนสที่มีสาเหตุมาจากเชื้อรา *Calospora vanillae* ซึ่งจะเข้าทำลายลำต้น ใบและราก ทำให้ฝักเหี่ยวและร่วง ในสภาพแปลงปลูกที่มีความชื้นสูงมาก มีการระบายน้ำในดินไม่ดี มีสภาพร่มเงามากเกินไป จะทำให้มีการระบาดของโรคนี้ได้ง่าย (Sasikumar *et al.* 1992)

โรคลำต้นเน่า (Stem rot) เกิดจากเชื้อรา *Fusarium oxysporum* f. sp. *vanillae* ระยะแรกบริเวณรากจะเริ่มมีสีน้ำตาลและเริ่มตาย โดยเริ่มสังเกตเห็นบริเวณผิวดิน ต่อมารากก็จะตายและจะมีผลต่อการสร้างรากใหม่ ปลายยอดก็จะตาย ลำต้นและใบเริ่มเป็นสีเหลือง จนในที่สุดก็อาจถึงตายได้ (George. 1973) โรคลำต้นเน่านี้เป็นโรคที่สำคัญและมีการแพร่กระจายอย่างกว้างขวางของพื้นที่ปลูกในประเทศอินโดนีเซีย ซึ่งทำให้เกิดความเสียหายทางเศรษฐกิจทุกปี โดยจะมีการแพร่ระบาดรุนแรงบริเวณ ชวา บาห์ลีและสุมาตราเหนือ (Tombe *et al.* 1991)

โรค *Phytophthora* rot เกิดจากเชื้อ *Phytophthora meadii* เชื้อจะเข้าทำลายทำให้เกิดอาการบริเวณเนื้อเยื่อที่อยู่เหนือดินและทำให้เกิดอาการรากเน่า Bhai and Thomas (2000) รายงานว่าโรคนี้ทำให้เกิดอาการเน่าที่ฝัก ใบและลำต้นของวานิลลา ซึ่งเป็นรายงานครั้งแรกที่พบ โรคที่เกิดจากเชื้อ *Phytophthora* spp. ในอินเดีย

โรคเน่าดำ (Black rot) เกิดจากเชื้อรา *Phytophthora palmivora* ซึ่ง แสงมณี ชิงดวง และคณะ (2536) รายงานว่าจากการทดลองปลูกวานิลลาของสถาบันวิจัยพืชสวนจังหวัดเชียงใหม่ ได้ประสบปัญหาการเกิดโรคของวานิลลา โดยจะระบาดรุนแรงมากขึ้นเมื่อมีความชื้นของอากาศสูง อาการเริ่มแรกคือ ใบหรือลำต้นเป็นสีเหลือง โดยเชื้อจะเข้าทำลายที่บริเวณรากอ่อน แล้วลุกลามขึ้น โคนต้นและจากลำต้น ไปสู่ใบและยอด ส่วนที่ถูกทำลายจะเหลือง จากนั้นใบ ลำต้น ท่อน้ำและท่ออาหารจะถูกทำลาย เกิดอาการเน่าเป็นสีดำและแห้งตายไปในที่สุด ส่วนใบและยอดมีอาการเน่าและ

เป็นสินค้าและเหยี่ยวัน ดังนั้นโรคที่สำคัญและทำความเสียหายกับวานิลารุนแรงมากและมีผลทำให้ผลผลิตของฝักวานิลาลดลง ได้แก่ โรคแอนแทรคโนส โรครากเน่า ลำต้นเน่า

การควบคุมโรคพืชโดยชีววิธี

การควบคุมโรคพืชโดยชีววิธี (Biological control of plant pathogens) หมายถึง การใช้จุลินทรีย์หรือสิ่งมีชีวิตหรือสารสกัดจากสิ่งมีชีวิตที่มีประสิทธิภาพในการยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อสาเหตุที่ทำให้เกิดโรคพืช สามารถลดปริมาณเชื้อก่อโรคและลดการเกิดโรคได้ รวมถึงการใช้พืชพันธุ์ต้านทานโรค เพื่อให้การเกิดโรคลดลงจนต่ำกว่าระดับความเสียหายทางเศรษฐกิจ โดยการใช้การควบคุมโรคพืชโดยชีววิธีร่วมกับวิธีการควบคุมโรคพืชวิธีการอื่นๆ แบบผสมผสานซึ่งอาจเรียกว่า การควบคุมโรคพืชโดยชีววิธีแบบผสมผสาน (Integrated biological control of plant disease) (เกษมสร้อยทอง. 2548) ในการนำเทคโนโลยีควบคุมโรคพืชโดยชีววิธี หรือการนำเอาจุลินทรีย์ไปใช้เพื่อความสำเร็จของการลดปริมาณเชื้อก่อโรคและลดอัตราการเกิดโรคพืชนั้น จำเป็นจะต้องศึกษาและทำความเข้าใจถึงกลไกการควบคุมโรค (Control mechanisms) ของจุลินทรีย์ควบคุมโรคพืชหรือจุลินทรีย์ต่อต้านเชื้อโรคพืชว่ามีกลไกหรืออาวุธในการเข้าทำลายเชื้อโรคพืชอย่างไร ซึ่ง เกษมสร้อยทอง (2548) ได้อธิบายกลไกที่เกี่ยวข้องกับขบวนการต่อต้านเชื้อโรคพืช (Antagonism) 5 ลักษณะคือ

1. การแย่งอาหารกัน (Competition) หมายถึง การที่เชื้อสาเหตุทำให้เกิดโรคพืชและจุลินทรีย์ต่อต้านเชื้อโรคพืชจะแข่งขันกันในการเจริญเติบโตและขยายพันธุ์ จากการแย่งกันดูดซับอาหารพวกสารอินทรีย์ต่างๆ และเจริญเข้าครอบครอง (Colonization) ในบริเวณนั้น ดังนั้นสิ่งมีชีวิตใดเจริญเติบโตได้ดีกว่า จึงหมายถึงมีความสามารถในการแย่งอาหารได้ดีกว่า เช่น การทดสอบเลี้ยงเชื้อ *Trichoderma harzianum* ร่วมกับเชื้อ *Phytophthora parasitica* และ *P. palmivora* สาเหตุโรครากเน่าและโคนเน่าของพริกไทยและโรคเน่าค้ำของวานิลา ตามลำดับ บนอาหาร PDA พบว่าเชื้อ *T. harzianum* สามารถเจริญได้รวดเร็วกว่าเชื้อรา *Phytophthora* และเจริญปกคลุมโคโลนีของเชื้อสาเหตุโรคทั้ง 2 ชนิด ได้หมดภายใน 5 วัน หลังจากวางเชื้อ *T. harzianum* บนอาหารเลี้ยงเชื้อ ทำให้สามารถแย่งอาหารและที่อยู่อาศัยและยังมีความสามารถในการเจริญเติบโตที่เหนือกว่าการเจริญของเชื้อราสาเหตุโรครากเน่า (แสงมณี ชิงดวง และคณะ. 2540)

2. การสร้างสารปฏิชีวนะ (Antibiosis) จุลินทรีย์ต่อต้านเชื้อโรคพืช (Antagonistic microorganism) เป็นจุลินทรีย์ที่สามารถเจริญเติบโตได้ดีโดยการดูดซับสารละลายอินทรีย์เป็นอาหารในการเจริญแพร่ขยายพันธุ์และปลดปล่อยสารพิษ (Toxin) หรือสารปฏิชีวนะ (Antibiotic substances) ออกมาภายนอก สารดังกล่าวมีคุณสมบัติยับยั้งหรือทำลายเซลล์ของเชื้อสาเหตุโรคพืชที่อยู่ในบริเวณนั้นได้ มีผลทำให้เซลล์เชื้อสาเหตุโรคตาย ลดปริมาณลง อ่อนแอลง ความสามารถในการทำให้เกิดโรคลดลง ตัวอย่างของเชื้อจุลินทรีย์ต่อต้านที่สร้างสารปฏิชีวนะได้แก่ *Chaetomium globosum* ที่สร้างสาร Chaetoglobosin C และ ergosterol ซึ่งสามารถยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อ

ราสาเหตุโรคต่างๆ ได้ เช่น *Colletotrichum gloeosporioides*, *C. dematium*, *Fusarium oxysporum*, *Phytophthora parasitica*, *P. palmivora* และ *Pyricularia oryzae* (Soytong et al. 2001) Kanokmedhakul et al. (2006) พบสารกลุ่ม azaphilones ใหม่ 3 สาร ได้แก่ rotiorinols A-C (1-3) สารกลุ่ม stereoisomers 2 สาร คือ (-)-rotiorin (4) และ epi-isochromophilone II (5) และไม่ทราบกลุ่ม คือ rubrorotiorin (6) ที่แยกได้จากเชื้อรา *Chaetomium cupreum* CC3003 จากการทดสอบฤทธิ์ทางชีวภาพ พบว่าสาร 1, 3, 4 และ 6 สามารถต่อต้านเชื้อ *Candida albicans* โดยมีค่า IC_{50} เท่ากับ 10.5, 16.7, 24.3 และ 0.6 $\mu\text{m/ml}$ ตามลำดับ

Silva et al. (2006) พบว่า สาร Cadinane sesquiterpenes 5 ชนิด ที่แยกได้โดยวิธี bioassay-guided fractionation จากรา endophyte *Phomopsis cassiae* ที่เจริญอยู่ในต้นขี้เหล็กอเมริกัน (*Cassia spectabilis*) เป็นพืชในตระกูล Caesalpinioideae พบว่า 3, 11, 12-trihydroxycadalenone เป็นสารประกอบที่ได้ ที่มีประสิทธิภาพที่สุดในการยับยั้งเชื้อรา *Cladosporium sphaerospermum* และ *Cladosporium cladosporioides*

Lu et al. (2000) รายงานว่า เชื้อรา endophyte *Colletotrichum* sp. ในชิงเฮาซึ่งเป็นพืชสมุนไพรในประเทศจีน สามารถผลิตสาร antimicrobial metabolites มายับยั้งการเจริญของแบคทีเรีย *Bacillus subtilis*, *Staphylococcus aureus*, *Sarcina lutea* และ *Pseudomonas* sp. และยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *Candida albicans* และ *Aspergillus niger* และยับยั้งเชื้อราสาเหตุโรคในพืช *Gaeumannomyces graminis* var. *tritici*, *Rhizoctonia cerealis*, *Helminthosporium sativum* และ *Phytophthora capsici*

3. การเป็นปรสิตของเชื้อก่อโรค (Parasitism) หรือเชื้อราฆ่าเชื้อโรค (Mycoparasite) หมายถึง การที่จุลินทรีย์ชนิดหนึ่งหรือหลายชนิดสามารถเจริญบนจุลินทรีย์อีกชนิดหนึ่งที่เป็นเชื้อสาเหตุทำให้เกิดโรค โดยคุณน้ำเลี้ยงหรือได้รับอาหารโดยตรงจากเชื้อสาเหตุโรค จุลินทรีย์ดังกล่าวอาจเรียกว่า เป็นเชื้อราฆ่าเชื้อโรค (Mycoparasite) (เกษม สร้อยทอง. 2548) จากรายงานของ แสง มณี ชิงดวง และคณะ (2540) ที่ทำการทดสอบเลี้ยงเชื้อ *Trichoderma harzianum* ร่วมกับเชื้อ *Phytophthora parasitica* และ *P. palmivora* สาเหตุโรครากเน่าและโคนเน่าของพริกไทยและโรคน้ำค้ำของวานิลาตามลำดับ บนอาหาร PDA พบว่าเชื้อ *T. harzianum* สร้างเส้นใยเข้าไปสัมผัสกับเส้นใยของเชื้อรา *Phytophthora* และพันรัดล้อมรอบเส้นใยแล้วเจริญแทงเข้าไปในเส้นใยของเชื้อรา *Phytophthora* และใช้ของเหลวที่อยู่ในเส้นใยเป็นอาหาร โดยพบว่าของเหลวภายในเส้นใยของเชื้อรา *Phytophthora* ที่ถูกทำลายจะหายไป เกิดเป็นช่องว่าง ทำให้มีลักษณะแตกต่างจากเส้นใยปกติเป็นผลให้เชื้อรา *Phytophthora* ไม่สามารถเจริญต่อไปได้ และยังพบว่าเส้นใยที่ถูกทำลายมีลักษณะโป่งพอง และเมื่อการทำลายรุนแรงมากขึ้นเส้นใยจะสลายตัวไป

4. การขัดขวางการเจริญของเชื้อโรคพืช (Hyphal interference) เป็นกลไกอย่างหนึ่งของจุลินทรีย์ต่อต้านเชื้อโรคพืช ซึ่งสามารถเจริญพันรัดเส้นใยหรือโครงสร้างต่างๆ ของเชื้อราสาเหตุโรค

พืช มีผลต่อการรบกวนหรือขัดขวางการเจริญเติบโตของเชื้อราสาเหตุโรค ทำให้มีการเจริญเติบโตที่ผิดปกติไป เสียรูปทรง ความสามารถในการซึมผ่านของของเหลวเซลล์สูญเสียไป

5. การสร้างภูมิคุ้มกันโรค (Plant immunity) เป็นการชักนำให้พืชป้องกันตนเองโดยการปลูกเชื้อหรือการใช้สารเคมีบางชนิด ทำให้พืชเกิดความต้านทานโรคเฉพาะแห่งและกระจายทั่วต้น เนื่องจากพืชในธรรมชาติไม่สามารถสร้างแอนติบอดีมาต่อต้านเชื้อสาเหตุโรคพืชได้ และกลไกการป้องกันทางชีวเคมีของพืชส่วนใหญ่ จะไม่เกิดขึ้นจนกว่าจะมีสัญญาณเตือน (Signal transmitted) จากเชื้อสาเหตุโรคที่เข้าทำลายเซลล์พืช (เกษม สร้อยทอง. 2548)

การเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อพืชเป็นศาสตร์ด้านเทคโนโลยีชีวภาพสาขาหนึ่ง โดยนำเซลล์เนื้อเยื่อหรืออวัยวะส่วนที่เป็นเนื้อเยื่อเจริญของพืชมาเลี้ยงในอาหารสังเคราะห์ ในสภาพปราศจากเชื้อภายใต้การควบคุมสภาวะแวดล้อมที่เหมาะสม ได้แก่ อุณหภูมิ แสงสว่าง และความชื้น เป็นต้น

การเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อพืชกำเนิดมาจากหลักการ Totipotency ที่ว่า เซลล์พืชเดี่ยวๆ ทุกเซลล์มีลักษณะ และองค์ประกอบทางพันธุกรรมสมบูรณ์เหมือนต้นแม่ ซึ่งสามารถเจริญและพัฒนาเป็นต้นใหม่ได้

ประโยชน์ของการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อพืช

1. การขยายพันธุ์พืช การเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อสามารถขยายพันธุ์พืชที่ขยายพันธุ์ด้วยวิธีอื่นได้ยากหรือขยายได้ช้า เทคนิคการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อพืชสามารถเพิ่มจำนวนต้นได้จำนวนมากได้ อย่างรวดเร็ว สามารถผลิตต้นพันธุ์ได้ตลอดปี ซึ่งต้นพันธุ์ที่ได้มีลักษณะเหมือนเดิมทุกประการ และให้ผลผลิตคุณภาพดี
2. การผลิตต้นพันธุ์ที่ปราศจากโรค พืชหลายชนิดมีเชื้อไวรัสแฝงตัวอยู่ในท่อลำเลียงจึงเป็นการยากต่อการผลิตพันธุ์พืชที่ปราศจากโรค ดังนั้นการเพาะเลี้ยงส่วนของปลายยอดที่ยังไม่มีท่อลำเลียงสามารถจัดการปนเปื้อนของไวรัสเหล่านั้นได้
3. การผลิตสารสำคัญหรือสารทุติยภูมิ พืชหลายชนิดสามารถผลิตสารสำคัญได้ ซึ่งสารสำคัญเหล่านี้ เช่น สารตัวยารักษาโรค สีย้อมใช้ในอุตสาหกรรม ซึ่งการนำพืชเหล่านี้มาเพาะเลี้ยงในสภาวะที่ควบคุมได้ทำให้สามารถชักนำให้เซลล์ของพืชผลิตสารในปริมาณที่เพิ่มมากขึ้น
4. การอนุรักษ์พันธุกรรมและการแลกเปลี่ยนพันธุ์พืช เป็นการเก็บรวบรวมพันธุ์พืชโดยการเพาะเลี้ยงไว้ในขวด และบังคับให้เติบโตอย่างช้าๆ ซึ่งทำให้สามารถเก็บรักษาพันธุ์พืชไว้ได้นาน ประหยัดพื้นที่ และแรงงาน นอกจากนี้ยังมีความสะดวกต่อการแลกเปลี่ยนพันธุ์พืชกับต่างประเทศ เพราะอยู่ในขวดเพาะเลี้ยง และปราศจากเชื้อโรค
5. การปรับปรุงพันธุ์พืช เป็นการนำเทคนิคการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อพืชมาประยุกต์ใช้ เช่น การสร้างพืชโครโมโซมชุดเดียว การชักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ การรวมเซลล์พืช และพันธุวิศวกรรมของพืช

ในการศึกษาวิจัยด้านเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อของวานิลานั้น George และ Ravishankar (1997) ได้ทำการเพาะเลี้ยงตาข้างของวานิลา สกุล *V. planifolia* ในอาหารกึ่งแข็งกึ่งเหลวสูตร MS (Murashige และ Skoog, 1962) ที่ประกอบด้วยสารควบคุมการเจริญเติบโต BA 2 มิลลิกรัมต่อลิตร และ NAA 1 มิลลิกรัมต่อลิตรสามารถชักนำให้เกิดยอดจำนวนมาก จากนั้นย้ายยอดมาเพาะเลี้ยงในอาหาร ที่ประกอบด้วยสารควบคุมการเจริญเติบโต BA 1 มิลลิกรัมต่อลิตร และ NAA 0.5 มิลลิกรัมต่อลิตร เป็นเวลา 2-3 อาทิตย์ แล้วย้ายมาเพาะเลี้ยงในอาหารกึ่งแข็งกึ่งเหลว โดยวิธีนี้ยอดหนึ่งยอดสามารถเพิ่มเป็น 42 ยอด ในเวลา 134 วัน

Geetha และ Shetty (2000) ได้ทำการทดลองเลี้ยงปลายยอด และบริเวณตาข้างวานิลา สกุล *V. planifolia* ในอาหารสูตร คือ MS ที่ประกอบด้วยสารควบคุมการเจริญเติบโต BAP 1 มิลลิกรัมต่อลิตร เป็นเวลา 10 สัปดาห์ แล้วย้ายไปในอาหารใหม่ทุกๆ 4 สัปดาห์ สามารถชักนำให้เกิดกลุ่มของเซลล์ที่พัฒนาขึ้น แล้วย้ายลงมาเพาะเลี้ยงในอาหาร สูตร N69 ที่ประกอบด้วย BAP 0.5 มิลลิกรัมต่อลิตร ร่วมกับ d-biotin 0.05 มิลลิกรัมต่อลิตร folic acid 0.5 มิลลิกรัมต่อลิตร และซูโครส 2 เปอร์เซ็นต์ สามารถชักนำให้เกิดการขีดตัวของยอด และการเกิดราก หลังจากนั้นทำการตัดยอดที่มีขนาด 7-8 เซนติเมตร แล้วย้ายในอาหารสูตรเดิม ทุกๆ 2-3 สัปดาห์

Giridhar และคณะ (2002) รายงานว่าการเพาะเลี้ยงปลายยอดของวานิลา สกุล *V. planifolia* ในอาหารสูตร ที่ประกอบด้วยสารควบคุมการเจริญเติบโต BA และ PAA สามารถชักนำให้เกิดยอดใหม่ที่เกิดจากตาได้เป็นผลสำเร็จ และสามารถชักนำให้เกิดเป็นต้นและรากที่สมบูรณ์ได้

ที่พระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี ได้มีการรวบรวมวานิลาสายพันธุ์ป่าที่พบในประเทศไทยไว้ 5 สายพันธุ์ ซึ่งจากการศึกษาเบื้องต้นพบว่าแต่ละสายพันธุ์มีลักษณะแตกต่างกัน เช่นการออกดอกขนาดของฝัก ตลอดจนการเพาะเลี้ยง

วานิลาเป็นไม้ที่มีสารหอมระเหยที่สามารถนำสารสกัดมาใช้ในการทำอาหาร อุตสาหกรรมยาและสารหอมระเหยได้ ซึ่งประเทศไทยต้องมีการนำเข้าสารสกัดวานิลาเป็นจำนวนมากในแต่ละปี จึงน่าจะมีการศึกษาหาสายพันธุ์ทั้งวานิลาสายพันธุ์ป่า สายพันธุ์ที่เป็นการค้า เพื่อการปรับปรุงพันธุ์ให้ได้ผลผลิตทั้งปริมาณและคุณภาพ ประเทศไทยเป็นประเทศเกษตรกรรม การเพาะปลูกพืชส่วนใหญ่มุ่งเน้นการเพิ่มผลผลิตทั้งทางด้านคุณภาพและปริมาณ รวมทั้งวานิลา (Vanilla) ซึ่งเป็นพืชที่จัดอยู่ในตระกูลกล้วยไม้ที่มีสารหอมระเหยที่สามารถนำสารสกัดมาใช้ในการทำอาหาร อุตสาหกรรมยาและสารหอมระเหยได้ ซึ่งประเทศไทยต้องมีการนำเข้าสารสกัดวานิลาเป็นจำนวนมากในแต่ละปี จึงน่าจะมีการศึกษาหาสายพันธุ์ทั้งวานิลาสายพันธุ์ป่า สายพันธุ์ที่เป็นการค้า รวมทั้งพันธุ์ลูกผสมจากการผสมพันธุ์ข้ามเพื่อการปรับปรุงพันธุ์ให้ได้ผลผลิตทั้งปริมาณและคุณภาพ แต่การศึกษาโดยอาศัยความรู้ทางด้านสัณฐานวิทยาและสรีรวิทยาอาจให้ข้อแตกต่างของแต่ละชนิดไม่ชัดเจน รวมทั้งต้องใช้ระยะเวลาในการศึกษาจากพันธุ์ลูกผสม รวมทั้งต้องใช้ผู้ที่มิ

ประสบการณ์และเชี่ยวชาญพิเศษ จึงควรมีการคัดเลือกและศึกษาความหลากหลายทาง พันธุกรรมของวานิลลา ทั้งเพื่อการอนุรักษ์พันธุ์ ปรับปรุงพันธุ์ลูกผสมวานิลลาสายพันธุ์ใหม่ๆ

ดังนั้นประเทศไทยนอกจากจะมีการนำเข้าสารสกัดวานิลลินเป็นจำนวนมากในแต่ละปีแล้ว จึง น่าจะมีการอนุรักษ์วานิลลาสายพันธุ์ป่าที่พบในประเทศไทยไม่ให้สูญพันธุ์ไปในอนาคตเนื่องจากการ เปลี่ยนแปลงของสิ่งแวดล้อม และน่าจะมีการปรับปรุงสายพันธุ์ลูกผสมขึ้นมาเพื่อประโยชน์ต่อการ ให้ผลผลิตทั้งปริมาณและคุณภาพ ตลอดจนการนำไปสู่การสกัดสารวานิลลินใช้เองภายในประเทศ ต่อไป สำหรับในประเทศไทยได้มีการค้นคว้าวิจัยถึงเทคนิคและวิธีการปลูกวานิลลาในแหล่งต่าง ๆ ทางภาคเหนือ ภาคใต้ ภาคตะวันออกของประเทศ เพื่อให้ได้ผลผลิตสูง จึงควรที่จะสนับสนุน การศึกษาวานิลลาสายพันธุ์ป่าที่พบในประเทศไทยและศึกษาการปรับปรุงสายพันธุ์ลูกผสมที่ให้ผล ผลิตสูงทั้งทางด้านปริมาณและคุณภาพ ซึ่งจะเป็นการสามารถลดการนำเข้าของน้ำมันหอมระเหย จากต่างประเทศได้

วิธีการดำเนินการวิจัย

สถานที่ทำการทดลอง

พระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี

คณะเทคโนโลยีการเกษตร คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหาร ลาดกระบัง

ห้องปฏิบัติการภาควิชาเคมี คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น

การศึกษาสภาพแวดล้อมที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโตและการออกดอกแต่ละสายพันธุ์

ทำการศึกษาสภาพแวดล้อมที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโต การขยายพันธุ์ และการออก ดอกและฝักของวานิลลาแต่ละสายพันธุ์ โดยศึกษาทางด้านอุณหภูมิและความชื้นในอากาศที่เหมาะสม ตลอดจนทำการศึกษาด้านการเกิดโรคและแมลงศัตรูของวานิลลา โดยทำการวัดอุณหภูมิและความชื้น เปรียบเทียบ วานิลลาแต่ละสายพันธุ์ที่ปลูกในโรงเรือน และภายนอกโรงเรือน และการดูแล การให้ปุ๋ย การกำจัดแมลง การควบคุมโรคโดยชีววิธี ในวานิลลาทั้ง 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* สังเกตการเจริญเติบโต จำนวนสายพันธุ์ละ ประมาณ 100 ต้น การขยายพันธุ์และการออกดอกตามธรรมชาติ การศึกษาการออกดอกโดยทำการ ทดลองวานิลลาจำนวน 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* ที่พระตำหนักสวนปทุม ในสภาพภายในโรงเรือนควบคุมอุณหภูมิ และสภาพภายนอก โรงเรือน ศึกษาการออกดอก ลักษณะของดอก และความเป็นไปได้ของการผสมข้ามสายพันธุ์ที่ ออกดอก สังเกตการเจริญเติบโตจนเป็นฝักแก่ และนำมาขยายพันธุ์ลักษณะต่างๆ

การศึกษาความต้องการและการตอบสนองของปุ๋ยเคมีและดินปลูกที่เหมาะสม

โดยทำการทดลองแบบ Randomized Complete Block Design (RCBD) จำนวน 4 ซ้ำ มี factor มี การใช้ปุ๋ยเคมีร่วมกับปุ๋ยอินทรีย์ชีวภาพ อัตรา 1:1 โดยน้ำหนัก ปุ๋ยเคมีที่ใช้ได้แก่ 15-15-15 และ 8-24-24 มีจำนวนวนินลา 5 ต้นต่อ treatment จำนวน 4 ซ้ำ รวม 240 ต้น ทำการควบคุมโรคโดยใช้ไม่ใช้สารเคมี โดยนำจุลินทรีย์ป้องกันกำจัดโรคพืช (ทีโตนีเยม) อัตรา 10 กรัมต่อน้ำ 20 ลิตร และใช้ป้องกันกำจัดแมลงโดยฉีดพ่นสารสกัดสะเดา อัตรา 100 ซีซี ต่อน้ำ 20 ลิตร และเก็บข้อมูลการเจริญเติบโตด้านลำต้น การออกดอก และการติดฝักวนินลา เพื่อเป็นข้อมูลในการทดลองต่อไป

ศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของพันธุ์วนินลา

ทำการสำรวจและเก็บรวบรวมตัวอย่างจากแหล่งต่างๆ โดยทำการบันทึกข้อมูลสายพันธุ์ แหล่งที่มาของสายพันธุ์อย่างชัดเจน รวมทั้งเก็บรวบรวมสายพันธุ์ถูกผสมต่างๆที่ทำขึ้นก่อนหน้านี้

นำตัวอย่างใบอ่อนที่เก็บมาได้มาทำความสะอาดด้วยสารละลาย EDTA ความเข้มข้น 25 มิลลิโมลาร์ ให้สะอาด จากนั้นมาบดให้ละเอียดในทีโตนีเยมในโตรเจนเหลว นำผงละเอียดที่ได้มาสกัดดีเอ็นเอซึ่งมี 2 วิธี คือ การใช้กระดาษสำเริงรูปสำหรับสกัดดีเอ็นเอ (เพื่อสะดวกในการเก็บตัวอย่างในอนาคต) และโดยการใช้ชุดสกัดสำเริงรูป DNeasy Plant Mini Kit ของ Qiagen

ในกรณีใช้ชุดสกัดสำเริงรูป DNeasy Plant Mini Kit ของ Qiagen จะนำผงที่ได้ใส่ลงในหลอดทดลองขนาด 1.5 มิลลิลิตร ประมาณ 100 มิลลิกรัม เติมนสารละลายบัฟเฟอร์ AP1 ปริมาตร 400 ไมโครลิตร และสารละลาย RNase ปริมาตร 4 ไมโครลิตร ผสมให้เป็นเนื้อเดียวกันโดยการ vortex จากนั้นนำไปปั่นที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที โดยทำการกลบหลอดไปมาเบาๆทุก 2-3 นาทีเพื่อให้สารผสมเป็นเนื้อเดียวกัน เติมนสารละลายบัฟเฟอร์ AP2 ปริมาตร 130 ไมโครลิตร และนำไปแช่ในน้ำแข็งเป็นเวลา 5 นาที คูณสารละลายที่ได้ลงในคอลัมน์สีม่วง นำไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที นาน 2 นาที คูณสารละลายส่วนใสที่ได้ใส่ลงในหลอดทดลองขนาด 1.5 มิลลิลิตรและเติมนสารละลายบัฟเฟอร์ AP3/E ปริมาตร 675 ไมโครลิตร คูณสารละลายที่ผสมแล้วปริมาตร 650 ไมโครลิตร ลงในคอลัมน์สีขาวนำไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที นาน 1 นาที (ทำซ้ำอีกครั้ง) จากนั้นย้ายคอลัมน์สีขาว ใส่ลงในหลอดขนาด 2 มิลลิลิตรที่มาพร้อมกับชุดสกัดดีเอ็นเอ เติมนสารละลายบัฟเฟอร์ AW ปริมาตร 500 ไมโครลิตร นำไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 8,000 รอบต่อนาที นาน 1 นาที เติมนสารละลายบัฟเฟอร์ AW ปริมาตร 500 ไมโครลิตรลงไปอีกครั้ง และนำไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที นาน 2 นาที ย้ายคอลัมน์ใส่วางในหลอดทดลองขนาด 1.5 มิลลิลิตร และเติมนสารละลายบัฟเฟอร์ AE ปริมาตร 100 ไมโครลิตร จากนั้นนำไปปั่นที่อุณหภูมิห้อง นาน 10 นาที ตามด้วยการนำไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที นาน 1 นาที นำคอลัมน์ออกจากหลอดทดลอง โดยส่วนใสที่อยู่ในหลอดทดลองขนาด 1.5 มิลลิลิตร คือ ดีเอ็นเอที่สกัดได้ นำมาตรวจสอบความบริสุทธิ์และความเข้มข้นของ

ดีเอ็นเอโดยการวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 260 และ 280 นาโนเมตรและการทำเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส

ในกรณีใช้กระดาษสำเร็จรูปสำหรับสกัดดีเอ็นเอ นำผงที่ได้ใส่ลงในหลอดทดลองขนาด 1.5 มิลลิลิตร เติมสารละลายบัฟเฟอร์ผสมให้เป็นเนื้อเดียวกันโดยการ vortex จากนั้นนำไปหยดลงบนกระดาษ ปล่อยให้แห้งที่อุณหภูมิห้องหรือบ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที สามารถเจาะกระดาษขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 2 มิลลิเมตรนำไปเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอโดยเทคนิคปฏิกิริยาอุกโซโพลีเมอเรสได้เลย ทำการเปรียบเทียบประสิทธิภาพของการสกัดดีเอ็นเอ

การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอโดยเทคนิคปฏิกิริยาอุกโซโพลีเมอเรส

การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอด้วยเทคนิคปฏิกิริยาอุกโซโพลีเมอเรส เพื่อทำการศึกษาในบริเวณ Internal Transcribed Spacer region (ITS) โดยใช้ไพรเมอร์ชนิดต่างๆ ตาม White และคณะ (1990) และทำการสังเคราะห์ดีเอ็นเอในบริเวณดังกล่าว โดยการเติมสารเคมีที่เป็นส่วนประกอบในการทำ PCR ลงในหลอดทดลองขนาด 0.2 มิลลิลิตร ให้มีปริมาตรรวมเท่ากับ 25 ไมโครลิตร ด้วยเครื่อง DNA thermal cycle โดยใช้สภาวะดังนี้คือ Initial Denaturation อุณหภูมิ 95 องศาเซลเซียส นาน 5 นาที Denaturation อุณหภูมิ 94 องศาเซลเซียส นาน 1.5 นาที Annealing อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส นาน 2 นาที และ Extension อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส นาน 3 นาที ทั้ง 3 สภาวะใช้จำนวนรอบ 35 รอบ และ Final Extension อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส นาน 5 นาที หรือตามสภาวะที่เหมาะสมของแต่ละไพรเมอร์ นำผลิตภัณฑ์ PCR ที่ได้มาตรวจสอบขนาดของชิ้นดีเอ็นเอโดยวิธีเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส โดยเทียบจากแถบดีเอ็นเอมาตรฐานที่ทราบขนาด และส่งผลิตภัณฑ์ PCR เพื่อทำการเรียงตัวของลำดับเบส นำมาวิเคราะห์ด้วยโปรแกรมเพื่อหาความสัมพันธ์ของลำดับเบส ทำการเปรียบเทียบประสิทธิภาพของปฏิกิริยาระหว่างการสกัดดีเอ็นเอแบบใช้ชุดสกัดสำเร็จรูปและการใช้กระดาษสำเร็จรูปสำหรับสกัดดีเอ็นเอ

การศึกษาด้วยเทคนิค Restriction Fragment Length Polymorphism (RFLP)

การตัดผลผลิต PCR ด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะ (PCR-RFLP) โดยการนำผลผลิต PCR ในบริเวณ ITS ที่ได้ มาตัดด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะโดยเอนไซม์ตัดจำเพาะที่นำมาใช้ในการศึกษาขึ้นกับไพรเมอร์และผลผลิตที่ได้จากปฏิกิริยา เช่น ในกรณีใช้ ไพรเมอร์ชนิด ITS1 และ ITS4 จะมีตำแหน่งในการตัดของเอนไซม์ *HindIII*, *HaeIII*, *SmaI* และ *BamHI* ซึ่งเป็นทั้งที่มีและไม่มีจุดตัดบริเวณตำแหน่งดังกล่าว โดยนำผลผลิต PCR ที่ทราบปริมาณความเข้มข้นใส่ลงในหลอดทดลองขนาด 0.2 มิลลิลิตร เติมสารละลาย 10X RE Buffer ปริมาตร 2 ไมโครลิตร Bovine Serum Albumin ปริมาตร 0.2 ไมโครลิตร เอนไซม์ตัดจำเพาะปริมาตร 0.5 ไมโครลิตร และน้ำกลั่นที่ปราศจากไอออนให้ได้ปริมาตรสุดท้ายเป็น 20 ไมโครลิตร ผสมให้สารละลายผสมเป็นเนื้อเดียวกัน จากนั้นนำส่วนผสมทั้งหมดไปบ่มที่อุณหภูมิตามที่กำหนดของเอนไซม์แต่ละชนิด เป็นเวลาประมาณ 4 ชั่วโมง แล้วทำการหยุดปฏิกิริยาโดยนำหลอดทดลองไปบ่มที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส เป็นเวลา

10 นาที จากนั้นตรวจผลที่ได้จากการตัดด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะโดยวิธีเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส นำมาวิเคราะห์จัดกลุ่ม พร้อมกับเปรียบเทียบผลกับการแบ่งกลุ่มโดยใช้ลำดับเบส

การศึกษาด้วยเทคนิค Random amplified polymorphic DNA (RAPD)

สกัดดีเอ็นเอจากใบอ่อนเช่นเดียวเทคนิค PCR-RFLP นำดีเอ็นเอที่สกัดได้มาทำการเพิ่มปริมาณเช่นเดียวกัน แต่จะเป็นในตำแหน่งต่างโดยใช้ชุดของไพรเมอร์ชนิดต่างๆ ที่มีลำดับเบส 10 เบสแทน โดยใช้สภาวะที่เหมาะสมของแต่ละไพรเมอร์ที่จะให้แถบที่แยกชัดเจน นำผลิตภัณฑ์ PCR ที่ได้มาตรวจสอบขนาดของชิ้นดีเอ็นเอโดยวิธีเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส โดยเทียบจากแถบดีเอ็นเอมาตรฐานที่ทราบขนาด และนำมาวิเคราะห์ด้วยโปรแกรมเพื่อหาความสัมพันธ์ของแถบที่เกิดขึ้นในแต่ละตัวอย่าง

นำผลการวิเคราะห์ด้วยเทคนิคการหาลำดับเบส (Sequencing) ของชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่ได้จากการทำปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอเรสที่ได้ไปเปรียบเทียบกับฐานข้อมูลที่มีอยู่แล้วของ gene bank เพื่อเปรียบเทียบกับลำดับที่มีอยู่แล้ว โดยอาศัยตำแหน่งของจุดตัดจากเทคนิค PCR-RFLP ร่วมด้วย สำหรับเทคนิค RAPD ทำการวิเคราะห์เปรียบเทียบแถบที่เกิดขึ้น บันทึกผลในแต่ละตัวอย่างและในแต่ละไพรเมอร์ที่ใช้ นำข้อมูลที่ได้มาวิเคราะห์หาความสัมพันธ์เป็นรายคู่แบบ UPGMA (The unweighted pair group method with arithmetic mean)

การศึกษาวีธีการสกัดและหาปริมาณของสารวานิลินจากฝักวานิลาแต่ละชนิด

การสกัดและแยกสารวานิลิน ศึกษาวิธีการสกัดสารวานิลินจากฝักวานิลาแต่ละชนิดด้วยตัวทำละลายอินทรีย์ที่เหมาะสม เพื่อให้ได้ปริมาณสารวานิลินในปริมาณสูงสุด ทำการแยกสารวานิลินโดยวิธีทางโครมาโทกราฟีและวิธีการสกัดแยก หรือวิธีการตกผลึก พิสูจน์ยืนยันโครงสร้างทางสเปกโตรสโคปี และหาปริมาณสารวานิลิน เมื่อได้สภาวะที่เหมาะสมในการได้สารสกัดจากขั้นตอนการสกัดแล้ว นำสารสกัดดังกล่าวไปหาปริมาณสารวานิลินโดยใช้เครื่อง HPLC ศึกษาวิธีและพัฒนาการสกัดแยกสารวานิลินที่เหมาะสมในการแยกในปริมาณมาก

ทดลองหาสูตรอาหารที่เหมาะสมในการชักนำการเจริญเติบโตของตาข้างของวานิลาเพื่อชักนำให้เจริญเติบโตเป็นต้นใหม่

เตรียมอาหารเพาะเลี้ยงสูตร MS คัดแปลงที่มีการเติมซูโครส 30 กรัมต่อลิตร วัน 8 กรัมต่อลิตร และสารควบคุมการเจริญเติบโต ได้แก่ BA และ IBA โดยมีความเข้มข้น 0.5-3 มิลลิกรัมต่อลิตร (ตารางที่ 1) ทำการปรับพีเอชให้ได้เท่ากับ 5.8 ก่อนนำเข้าเครื่องนึ่งฆ่าเชื้อแบบใช้ความดัน ที่ความดัน 15 ปอนด์/ตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที นำส่วนตาข้างของ *V. planifolia* และ *V. pififera* ล้างทำความสะอาด นำไปแช่แอลกอฮอล์ร้อยละ 95 เพื่อกำจัดสิ่งสกปรกภายนอกออกเป็นเวลา 1-2 นาที ฟอกฆ่าเชื้อชิ้นส่วนเนื้อเยื่อ โดยใช้ความเข้มข้นคลอโรกซ์ร้อยละ 30-40 ที่มีการเติม Tween-20 ผสมให้เข้ากันและเขย่าตลอด 30 นาที นำเข้าสู่ปลอดเชื้อ

หลังจากนั้นทำการล้างชิ้นส่วนเนื้อเยื่อด้วยน้ำกลั่นที่นิ่งมาเชื้อ 2 ครั้งๆ ละ 4-6 นาที นำชิ้นส่วนเนื้อเยื่อวางบนจานแก้วที่มีทิชชูผ่านการนิ่งมาเชื้อ พร้อมทั้งทำการตัดแต่งชิ้นส่วนเนื้อเยื่อให้เหลือเฉพาะส่วนตาข้างที่ต้องการ นำส่วนตาข้างที่ได้มาเพาะเลี้ยงในอาหารแข็ง สูตรละประมาณ 5 ชิ้น สังเกตการเจริญเติบโตและการเปลี่ยนแปลงของเนื้อเยื่อวานิลา พร้อมทั้งทำการเปลี่ยนถ่ายอาหาร ทุกๆ 4 สัปดาห์

ตารางที่ 1 สูตรอาหาร MS ตัดแปลง

สูตร	BA (มิลลิกรัมต่อลิตร)	IBA (มิลลิกรัมต่อลิตร)
MS 1	0.5	0.5
MS 2	0.5	1
MS 3	0.5	3
MS 4	1	0.5
MS 5	1	1
MS 6	1	3

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เรื่อง การอนุรักษ์และปรับปรุงพันธุ์วานิลาสายพันธุ์ป่าในประเทศไทย

ณ พระตำหนักสวนปทุม

บทคัดย่อ

จากการทดลองอย่างต่อเนื่องพบว่าวานิลาชอบเจริญในที่แสงแดครำไร ปริมาณความชื้นของแสงต่ำ อุณหภูมิค่อนข้างเย็นและความชื้นในอากาศต้องเหมาะสม จึงจะแตกตาดอกได้และโรคแอนแทรกโนส เป็นโรคที่ระบาดทำความเสียหายมากที่สุด ซึ่งเกิดจากเชื้อรา *Colletotrichum gloeosporioides* โดยเฉพาะจะระบาดมากในช่วงฤดูฝนทั้งที่ปลูกวานิลาภายในและนอกโรงเรือน วานิลาที่ปลูกภายในและภายนอกโรงเรือนมีการจัดการโดยให้น้ำอินทรีย์ชีวภาพ ป้องกันแมลงศัตรู โดยฉีดสารสกัดสะเดา ควบคุมโรคแอนแทรกโนสโดยใช้ยาเชื้อจุลินทรีย์คีโตเมียมชนิดผง ฉีดพ่นในวนิลาทั้ง 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* (พันธุ์จากประเทศฝรั่งเศส) จากศึกษาอย่างต่อเนื่องพบว่าวนิลา 4 สายพันธุ์ ได้แก่ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera* และ *V. albida* ที่ปลูกภายในบริเวณพระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี พบว่า *V. albida* ออกดอกในช่วงธันวาคมถึงกุมภาพันธ์ปีละครั้งเดียว และพัฒนาจากดอกเป็นฝักจนกระทั่งเก็บเกี่ยวเป็นเวลา 10 เดือน

จากการทดลองศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของวานิลา 6 สายพันธุ์ ด้วยวิธี RAPD โดยใช้ไพรเมอร์ OPA-07, OPA-20, OPB-14, OPB-18 และ OPC-09 โดยไพรเมอร์ OPB-14 เท่านั้นที่ไม่สามารถแยกได้ และพบว่าวานิลาสายพันธุ์ *V. planifolia varigata* และ *V. planifolia* มีความสัมพันธ์กัน ซึ่งอาจเป็นไปได้ว่าทั้งสองสายพันธุ์มีลักษณะใกล้เคียงกันมาก ไพรเมอร์ OPB-18 และ OPA-20 สามารถใช้แยก *V. siamensis* ได้ แต่สำหรับวานิลาสายพันธุ์อื่นยังไม่สามารถจำแนกได้อย่างชัดเจน พบว่าวนิลาทั้ง 2 สายพันธุ์สามารถพัฒนาส่วนตาข้างไปเป็นต้นใหม่ได้ ซึ่งต้นที่เกิดขึ้นมีสีเขียวเข้ม และสีเขียวอมเหลืองแตกต่างกันไปในแต่ละสูตรอาหาร โดยขั้นตอนมีลำดับดังภาพที่แสดง

นอกจากนี้ วานิลาสายพันธุ์ *V. planifolia* ที่ทำการเพาะเลี้ยงในอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 0.5+0.5, 0.5+1 และ 0.5+3 มิลลิกรัมต่อลิตร สามารถชักนำตาข้างของวานิลาให้เจริญเป็นต้นใหม่ได้ ส่วนอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 1+0.5, 1+1 และ 1+3 มิลลิกรัมต่อลิตร ไม่สามารถชักนำตาข้างของวานิลาให้เป็นต้นใหม่ได้ (ตารางที่ 2) โดยอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 0.5+1 มิลลิกรัมต่อลิตร มีอัตราการเจริญเป็นต้นใหม่ได้ดีที่สุด

ผลการวิจัย

การศึกษาสภาพแวดล้อมที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโตและการออกดอกแต่ละสายพันธุ์

ทำการศึกษาสภาพแวดล้อมที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโต การขยายพันธุ์ และการออกดอก และฝักของวานิลาแต่ละสายพันธุ์อย่างต่อเนื่อง พบว่าวานิลาชอบเจริญในที่แสงแดดรำไร ปริมาณความชื้นของแสงต่ำ อุณหภูมิค่อนข้างเย็นและความชื้นในอากาศต้องเหมาะสม จึงจะแตกดอกได้ จากการสำรวจโรคพบว่าโรคแอนแทรกโนส เป็นโรคที่ระบาดทำความเสียหายมากที่สุด ซึ่งเกิดจากเชื้อรา *Colletotrichum gloeosporioides* สามารถเข้าทำลายและทำให้วานิลาแสดงอาการแผลไหม้ใบ ลำต้นและฝัก โดยเฉพาะจะระบาดมากในช่วงฤดูฝน ส่วนแมลงศัตรูที่เข้าทำลายมีน้อยมากและไม่ทำให้เกิดความเสียหาย จากการทดลองปลูกวานิลาภายในและนอกโรงเรือน ซึ่งมีอุณหภูมิและความชื้นแตกต่างกัน กล่าวคือภายในโรงเรือนมีอุณหภูมิ 20 องศาเซลเซียส ความชื้นสัมพัทธ์ 70-80 % และภายนอกโรงเรือน ซึ่งปลูกในโรงเรือนที่คลุมวัสดุพรางแสง 50 % เป็นหลัก มีอุณหภูมิเฉลี่ย 27 องศาเซลเซียส และความชื้นสัมพัทธ์ 50-70 % พบว่าวานิลาแต่ละสายพันธุ์ที่ปลูกในโรงเรือน จะเจริญเติบโตได้ดีกว่าและภายนอกโรงเรือน แต่วานิลาที่ปลูกภายในโรงเรือนก็ยังสามารถออกดอกได้ดี เช่นเดียวกับวานิลาที่ปลูกภายนอกโรงเรือน

วานิลาที่ปลูกภายในและภายนอกโรงเรือนมีการจัดการโดยให้น้ำอินทรีย์ชีวภาพทุกกระยะ 1-2 เดือน ป้องกันแมลงศัตรูโดยฉีดสารสกัดสะเดาในอัตรา 100 ซีซีต่อน้ำ 20 ลิตร ควบคุมโรคแอนแทรกโนสโดยใช้ยาเชื้อจุลินทรีย์คีโตเมียมชนิดผง ฉีดพ่นในอัตรา 10 กรัมต่อน้ำ 20 ลิตร ในวานิลาทั้ง 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* (พันธุ์จากประเทศฝรั่งเศส) นอกจากนี้จากการสังเกตการณ์เจริญเติบโตของวานิลาทั้ง 5 สายพันธุ์ จำนวนสายพันธุ์ละ ประมาณ 100 ต้น พบว่ามีการเจริญเติบโตของลำต้น การแตกยอด ไม่แตกต่างกัน ส่วนการขยายพันธุ์ สามารถขยายพันธุ์ได้ทุกสายพันธุ์โดยการปักชำ และการออกดอกตามธรรมชาติของวานิลาจำนวน 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* พบว่าจะออกดอกในช่วงเดือนธันวาคมถึงกุมภาพันธ์ และได้ทดลองนำเกสรตัวผู้ของแต่ละสายพันธุ์ที่ได้มาผสมข้าม และผสมตัวเอง พบว่าเมื่อนำมาผสมตัวเอง (คนละต้น) สามารถติดฝักได้ดี แต่เมื่อนำมาผสมข้าม การติดฝักไม่ดีและมีปริมาณน้อย

จากการศึกษาพบว่าสภาพแวดล้อมที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโต การขยายพันธุ์ และการออกดอกและฝักของวานิลาแต่ละสายพันธุ์ ก่อนข้างที่จะเจริญได้ดี ในอุณหภูมิเย็น ซึ่งได้ปรับโรงเรือน โดยใช้เครื่องปรับความชื้นที่อุณหภูมิ 20-25 องศา และให้ความชื้นในอากาศที่เหมาะสม โดยการติดตั้งระบบสปริงเกอร์ มีผลทำให้การเจริญของวานิลาดีขึ้น

จากการสำรวจการเกิดโรคอย่างต่อเนื่อง ยังพบว่าวนิลาทุกสายพันธุ์ เกิดโรคแอนแทรกโนส ที่มีสาเหตุจากเชื้อรา *Colletotrichum gloeosporioides* ซึ่งพบทั้งที่ปลูกในโรงเรือน และภายนอกโรงเรือน ในวนิลาทั้ง 5 สายพันธุ์ คือ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera*, *V. albida* และ *V. aphylla* กล่าวได้ว่าวนิลาทั้งสี่สายพันธุ์อ่อนแอต่อการเกิดโรคแอนแทรกโนส โดยพบอาการโรคทั้งบนใบและลำต้น

จากศึกษาอย่างต่อเนื่องพบว่าการออกดอก ลักษณะของดอก และความเป็นไปได้ของการผสมข้ามสายพันธุ์ที่ออกดอก สังเกตการเจริญเติบโตจนเป็นฝักแก่ และนำมาขยายพันธุ์ดูลักษณะต่างๆ จากการศึกษาพบว่า วนิลา 4 สายพันธุ์ ได้แก่ *Vanilla planifolia*, *V. siamensis*, *V. pilifera* และ *V. albida* ที่ปลูกภายในบริเวณพระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี พบว่า *V. albida* ออกดอกในช่วงธันวาคมถึงกุมภาพันธ์ปีละครั้งเดียว และพัฒนาจากดอกเป็นฝักจนกระทั่งเก็บเกี่ยวเป็นเวลา 10 เดือน

การศึกษาการออกดอกของวนิลาแต่ละสายพันธุ์

จากการสำรวจ เก็บข้อมูลช่วงระยะเวลาในการออกดอก ของวนิลาทั้ง 4 สายพันธุ์ พบว่า *Vanilla albida* สายพันธุ์เดียวที่ออกดอก ในขณะที่อีก 3 สายพันธุ์ คือ *V. planifolia*, *V. siamensis*, และ *V. pilifera* ไม่มีการออกดอกเลย ซึ่ง *V. albida* สามารถออกดอกได้ในระหว่างเดือน ธันวาคม-กุมภาพันธ์ โดยออกดอกปีละหนึ่งครั้ง แต่ส่วนใหญ่ออกดอกในเดือน มกราคม 2546 และพัฒนาเป็นฝักแก่ในเดือนพฤศจิกายน ใช้เวลาในการพัฒนาจากดอกจนกระทั่งเป็นฝักที่เก็บเกี่ยวได้ประมาณ 10 เดือน เดือนมกราคม พบการออกดอกของ *V. albida* สำหรับวนิลาฝักลูกผสม ได้นำไปพยายามหาวิธีการขยายพันธุ์โดยการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อ และนำไปวิเคราะห์หาสารวนิลา

การศึกษาความต้องการและการตอบสนองของปุ๋ยเคมีและดินปลูกที่เหมาะสม

จากการทดลองพบว่าวนิลาทั้ง 4 สายพันธุ์ คือ *Vanilla albida*, *V. planifolia*, *V. siamensis*, และ *V. pilifera* เจริญได้ดีในดินร่วนปนทราย และตอบสนองต่อปุ๋ยเคมี ทั้งสองสูตร โดยทำให้วนิลามีการเจริญเติบโต ดีกว่า วนิลาที่ไม่ใช้ปุ๋ยเคมีดังกล่าว โดยใช้ร่วมกับปุ๋ยอินทรีย์ชีวภาพ ทำให้การเจริญเติบโตดีขึ้น

ศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของพันธุ์วนิลา

ใวนิลาสายพันธุ์ที่ใช้ในการทดลอง *V. planifolia*, (2) *V. pilifera*, (3) *V. siamensis*, (4) *V. albida*, (5) *V. aphylla*, (6) *V. planifolia variegata* (รูปที่ 9)

จากการทดลองเพื่อศึกษาและวิเคราะห์การจำแนกสายพันธุ์ของวานิลาโดยใช้เทคนิค ITS-PCR พบว่าการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอด้วยเทคนิคปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอเรส โดยใช้ดีเอ็นเอของตัวอย่างทั้ง 6 ตัวอย่าง เป็นดีเอ็นเอต้นแบบ และใช้ไพรเมอร์ ITS1 และ ITS4 ภายได้สถานะอุณหภูมิตั้งที่ได้อัตโนมัติข้างต้น เมื่อทำการตรวจสอบขนาดของดีเอ็นเอที่ได้ด้วยวิธีเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส พบว่าสามารถเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอบริเวณ ITS ของวานิลาทุกตัวอย่างได้ โดยมีขนาดดีเอ็นเอประมาณ 750 bp ผลแสดงดังรูปที่ 1 ซึ่งผลที่ได้จากการทำปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอเรสของตัวอย่างไม่สามารถแยกกลุ่มหรือใช้เป็นเครื่องหมายโมเลกุลได้เนื่องจากไม่มีข้อแตกต่างของขนาดของชิ้นดีเอ็นเอ



รูปที่ 1. แสดงขนาดของดีเอ็นเอที่ได้จากการทำปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอเรส ของตัวอย่างทั้ง 6 ตัวอย่าง โดย M คือ marker ขนาด 100 bp

จากการทดลองนำชิ้นดีเอ็นเอที่ได้จากการทำปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอเรสเพื่อหาลำดับเบส และนำมาหาความสัมพันธ์เชิงวิวัฒนาการของสิ่งมีชีวิต (phylogenetic relationship) โดยใช้ *Juncus scirpoides* (AY727821 และ AY727827), *Erycina hyalinobulbon* (AF350536), *Eriaxis rigida* (AF135201), *Epistephim subrepens* (AF135200) เป็น outgroup และใช้ *V.aphylla* (AF151006), *V.hersuta* และ *V.planifolia* (AF391786, AF030049, VPU66819) เป็น ingroup ดังรูปที่ 7 ซึ่งสามารถแบ่งตัวอย่างที่ใช้ในการศึกษาเป็น 2 กลุ่ม คือ กลุ่มที่ 1 ของ *V. siamensis* (VS), *V. aphylla* (VAL และ VAS) และ *V. aphylla* (AF151006) ซึ่งพบว่า *V. aphylla* ทั้ง 2 ลักษณะคือที่มีลักษณะลำต้นใหญ่ (VAL) และลำต้นเล็ก (VAS) อาจเป็นชนิดเดียวกันแต่ลำต้นแตกต่างกันขึ้นกับสภาวะแวดล้อม หรืออาจเป็นสายพันธุ์ที่ใกล้เคียงกัน และอาจกล่าวได้ว่า *V. siamensis* มีความใกล้ชิดกับ *V. aphylla* ดังนั้นจึงอาจใช้เพื่อการสร้างลูกผสมได้ และอีกกลุ่มหนึ่งคือ *V.hersuta* และ *V.planifolia*

(AF391786, AF030049, VPU66819) ซึ่งพบว่า *V. planifolia* จาก 2 แหล่งคือจากพระตำหนักสวนปทุม จังหวัดปทุมธานี (VPLA1) และจากภาคใต้ของไทย (VPLA2) มีความใกล้ชิดกันมาก รวมทั้ง *V. pilifera* (VPIL) รวมทั้ง *V. planifolia* ที่ใช้เป็น ingroup แต่อย่างไรก็ตามสายพันธุ์ที่ใช้ศึกษาจะมีความใกล้ชิดกับ *V. planifolia* (AF391786) มากกว่า *V. planifolia* (AF030049, VPU66819)

การทดลองเพื่อศึกษาและวิเคราะห์การจำแนกสายพันธุ์ของวานิลลาโดยใช้เทคนิค RAPD

หลังจากการสกัดดีเอ็นเอออกจากใบของวานิลลาทั้ง 6 สายพันธุ์ ที่บางสายพันธุ์มีลักษณะทางกายภาพไม่แตกต่างกัน จึงใช้เทคนิคระดับโมเลกุลช่วยในการจัดจำแนกสายพันธุ์ ไพรเมอร์ชนิด OPA-07 เกิดแถบ 2 สายพันธุ์คือ *V. planifolia* (VPLA5) และ *V. planifolia varigata* (VVAR1) โดยแถบ VVAR 1 มีความคล้ายคลึงกับ VPLA 5 (รูปที่ 2) ไพรเมอร์ OPA-20 เกิดแถบ 4 สายพันธุ์ของ *V. planifolia* (VPLA5), *V. pilifera* (VPIL2), *V. siamensis* (VS2) และ *V. planifolia varigata* (VVAR1) และไม่เกิดแถบ 2 สายพันธุ์ของ *V. albida* (VALB2) และ *V. aphylla* (VA1) โดยแถบที่เกิดขึ้นในแต่ละสายพันธุ์มีลักษณะแตกต่างกัน และแถบของสายพันธุ์ VPLA 5 และ VVAR 1 มีลักษณะบางส่วนคล้ายคลึงกัน (รูปที่ 3) และเมื่อใช้ไพรเมอร์ OPB-14 ไม่เกิดแถบทั้ง 6 สายพันธุ์ (รูปที่ 4) สำหรับไพรเมอร์ OPB-18 เกิดแถบ 3 สายพันธุ์ ได้แก่ *V. planifolia* (VPLA5), *V. siamensis* (VS2) และ *V. planifolia varigata* (VVAR1) โดย VS2 ให้แถบที่แตกต่างจากสายพันธุ์อื่น และแถบของ VPLA5 และ VVAR1 มีลักษณะบางส่วนคล้ายคลึงกัน (รูปที่ 5) และไพรเมอร์ OPC-09 เกิดแถบความคล้ายคลึง 4 สายพันธุ์ และไม่เกิดแถบ 2 สายพันธุ์ โดยสายพันธุ์ที่เกิดแถบคือ *V. planifolia* (VPLA5), *V. pilifera* (VPIL2), *V. siamensis* (VS2) และ *V. planifolia varigata* (VVAR1) และไม่เกิดแถบ คือ *V. albida* (VALB2) และ *V. aphylla* (VA1) โดย VPLA5, VPIL2 และ VS2 มีแถบที่เหมือนกัน (รูปที่ 6) และจากการใช้ไพรเมอร์ 5 ชนิด อาจกล่าวได้ว่า ไพรเมอร์ OPB-18 และ OPA-20 สามารถใช้แยก *V. siamensis* ได้ และ *V. planifolia* และ *V. planifolia varigata* น่าจะมีความใกล้ชิดกันเนื่องจากมีแถบเกิดขึ้นคล้ายๆกันในหลายไพรเมอร์



(1)



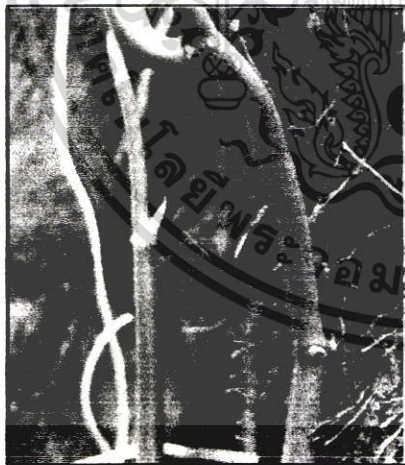
(2)



(3)



(4)



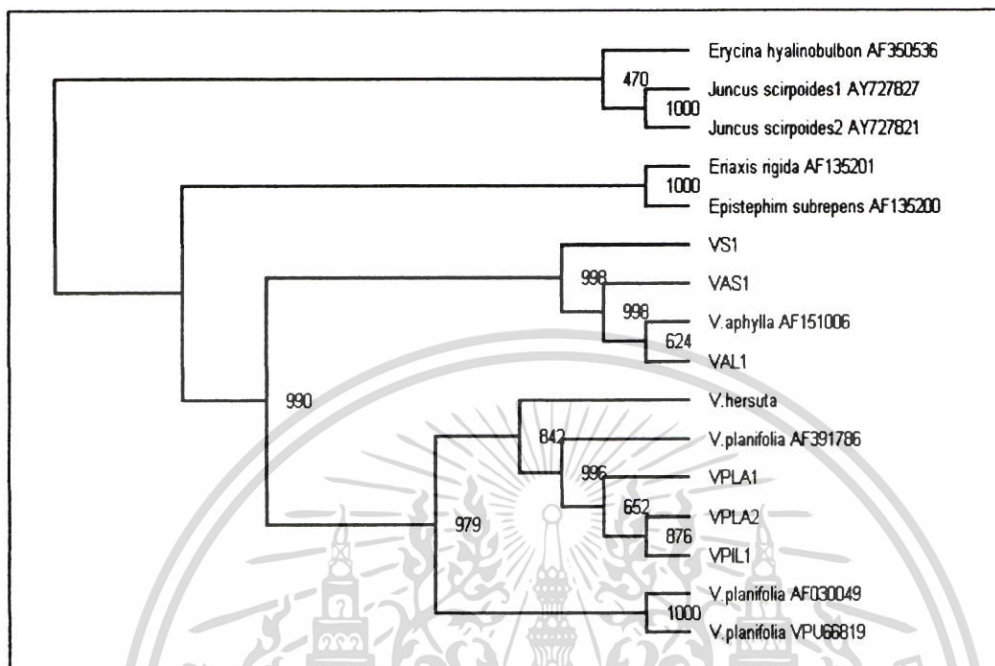
(5)



(6)

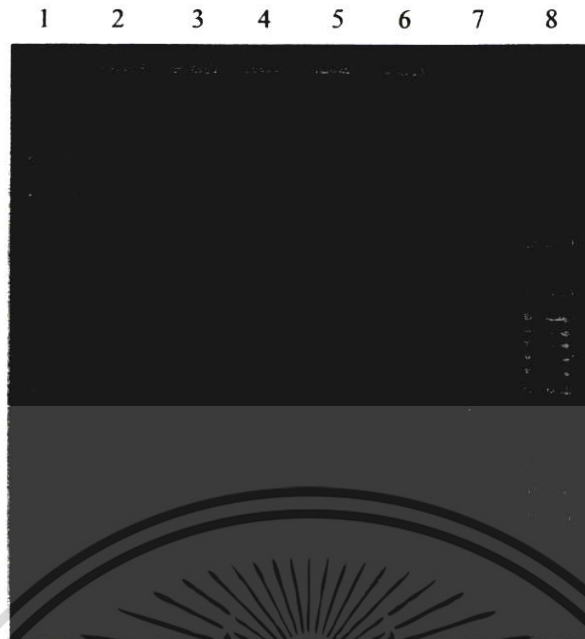
รูปที่ 9. ไบวานิลาสายพันธุ์ที่ใช้ในการทดลอง (1) *V. planifolia*, (2) *V. pilifera*, (3) *V. siamensis*, (4) *V. albida*, (5) *V. aphylla*, (6) *V. planifolia variegata*

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 3. แสดงความสัมพันธ์เชิงวิวัฒนาการ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

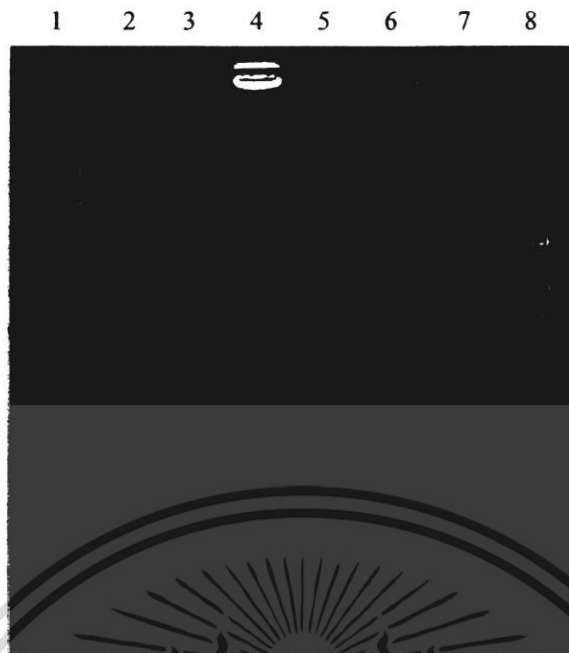


รูปที่ 4. เทคนิค RAPD คัดแยกสายพันธุ์วานิลลา โดยใช้ไพรเมอร์ OPA-07 ช่อง (1) 100 bp DNA Ladder, (2) VPLA 5, (3) VPIL 2, (4) VS 2, (5) VALB 2, (6) VA 1, (7) VVAR 1, (8) 50 bp DNA Ladder



รูปที่ 5. เทคนิค RAPD คัดแยกสายพันธุ์วานิลลา โดยใช้ไพรเมอร์ OPA-20 ช่อง (1) 100 bp DNA Ladder, (2) VPLA 5, (3) VPIL 2, (4) VS 2, (5) VALB 2, (6) VA 1, (7) VVAR 1, (8) 50 bp DNA Ladder

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



รูปที่ 6. เทคนิค RAPD คัดแยกสายพันธุ์วานิลลา โดยใช้ไพรเมอร์ OPB-14 ช่อง (1) 100 bp DNA, Ladder, (2) VPLA 5, (3) VPIL 2, (4) VS 2, (5) VALB 2, (6) VA 1, (7) VVAR 1, (8) 50 bp DNA Ladder



รูปที่ 7. เทคนิค RAPD คัดแยกสายพันธุ์วานิลลา โดยใช้ไพรเมอร์ OPB-18 ช่อง (1) 100 bp DNA, Ladder, (2) VPLA 5, (3) VPIL 2, (4) VS 2, (5) VALB 2, (6) VA 1, (7) VVAR 1, (8) 50 bp DNA Ladder

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

1 2 3 4 5 6 7 8



รูปที่ 8. เทคนิค RAPD คัดแยกสายพันธุ์วานิลลา โดยใช้ไพรเมอร์ OPC-09 ช่อง (1) 100 bp DNA Ladder, (2) VPLA 5, (3) VPIL 2, (4) VS 2, (5) VALB 2, (6) VA 1, (7) VVAR 1, (8) 50 bp DNA Ladder

จากการศึกษาทำการจำแนกวานิลลาสายพันธุ์ต่างๆ ออกจากกัน ด้วยเทคนิค ITS-PCR โดยทำการศึกษานำจำนวน 6 ตัวอย่าง เมื่อทำการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอด้วยเทคนิคปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอเรส โดยใช้ Universal primer ITS1 และ ITS4 พบขึ้นดีเอ็นเอมีขนาดประมาณ 750 bp ซึ่งผลที่ได้ยังไม่สามารถจำแนกตัวอย่างออกจากกันได้ตามขนาดของขึ้นดีเอ็นเอ จึงทำการศึกษาต่อด้วยการหาลำดับเบส (DNA sequencing) และเมื่อนำลำดับเบสที่ได้ ผลที่ได้พบว่าสามารถแยกตัวอย่างออกได้เป็น 2 กลุ่ม โดย *V. aphylla* และ *V. siamensis* มีความใกล้เคียงกว่า *V. planifolia*

การศึกษาวีธีการสกัดและหาปริมาณของสารวานิลินจากฝักวานิลลา

ศึกษาวีธีการสกัดสารวานิลินจากฝักวานิลลา ด้วยตัวทำละลายอินทรีย์ที่เหมาะสม เพื่อให้ได้ปริมาณสารวานิลินในปริมาณสูงสุด และวิธีการแยกสารวานิลินโดยวิธีทางโครมาโทกราฟี และวิธีการสกัดแยก พิสูจน์ยืนยันโครงสร้างทางสเปกโตรสโคปี และหาปริมาณสารวานิลิน

การสกัดสารวานิลินในเชิงอุตสาหกรรม กำลังอยู่ในระหว่างการวิจัยเนื่องจากต้องรอให้มีปริมาณฝักวานิลลาให้มีจำนวนมากพอก่อน จึงจะสามารถพัฒนาการสกัดแยกสารวานิลินที่เหมาะสมในการแยกในปริมาณมาก

การทดลองหาสูตรอาหารที่เหมาะสมในการชักนำการเจริญเติบโตของตาข้างของวานิลา เพื่อชักนำให้เจริญเติบโตเป็นต้นใหม่

โดยทำการสังเกตการเปลี่ยนแปลงของเนื้อเยื่อส่วนตาข้างของวานิลาจำนวน 2 สายพันธุ์ คือ *V. planifolia* และ *V. ptilifera* และคำนวณอัตราการเจริญเป็นต้นใหม่ พร้อมทั้งนำผลที่ได้ของการเพาะเลี้ยงในแต่ละสูตรอาหารมาเปรียบเทียบเพื่อหาสูตรอาหารที่เหมาะสมในการชักนำให้เจริญเป็นต้นใหม่ได้ โดยทำการทดลองเปรียบเทียบอาหารแข็งสูตร MS ที่มีปริมาณสารควบคุมการเจริญเติบโต คือ BA และ IBA แยกต่างกัน 6 สูตร ได้แก่ 0.5+0.5, 0.5+1, 0.5+3, 1+0.5, 1+1, 1+3 มิลลิกรัมต่อลิตร ตามลำดับ ซึ่งพบว่าวานิลาทั้ง 2 สายพันธุ์สามารถพัฒนาส่วนตาข้างไปเป็นต้นใหม่ได้ ซึ่งต้นที่เกิดขึ้นมีสีเขียวเข้ม และสีเขียวอมเหลืองแตกต่างกันไปในแต่ละสูตรอาหาร โดยชั้นตอนมีลำดับดังภาพที่แสดง

วานิลาสายพันธุ์ *V. planifolia* ที่ทำการเพาะเลี้ยงในอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 0.5+0.5, 0.5+1 และ 0.5+3 มิลลิกรัมต่อลิตร สามารถชักนำตาข้างของวานิลาให้เจริญเป็นต้นใหม่ได้ ส่วนอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 1+0.5, 1+1 และ 1+3 มิลลิกรัมต่อลิตร ไม่สามารถชักนำตาข้างของวานิลาให้เป็นต้นใหม่ได้ (ตารางที่ 2) โดยอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 0.5+1 มิลลิกรัมต่อลิตร มีอัตราการเจริญเป็นต้นใหม่ได้ดีที่สุด

วานิลาสายพันธุ์ *V. ptilifera* ที่ทำการเพาะเลี้ยงมีเฉพาะเพียงอาหารแข็งสูตร MS ที่เติม BA และ IBA ความเข้มข้น 1+1 มิลลิกรัมต่อลิตร เท่านั้นที่สามารถชักนำตาข้างให้เจริญเป็นต้นใหม่ได้

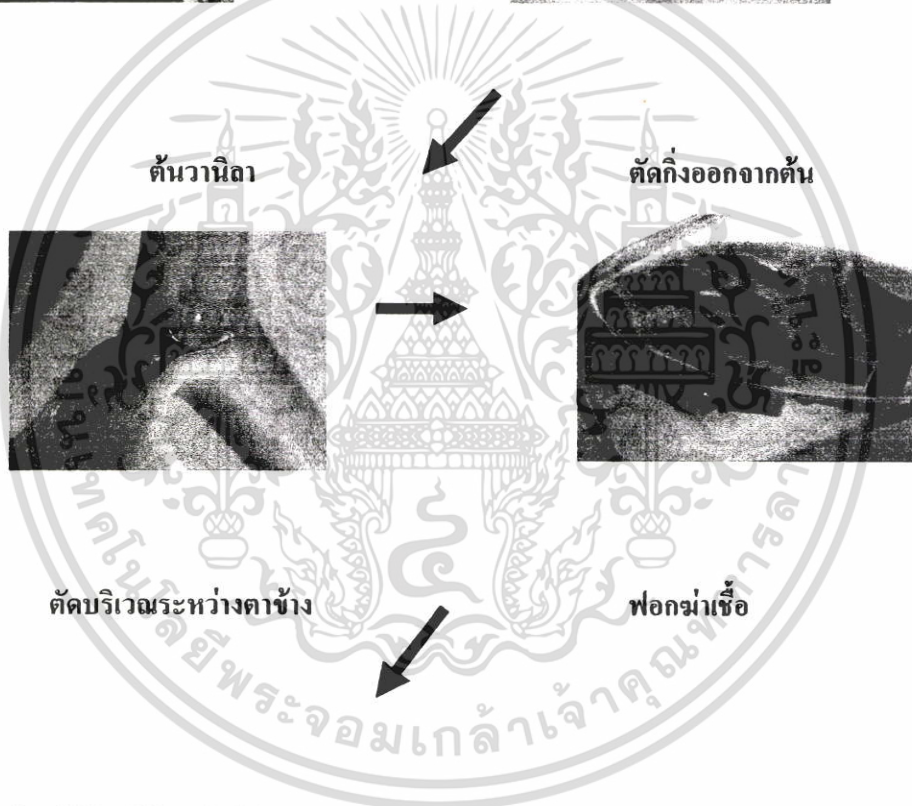
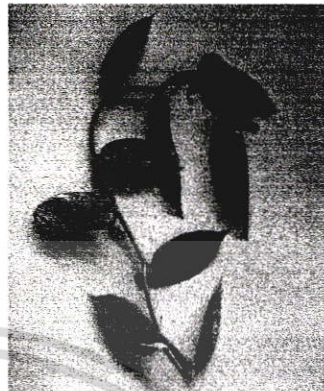
ตารางที่ 2 แสดงจำนวนและร้อยละตางของวานิลลาสายพันธุ์ *V. planifolia* ที่พัฒนาไปเป็นลักษณะต่าง ๆ บนอาหารแข็งสูตร MS ที่มีปริมาณ BA และ IBA ทั้ง 6 สูตร

สูตรอาหาร	จำนวนตางเริ่มต้น	จำนวนตางที่เป็นคุ่ม ในระยะเวลา 1 เดือน (เปอร์เซ็นต์)	จำนวนตางที่เป็นคุ่ม ในระยะเวลา 3 เดือน (เปอร์เซ็นต์)	จำนวนตางที่เป็นต้น ในระยะเวลา 4 เดือน (เปอร์เซ็นต์)
MS 1	5	2 (40)	3 (60)	1 (20)
MS 2	3	2 (66.7)	1 (33.33)	2 (66.7)
MS 3	4	2 (66.7)	1 (25)	2 (50)
MS 4	4	- (0)	3 (75)	- (0)
MS 5	3	- (0)	2 (66.7)	- (0)
MS 6	2	1 (50)	- (0)	- (0)

ตารางที่ 3 แสดงจำนวนและร้อยละตางของวานิลลาสายพันธุ์ *V. pilifera* ที่พัฒนาไปเป็นลักษณะต่าง ๆ บนอาหารแข็งสูตร MS ที่มีปริมาณ BA และ IBA ทั้ง 6 สูตร

สูตรอาหาร	จำนวนตางเริ่มต้น	จำนวนตางที่เป็นคุ่ม ในระยะเวลา 1 เดือน (เปอร์เซ็นต์)	จำนวนตางที่เป็นคุ่ม ในระยะเวลา 3 เดือน (เปอร์เซ็นต์)	จำนวนตางที่เป็นต้น ในระยะเวลา 4 เดือน (เปอร์เซ็นต์)
MS 1	5	- (0)	2 (40)	- (0)
MS 2	5	- (0)	2 (40)	- (0)
MS 3	5	- (0)	2 (40)	- (0)
MS 4	3	- (0)	- (0)	- (0)
MS 5	4	- (0)	2 (50)	1 (25)
MS 6	3	- (0)	- (0)	- (0)

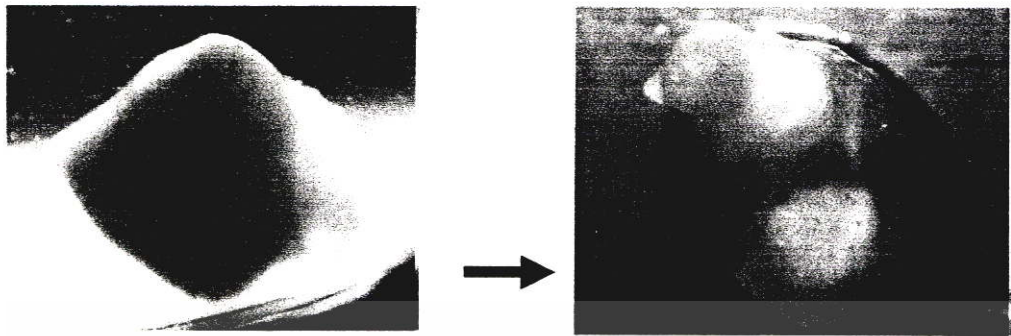
ขั้นตอนการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อวานิลลา



ล้างด้วยน้ำกลั่นหนึ่งฆ่าเชื้อ 3 ครั้ง

จับน้ำให้แห้งบนกระดาษ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



ตัดบริเวณตาข้างออกมาเพาะเลี้ยง

การพัฒนาของตาข้างระยะเวลา 1 เดือน



พัฒนาของตาข้างระยะเวลา 2 เดือน

การพัฒนาของตาข้างระยะเวลา 3 เดือน



การพัฒนาของตาข้าง

ระยะเวลา 4-5 เดือน

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอกสารอ้างอิง

- เกษม สร้อยทอง. 2548. เทคโนโลยีการควบคุมโรคพืชโดยชีววิธี. พิมพ์ครั้งที่ 2. กรุงเทพฯ : โรงพิมพ์สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง.
- เต็ม สมิตินันท์. 2523. ชื่อพรรณไม้แห่งประเทศไทย. พิมพ์ครั้งที่ 2. กรุงเทพฯ : ฟินนี่พับลิชชิง.
- วราวุธ ชูธรรมรัช. 2536. วนิดา. ศูนย์วิจัยพืชสวนชุมพร กรมวิชาการเกษตร.
- แสงมณี ชิงดวง, เอียน ศิลาน้อย, ศรีสุรางค์ ลิขิตเอกสาร, สมถวิล ศศิผลิน และเสริมศักดิ์ รักธรรม. 2536. “โรคเน่าค้ำของวานิลลา.” *เคหการเกษตร*. 17(5) : 170-172.
- แสงมณี ชิงดวง, ประเสริฐ เกร่งเปี้ยว และสุชาติ วิจิตรานนท์. 2540. “ผลของเชื้อรา *Trichoderma harzianum* ที่มีผลต่อเชื้อรา *Phytophthora parasitica* และ *P. palmivora* สาเหตุโรครากเน่าค้ำของวานิลลา.” *วารสารโรคพืช* 12(-) : 13-25.
- อบฉันท์ ไทยทอง. 2543. ถ้วยไม้เมืองไทย. กรุงเทพฯ : อมรินทร์พินดิ้งแอนด์พับลิชชิง.
- Bhai, R.S. and Thomas, J. 2000. “Phytophthora Rot a New Disease of Vanilla (*Vanilla planifolia* Andr.) in India.” *Journal of Spices and Aromatic Crops*. 9(1) : 73-75.
- Comber, J.B. 1990. *Orchids of Java*. Bangkok : Charoen Slip Press.
- Divakaran, M., Babu, K.N. and Peter, K.V. 2006. “Conservation of *Vanilla* species, in vitro.” *Scientia Horticulturae*. 110(2) : 175-180.
- Geetha, S. and Shetty S.A. 2000. *In vitro* propagation of *Vanilla planifolia*, a tropical orchid. *Current Science*. 79 (6): 886 – 889.
- George, F.N. 1973. *Bacterial and Fungi Disease of Plants in the Tropics*. U.S.A.: University of Florida Press.
- George P.S and Ravishankar G.A. 1997. *In vitro* multiplication of *Vanilla planifolia* axillary bud explants. *Plant cell report*. 16: 490-494.
- Giridhar P., Ramu D.V. and Ravishankar G.A. 2002. Plenyl acetic acid-induced *in vitro* shoot multiplication of vanilla planifolia. *Tropical Science*. 43(2): 92-95.
- Hawkes, A.D. 1965. *Encyclopaedia of Cultivated Orchids*. London : Faber and Faber Limited.
- Havkin-Frenkel, D., Podstolski, A. and Knorr, D. 1996. “Effect of light on vanillin precursors formation by in vitro cultures of *Vanilla planifolia*.” *Plant Cell Tissue and Organ Culture*. 45(2) : 133-136.
- Heywood, V.H. 1985. *Flowering Plants of The World*. London : Croom Helm Publishers.

- International Trade Center. 2550. List of importing countries. [online]. Available : <http://www.Trademap.net>.
- Kanokmedhakul, S., Kanokmedhakul, K., Nasomjai, P., Louangsysouphanh, S., Soyong, K., Kongsaree, P., Prabpai, S. and Suksamram, A. 2006. "Antifungal azaphilones from the fungus *Chaetomium cupreum* CC3003." **Journal Natural Products**. 69(6) : 891-895.
- Lu, H., Zou, W.X., Meng, J.C., Hu, J. and Tan, R.X. 2000. "New bioactive metabolites produced by *Colletotrichum* sp., an endophytic fungus in *Artemisia annua*." **Plant Science**. 151(1) : 67-73.
- Murashige T. and Skoog F. (1962) A revised medium for rapid growth and bioassays with tobacco tissue cultures. **Physio. Plant** 15: 473 – 497.
- Sasikumar, B., Rema, J. and Ravindran, P.N. 1992. "Vanilla." **Indian Cocoa, Arecanut and Species Journal**. 16(1) : 6-10.
- Seidenfaden, G. and Smitinand, T. 1958. **The Orchids of Thailand**. Bangkok : The Siam Society.
- Silva, G.H., Teles, H.L., Zanardi, L.M., Young, M.C., Eberlin, M.N., Hadad, R., Pfenning, L.H., Costa-Neto, C.M., Castro-Gamboa, I., Bolzani, V.da.S. and Araújo, Â.R. 2006. "Cadinane sesquiterpenoids of *Phomopsis cassiae*, an endophytic fungus associated with *Cassia spectabilis* (Leguminosae)." **Phytochemistry**. 67(17) : 1964-1969.
- Soyong, K., Kanokmedhakul, S., Kukongviriyapan, V. and Isobe, M. 2001. "Application of *Chaetomium* species (Ketomium) as a New Broad Spectrum Biological Fungicide for Plant Disease Control: A Review Article." **Fungal Diversity**. 7(-) : 1-15.
- Tombe, M., Komot, Y. and Tezuka, N. 1991. "Identification and Cultural Type of *Fusarium* isolates from Vanilla in Indonesia." **Industrial Crops Research Journal**. 6(1) : 1-5.
- Waliszewski, K.N., Pardio, V.T. and Ovando, S.L. 2007. "A simple and rapid HPLC technique for vanillin determination in alcohol extract." **Food Chemistry**. 101(3) : 1059-1062.

Determination of the genetic relationship of Vanilloideae (Orchidaceae) based on the sequence of the internal transcribed spacer of ribosomal DNA

S. Poecaim¹, A. Poecaim¹, K. Soyong² and W. Pongnak²

¹Department of Applied Biology, Faculty of Science, King Mongkut's Institute of Technology Ladkrabang, Bangkok 10520, Thailand

²Faculty of Agricultural Technology, King Mongkut's Institute of Technology Ladkrabang, Bangkok 10520, Thailand

The genetic relationship of 4 Vanilloideae (two *V. planifolia* location, one *V. pilifera*, one *V. siamensis* and two *V. aphylla* phenotypes) from Suan-Pa-Tum palace and South of Thailand were determined based on sequence analysis of ribosomal DNA (rDNA). DNA was extracted and their genetic variability was investigated using internal transcribed spacer region (ITS) and ITS sequencing. The ITS band was not be distinguished in all of them showed the same banding pattern. However, the ITS sequence provided more information on polymorphism and a phylogenetic tree were constructed.

Key words : Vanilloideae, internal transcribed spacer region (ITS)

Introduction

The genus *Vanilla* belonging to the Orchidaceae family is consisted of 110 species, amongst which 15 are considered as aromatic. Cultivated vanilla is mainly produced from plant material belonging to the species *Vanilla planifolia* G. Jackson, Syn. *V. fragrans* (Salisb.) Ames, cultivated in humid tropical areas. Native to Mexico and Central America, but now cultivated in other parts of the tropics because it is now considered the aroma of the planet. In Thailand, the origin of *Vanilla* species is still confused, interspecific hybridization have been made to increase the variability for improve number of pod, susceptible to diseases and pests and aromatic characteristics by artificial hybrids and tissue culture technology. Recently, the genetic diversity of *V. planifolia* progenies and interspecific hybrids obtained from crosses between *V. planifolia* (female) and *V. aphylla* (male) was evaluated using amplified fragment length polymorphisms (AFLPs) and random amplified polymorphic (RAPDs)(Divakaran *et al.*,2006).

Orchid phylogenetics, including the genus *Vanilla*, has been largely studied using botanical characters and allozyme marker (Nielson and Siegismund,1999; Stern and Judd, 1999) and molecular sequencing (Divakarm

et al., 2006 and Cameron, 1996). Especially, for evaluates these interspecific hybrids to estimate and confirm the extent of hybridity using both morphological as well as molecular characterization. Nevertheless, the genetics of some *Vanilla* species suffers from a considerable lack of knowledge such as *V. siamensis*.

The nucleotide sequences of the internal transcribed spacers 1 and 2 (ITS-1 and ITS-2) from the nuclear 18S–26S ribosomal DNA (rDNA) region with repeated sequences are organized as families in tandem arrays at the nucleolar organizer regions of chromosomes in all eukaryotes. ITS are widely used in molecular phylogenetics at the species and genus levels and provide a valuable source of variable characters that can be used in phylogenetic analyses⁶ such as the monophyly of *Ophrys* has been strongly supported by a study using ITS sequences (Pridgeon *et al.*, 1997), and the intrageneric relationships were discussed by Bateman *et al.* (1997). In the present study, direct DNA sequencing of ITS-PCR amplified products was used to analyze phylogenetic relationships among lineages of 4 *Vanilla* species in introduction areas in Thailand could be determined as a guide for future isolate selection programmes.

Materials and methods

Materials

The phenotypes used in the present study included 4 species of *Vanilla* that were cultivated in the Suan-Pa-Tum palace and South of Thailand. Leaf samples were included two different *V. planifolia* location (VPLA1 and VPLA2), *V. pilifera* (VPIL), *V. siamensis* (VS) and two different *V. aphylla* phenotypes (VAL and VAS).

DNA extraction, ITS-PCR amplification and DNA sequencing

Fresh leaves (1 g per sample) were ground in liquid nitrogen and total DNA was extracted using the DNeasy Plant Mini Kit (Qiagen Germany) according to the manufacturer instructions. The approximate DNA concentration was determined using a spectrophotometer. The internal transcribed spacer (ITS) region of the ribosomal DNA was amplified using the primers ITS1 (5' TCGGTAGGTGAACCTGCGG 3') and ITS4 (5' TCCTCCGCTTATTGATATGC 3') described by White *et al.* (1990). The amplification reactions were carried out in a 25 µl volume containing 50-100 ng of template DNA, 1.25mM dNTPs, 3 mM MgCl₂, 20 pmol of each primer,

1.5 units of Taq DNA-polymerase and the appropriate buffer supplied by the manufacturer. Negative controls with sterile water instead of the template DNA were used for each set of experiments to test for the presence of contaminants in the reagents and reaction mixtures. PCR amplification was performed in a PTC-200 thermal cycler (MJResearch). The PCR amplification condition consisted of an initial denaturation step at 95°C for 5 min, followed by a sequence of 30 cycles of denaturation at 94°C for 1.5 min, annealing at 55°C for 2 min and extension at 72°C for 1 min, and a final extension step at 72°C for 10 min. Reaction tubes were held at 4°C prior to visualization of PCR products in a 1.0% agarose gel stained with ethidium bromide and visualized on a UV transilluminator to assess PCR amplification. The 100 bp was used as a molecular size marker.

Data analysis

Then, sequencing was conducted by commercial sequencing units at the Bioservice Unit (BSU) National Center for Genetic Engineering and Biotechnology, Thailand. Sequences were aligned and a neighbour-joining dendrogram was generated using Clustal W. The alignments were then checked, the boundaries of ITS-1 and ITS-2 were determined by comparison with other published plant sequences (ingroup and outgroup of Vanilloideae) of the variable section of the ITS region were obtained from GenBank. To assess the certainty of clades in the phylogenetic trees, the bootstrap test was performed with 1000 resampling.

Results and discussion

Determination of rDNA, the ITS1/ITS4 primers were used for PCR and sequencing. Each ITS-PCR product of the all sample was separately analyzed by agarose gel electrophoresis, and a single fragment (approximately 750 bp in length) appeared. Those samples could not be distinguished using the ITS-PCR technique as all of them showed the same banding pattern. Figure 1 shows the sizes of the fragments. These results confirm that ITS regions have limited value as markers within *Vanilla* sp. since there is not enough variation at that level. The nucleotide sequence of the fragment was determined, and we found that they were comprised of a partial sequence of the 26S rRNA gene, the ITS region, and a partial sequence of the 18S rRNA gene. The boundaries of the internal transcribed spacers (ITS1, ITS2) and nuclear rDNA coding regions in the 6 taxa (isolates) included here were determined by comparison to several published sequences. All isolates revealed similar sequences, and the

differences were concentrated within ITS regions. When the sequence was subjected to database homology search, *Vanilla* sp. was retrieved with high scores in similarity. Molecular phylogenetic analyses based on ITS sequence demonstrated that *V. siamensis* belongs to the Vanilloideae subfamily and identical to ITS sequences of *V. aphylla*. Sequence data on the rDNA demonstrated a tremendous homology among *V. planifolia* isolates collected from distant locations. A homology dendrogram generated from the ITS sequence data demonstrated that *V. pilifera* are more closely related to various *V. planifolia* species than *V. aphylla* (Figure 2). Including, branch phenotype of *V. aphylla* are highly diverse, DNA sequences did not reflect this diversity. So, studies searching for nucleotide additivity in the ITS sequences and/or scoring of more variable DNA regions are necessary for a better understanding of the role of hybridization in the evolution of Brassicaceae (Widmer and Baltisberger, 1999). So, the identical sequences among Vanilloideae could be partly due to past hybridization events.

However, to obtain a better resolution of phylogenetic relationships, it will be necessary to sequence more variable DNA regions such as the nuclear gene *Adh* or the cpDNA gene *matK* and more variable genetic markers such as AFLP and RAPD markers could be scored. Such as Divakaran *et. al.*(2006) were studied *V. aphylla*, the wild leafless species, indicated that *V. aphylla* is the most divergent from *V. planifolia* with a similarity index of only 44.4% in AFLP profiles. However, that report was succeeded for interspecific hybridization and production of hybrids between *V. planifolia* and *V. aphylla*. As a result, molecular technique has become widely used for the identification of genetic variation and used for genotyping in interspecific hybrid crosses which can be exploited for crop improvement in vanilla.



Fig. 1. Agarose gel electrophoresis of the ITS-PCR amplification product of *Vanilla* sp. using primers TIS1/ITS4. Lane M: DNA size marker, 100 bp ladder.

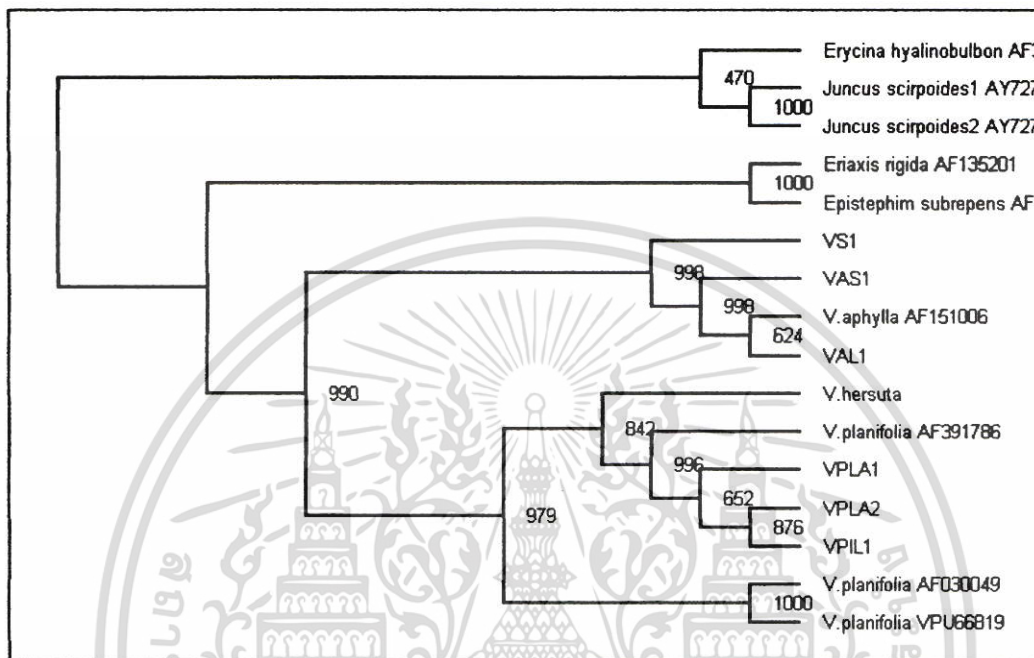


Fig. 2. Molecular phylogenetic tree for 16 sequences of ITS regions, including ITS1-5.8S-ITS2, using the neighbor-joining methods. Numbers represent percentages of 1000 bootstrap repetitions.

Acknowledgments

We thank Her Royal Highness Princess Maha Chakri Sirindhorn for providing us with *Vanilla* samples from Suan-Pa-Tum palace.

References

- Divakaran, M., Babu K.N., Ravindran P.N. and Peter K.V. 2006. Interspecific hybridization in vanilla and molecular characterization of hybrids and selfed progenies using RAPD and AFLP markers. *Scientia Hort.* 108: 414–422.
- Nielsen L.R. and Siegismund H.R. 1999. Interspecific differentiation and hybridization in *Vanilla* species (Orchidaceae). *Heredity.* 83: 560–567.
- Stern W.L. and Judd W.S. 1999. Comparative vegetative anatomy and systematics of *Vanilla* (Orchidaceae), *Bot. J. Linn. Soc.* 131: 353–382.