

รายงานการวิจัย

เรื่อง

การผลิตสารเจลดานามัยซินจากเชื้อแอคติโนมัยซีทป่าชายเลนและตำแหน่ง
อนุกรมวิธานของเชื้อนั้น

Production of geldanamycin from mangrove actinomycete and its
taxonomic position



หน้า 12-17

ได้รับทุนสนับสนุนงานวิจัยจากเงินงบประมาณแผ่นดิน
ประจำปีงบประมาณ 2554
คณะวิทยาศาสตร์

สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง

RCH
OR
82
A35
9A19ก

เลขหมู่.....
เลขทะเบียน..... 130302
วันที่เดือน ปี = 3 12 2557

b. 12598562
i.

เอกสารนี้เป็นลิขสิทธิ์ของสถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง ไม่อนุญาตให้นำไปใช้โดยไม่ขออนุญาต
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กิตติกรรมประกาศ

โครงการวิจัยนี้ได้รับทุนอุดหนุนจากสำนักงานคณะกรรมการวิจัยแห่งชาติ (วช.) เงินงบประมาณแผ่นดิน ประจำปีงบประมาณ 2554 คณะวิทยาศาสตร์ สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง ผู้วิจัยขอขอบคุณหน่วยงานดังกล่าวที่ให้การสนับสนุนทุนวิจัยตลอดการวิจัยในครั้งนี้

ผศ.ดร. จิตติ ทำไ้



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ชื่อโครงการ (ภาษาไทย)	การผลิตสารเจลดานามัยซินจากเชื้อแอคติโนมัยซีทป่าชายเลน และตำแหน่งอนุกรมวิธานของเชื้อนั้น
(ภาษาอังกฤษ)	Production of geldanamycin from mangrove actinomycete and its taxonomic position
ได้รับทุนอุดหนุนการวิจัยจาก	สำนักงานคณะกรรมการวิจัยแห่งชาติ (วช.) เงินงบประมาณ แผ่นดิน ประจำปีงบประมาณ 2554 คณะวิทยาศาสตร์ สถาบัน เทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง
ประจำปี 2554	จำนวนเงิน 200,000 บาท
ระยะเวลาทำการวิจัย 1 ปี	เดือนตุลาคม 2553 ถึง กันยายน 2554
ผู้ดำเนินการวิจัย	ผศ.ดร. จิตติ ท่าไว สาขาวิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์
โทรศัพท์	02-3298400 ต่อ 235

บทคัดย่อ

เชื้อแอคติโนมัยซีท จำนวน ๑๘ ไอโซเลต แยกจากตัวอย่างดินบริเวณป่าชายเลนและตะกอนดินใต้ทะเลบริเวณจังหวัดเพชรบุรีและตรัง จากการคัดเลือกเชื้อที่สร้างสารปฏิชีวนะเบื้องต้นพบเชื้อแอคติโนมัยซีทไอโซเลตที่แปลกชนิดหนึ่ง แสดงฤทธิ์ต้านจุลินทรีย์ที่ดีและสามารถผลิตสารเจลดานามัยซินได้ ตำแหน่งอนุกรมวิธานของเชื้อแอคติโนมัยซีทไอโซเลตที่แปลกชนิดนี้ที่สามารถผลิตสารเจลดานามัยซินได้ถูกกำหนดโดยลักษณะทางอนุกรมวิธานหลายส่วน เชื้อไอโซเลตนี้แสดงลักษณะทางสัณฐานวิทยาและคุณสมบัติทางเคมีทั่วไปของเชื้อในสกุล *Streptomyces* การวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ในช่วงยีน *hphA* อาร์ อาร์เอ็นเอ สนับสนุนว่าเชื้อไอโซเลตนี้เป็นเชื้อแอคติโนมัยซีทในสกุล *Streptomyces* ซึ่งมีค่าร้อยละความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์คล้ายกับเชื้อ *Streptomyces malayensis* มากที่สุดที่ค่าความคล้ายคลึงร้อยละ ๘๘.๕ น้ำหนักเชื้อของเชื้อไอโซเลตนี้สามารถยับยั้งการเจริญของเชื้อ *แคนดิดา อัลบิแคน* เอทีซีซี ๑๐๒๓๑ และเชื้อ *สเตปฟีโลคอคคัส ออเรียส* เอทีซีซี ๒๕๕๒๓ ได้อย่างมีนัยสำคัญ การศึกษาแหล่งคาร์บอน ในโคโรเจนรวมทั้งความเข้มข้นของเกลือและระยะเวลาการเพาะเลี้ยงที่เหมาะสมสำหรับการผลิตสารเจลดานามัยซินได้มากที่สุดแสดงให้เห็นว่าแป้งที่ละลายน้ำได้ (ความเข้มข้นร้อยละ ๑ โดยน้ำหนักต่อปริมาตร) น้ำต้มถั่วเหลือง (ความเข้มข้นร้อยละ ๑ โดยปริมาตรต่อปริมาตร) และ เกลือที่ความเข้มข้นร้อยละ ๔

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

โดยน้ำหนักต่อปริมาตร เป็นสภาวะที่เหมาะสมสำหรับการผลิตสารเจดานามัยซินของเชื้อไอโซเลต
นี้เมื่อทำการเพาะเลี้ยงเป็นเวลา ๑๔ วัน ที่อุณหภูมิ ๓๐ องศาเซลเซียส

คำสำคัญ: เจดานามัยซิน สเตรปโตมัยเซส ป่าชายเลน แอคติโนมัยซีท

Abstract

Eighteen actinomycete strains were isolated from mangrove forest soil and marine sediment of Petburi and Trang provinces, Thailand. Preliminary screening for antibiotic-producing actinomycete, we found the actinomycete isolate T8-1 showing well antimicrobial activity and it could produce geldanamycin, an important antibiotic. The taxonomic position of a geldanamycin producing actinomycete, which was designated T8-1, was determined using a polyphasic taxonomic approach. This isolate was shown to have morphological and chemical properties typical of the genus *Streptomyces*. 16S rRNA gene sequence analysis for the isolate supported the assignment of the isolate to the genus *Streptomyces* and the similarity value of the nucleotide sequence between this isolate and the closely related species, *Streptomyces malaysiensis* was 99.5%. The fermentation broth of this isolate significantly inhibited the growth of *Candida albicans* ATCC 10231 and *Staphylococcus aureus* ATCC 25923. Studies on carbon and nitrogen sources including the optimum concentration of sodium chloride and the period of the cultivation for highest geldanamycin production revealed that the soluble starch (1% w/v), soybean steep liquor (1% v/v) and the concentration of sodium chloride of 4 % w/v for fourteen days of inoculation at 30 °C were found to be the optimum conditions for geldanamycin production by this isolate.

Keyword: Geldanamycin , *Streptomyces*, Mangrove forest, Actinomycetes

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญ

	หน้า
กิตติกรรมประกาศ	ก
บทคัดย่อภาษาไทย	ข
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ	ค
สารบัญ	ง
สารบัญตาราง	ฉ
สารบัญรูป	ช
คำอธิบายสัญลักษณ์และคำย่อ	ซ
บทที่ 1 บทนำ	1
1.1 ปัญหาที่ทำวิจัยและความสำคัญของปัญหา	1
1.2 วัตถุประสงค์	2
1.3 ขอบเขตของโครงการวิจัย	2
1.4 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ	2
1.5 แผนการถ่ายทอดเทคโนโลยีหรือผลการวิจัยสู่กลุ่มเป้าหมาย	2
บทที่ 2 ทฤษฎีหรือกรอบแนวความคิดของโครงการวิจัย	3
บทที่ 3 ระเบียบวิธีการดำเนินงานวิจัย	8
3.1 การเก็บตัวอย่าง การแยกและการคัดเลือกเชื้อ	8
3.1.1 การเก็บตัวอย่าง	8
3.1.2 การแยกเชื้อ	8
3.2 การศึกษาอนุกรมวิธานเบื้องต้นของเชื้อ	9
3.2.1 ลักษณะทางสัณฐานวิทยา สรีรวิทยาและชีวเคมี	9
3.2.2 การศึกษาคุณสมบัติทางอนุกรมวิธานเคมีของเชื้อ	9
3.2.3 การวิเคราะห์ลำดับเบสบนสายดีเอ็นเอในช่วง 16S rRNA gene และการวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ	10
3.3 การศึกษาปัจจัยการผลิตสารและการสกัดแยกสาร	12
3.4 การสกัดและแยกสารเจลคานามัยซินให้บริสุทธิ์	12
3.5 การพิสูจน์สูตร โครงสร้างทางเคมี	13

สารบัญ (ต่อ)

	หน้า
บทที่ 4 ผลการทดลอง	14
4.1 การเก็บตัวอย่างและการแยกเชื้อ	14
4.2 การศึกษาอนุกรมวิธานของเชื้อแอคติโนมัยซีท	14
4.3 การแยกเชื้อและการคัดเลือกเชื้อที่ผลิตสารเจลคานามัยซินได้	24
4.4 การศึกษาปัจจัยการผลิตสารและการสกัดแยกสาร	24
4.5 การสกัดและแยกสารเจลคานามัยซินให้บริสุทธิ์ การพิสูจน์โครงสร้างทางเคมีและกำหนดเอกลักษณ์สารบริสุทธิ์ที่แยกได้	31
บทที่ 5 สรุปผลการวิจัยและข้อเสนอแนะ	33
เอกสารอ้างอิง	35



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
1	5
2	6
3	14
4	21
5	25
6	26
7	27
8	30
9	32

สารบัญภาพ

รูปที่	หน้า	
1	แสดงลักษณะและสีโคโลนีของเชื้อไอโซเลต P1-1 บนอาหาร ISP2 ระยะเวลา 21 วัน	15
2	แสดงตำแหน่งของเชื้อสเตรปโตมัยเซส สายพันธุ์พีหนึ่งซัดหนึ่ง (<i>Streptomyces</i> sp. P1-1) บนต้นไม้สายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree, NJ method)	16
3	แสดงลักษณะและสีโคโลนีของเชื้อไอโซเลต T8-1 บนอาหาร ISP2 ระยะเวลา 21 วัน	17
4	แสดงตำแหน่งของเชื้อสเตรปโตมัยเซส สายพันธุ์ทีแปด (<i>Streptomyces</i> sp. T8-1) บนต้นไม้สายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree, NJ method)	18
5	แสดงลักษณะและสีโคโลนีของเชื้อไอโซเลต T2-1 บนอาหารISP2 ระยะเวลา 21 วัน	20
6	แสดงตำแหน่งของเชื้อสเตรปโตมัยเซส สายพันธุ์ทีสองซัดหนึ่ง (<i>Streptomyces</i> sp. T2-1) บนต้นไม้สายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree, NJ method)	20
7	ความสัมพันธ์ของแหล่งคาร์บอนต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักรเซลล์ แห้งของเชื้อ <i>Streptomyces</i> sp. T8-1	25
8	ความสัมพันธ์ของแหล่งไนโตรเจนต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักรเซลล์ แห้งของเชื้อ <i>Streptomyces</i> sp. T8-1	26
9	ความสัมพันธ์ของความเข้มข้นเกลือต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักรเซลล์ แห้งของเชื้อ <i>Streptomyces</i> sp. T8-1	27
10	ความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักรเซลล์แห้งตาม แหล่งคาร์บอน แหล่งไนโตรเจนและความเข้มข้นของเกลือ	29
11	ความสัมพันธ์ของระยะเวลาต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักรเซลล์ แห้งของเชื้อ <i>Streptomyces</i> sp. T8-1	30
12	โครงสร้างของสาร T8-1-1A	31

คำอธิบายสัญลักษณ์และคำย่อ

ATCC = American Type Culture Collection

B. subtilis = *Bacillus subtilis*

C. albicans = *Candida albicans*

DSM = Deutsche Sammlung von Mikroorganismen

E. coli = *Escherichia coli*

EtOAc = ethyl acetate

ISP = International *Streptomyces* Project

M. luteus = *Micrococcus luteus*

MHA = Mueller-Hinton Agar

nm = nanometer

NSA = Non-Streptomycete Actinomycetes

Ps. Aeruginosa = *Pseudomonas aeruginosa*

SDA = Sabouraud Dextrose Agar

S. aureus = *Staphylococcus aureus*

TSB = Tryptic soya broth

UV = Ultraviolet

μL = microlitre



บทที่ 1

บทนำ

1.1 ปัญหาที่ทำวิจัยและความสำคัญของปัญหา

ปัจจุบันอุบัติการณ์การดื้อยาของเชื้อจุลินทรีย์ต่างๆ มีมากขึ้นทั้งนี้อาจเกิดจากการใช้ยาปฏิชีวนะไม่ถูกวิธี ตลอดจนสภาพแวดล้อมของโลกเปลี่ยนแปลงไปซึ่งเป็นสาเหตุให้เกิดการกลายพันธุ์ของเชื้อจุลินทรีย์ ดังที่ปรากฏในข่าวจากสื่อต่างๆ ของการค้นพบเชื้อจุลินทรีย์ก่อโรคนชนิดใหม่ยังผลให้เกิดการเสียหายต่อชีวิตทรัพย์สิน และเศรษฐกิจทางการเกษตรโดยรวม แนวทางแก้ปัญหาแนวทางหนึ่ง คือเร่งหาสารปฏิชีวนะชนิดใหม่และพัฒนา lead compound จากแหล่งทรัพยากรธรรมชาติทั้งพืช สัตว์และจุลินทรีย์เพื่อนำมาใช้ยับยั้งและกำจัดเชื้อโรคดื้อยาเหล่านั้น จุลินทรีย์จัดเป็นทรัพยากรธรรมชาติที่สำคัญแหล่งหนึ่งที่สามารถนำมาใช้ประโยชน์ได้หลายด้าน การผลิตสารปฏิชีวนะเป็นประโยชน์ด้านหนึ่งที่สำคัญเนื่องจากจุลินทรีย์สามารถสร้างสารปฏิชีวนะได้หลากหลายทั้งโครงสร้างและการออกฤทธิ์ รวมทั้งสามารถเพิ่มผลผลิตได้ง่าย แอคติโนมัยซีทส์เป็นแบคทีเรียที่สามารถสร้างเส้นใยคล้ายเชื้อรา เชื้อแบคทีเรียกลุ่มนี้มีประโยชน์หลายด้าน โดยเฉพาะเป็นผู้ผลิตสารปฏิชีวนะที่สำคัญ ยาปฏิชีวนะหลายตัวที่ใช้กันอยู่ในปัจจุบัน เช่น gentamicin erythromycin streptomycin actinomycin D ล้วนพัฒนามาจาก Lead compound ที่สร้างจากเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ทั้งสิ้น สาร geldanamycin เป็น lead compound ที่น่าสนใจอีกสารหนึ่งเนื่องจากมีฤทธิ์ทางชีวภาพที่หลากหลาย เช่น ฤทธิ์ต้านเชื้อแบคทีเรีย เชื้อรา โปรโตซัว ตลอดจนมีความสามารถในการยับยั้งการเจริญเติบโตของเซลล์มะเร็งได้ และล่าสุดมีรายงานว่าสาร geldanamycin ที่ระดับความเข้มข้นต่ำๆ (micromolar-nanomolar) สามารถแสดงฤทธิ์กระตุ้นการเจริญของเซลล์ประสาทได้ สาร geldanamycin มีรายงานครั้งแรกว่าผลิตได้จากเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ในสกุล *Streptomyces* ที่พบในดินบนบก ด้วยประเทศไทยเป็นประเทศที่มีความหลากหลายทางชีวภาพในเชิงประชากรของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ค่อนข้างสูง โอกาสค้นพบเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่สามารถผลิตสาร geldanamycin จึงมีอยู่มากและอาจเป็นเชื้อสายพันธุ์ใหม่ที่มีความสามารถในการสร้างสาร geldanamycin ได้ดีกว่าสายพันธุ์ที่มีการรายงานไว้แต่เดิม การศึกษาเพื่อค้นหาเชื้อที่สามารถผลิต lead compound ได้ดี ทำให้เกิดการได้เปรียบต่อการศึกษาด้านเภสัชศาสตร์ในการพัฒนาเป็นยาปฏิชีวนะตัวใหม่ เนื่องจากการมีทรัพยากรหรือวัตถุดิบอยู่ในมือย่อมง่ายต่อการพัฒนาในด้านต่างๆ จัดเป็นการใช้ทรัพยากรธรรมชาติอย่างคุ้มค่า ดังนั้นจึงสนใจที่จะค้นหาเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่สามารถผลิตสาร geldanamycin เพื่อเก็บเป็นวัตถุดิบหรือต้นทุนในการใช้ประโยชน์จากสารสำคัญนี้ ตลอดจนศึกษาสภาวะที่เหมาะสมต่อการผลิตสารดังกล่าวนี้ให้ได้มากที่สุด

1.2 วัตถุประสงค์ของโครงการวิจัย

- 12.1 เพื่อแยกแบคทีเรียกลุ่มแอคติโนมัยซีทจากดินป่าชายเลนจังหวัดเพชรบุรีและตรัง
- 12.2 เพื่อคัดเลือกเชื้อแอคติโนมัยซีทที่สามารถผลิตสารเจลคานามัยซินได้
- 12.3 เพื่อศึกษาปัจจัยที่เกี่ยวข้องกับการผลิตสารเจลคานามัยซิน เช่น อาหารและสภาวะในการเลี้ยงเชื้อ
- 12.4 เพื่อศึกษาลักษณะทางอนุกรมวิธานของเชื้อแอคติโนมัยซีทที่สามารถผลิตสารเจลคานามัยซิน

1.3 ขอบเขตของโครงการวิจัย

การวิจัยครั้งนี้เป็นการศึกษาปัจจัยที่มีผลต่อการผลิตสารเจลคานามัยซินจากเชื้อแอคติโนมัยซีทที่แยกจากป่าชายเลน ศึกษาเพื่อยืนยันโครงสร้างสารเจลคานามัยซิน และศึกษาลักษณะทางอนุกรมวิธานระดับสกุลของเชื้อดังกล่าว หากข้อมูลเบื้องต้นพบว่าเป็นเชื้อที่มีแนวโน้มเป็นสปีชีส์ใหม่จะทำการศึกษาอนุกรมวิธานถึงระดับสปีชีส์

1.4 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ และหน่วยงานที่จะนำไปใช้ประโยชน์

การศึกษาในครั้งนี้อาจค้นพบเชื้อแอคติโนมัยซีทที่สามารถสร้างสารเจลคานามัยซินได้ดี ตลอดจนทราบปัจจัยที่เหมาะสมในการเพาะเลี้ยงเพื่อผลิตสารเจลคานามัยซินของเชื้อดังกล่าวและทราบลักษณะทางอนุกรมวิธานของเชื้อ ซึ่งทำให้ได้ทรัพยากรจุลินทรีย์ที่สำคัญเป็นวัตถุดิบในการผลิตสารเจลคานามัยซิน นอกจากนี้ ข้อมูลที่ได้จะเป็นข้อมูลเบื้องต้นเพื่อใช้ในการพัฒนาสารเจลคานามัยซินในระดับต่อไป หากผลการวิจัยทางด้านอนุกรมวิธานของเชื้อบ่งบอกว่าเชื้อเป็นสปีชีส์ใหม่รวมทั้งทราบปัจจัยที่ส่งผลต่อการผลิตสารจะสามารถนำข้อมูลนี้ไปตีพิมพ์ในวารสารระดับชาติหรือนานาชาติได้

1.5 แผนการถ่ายทอดเทคโนโลยีหรือผลการวิจัยสู่กลุ่มเป้าหมาย

เมื่อได้รับทราบผลการวิจัยในครั้งนี้จะส่งต่อไปยังหน่วยงานที่ศึกษาสารเจลคานามัยซินอยู่เพื่อได้รับทราบสภาวะและปัจจัยในการเลี้ยงเชื้อที่เหมาะสมเพื่อต่อการผลิตสารเจลคานามัยซินได้ดียิ่งขึ้น ดังนั้นการวิจัยในครั้งนี้สามารถนำไปใช้ให้เกิดประโยชน์ในการพัฒนาทางวิทยาศาสตร์สาธารณสุขด้านการค้นคว้าวิจัยพัฒนาสารผลิตภัณฑ์ธรรมชาติเป็นยาปฏิชีวนะเพื่อรองรับปัญหาการระบาดของเชื้อจุลินทรีย์ก่อโรคในอนาคต

บทที่ 2

ทฤษฎีหรือกรอบแนวคิดของโครงการวิจัย

สารปฏิชีวนะที่ใช้กันอยู่ในปัจจุบันส่วนมากพัฒนามาจาก lead compound ที่ผลิตจากเชื้อแอคติโนมัยซีท สาร geldanamycin เป็น lead compound สารหนึ่งที่มีรายงานว่าสามารถผลิตได้จากเชื้อแอคติโนมัยซีทในสกุล *Streptomyces hygrosopicus* var. *geldanus* ซึ่งเชื้อนี้ถูกแยกครั้งแรกจากดินบก สาร geldanamycin จัดเป็นสารที่แสดงฤทธิ์ทางชีวภาพที่หลากหลาย หลากหลาย เช่น ฤทธิ์ต้านเชื้อแบคทีเรีย เชื้อรา โปรโตซัว ความสามารถในการยับยั้งการเจริญเติบโตของเซลล์มะเร็ง ตลอดจนสามารถกระตุ้นการเจริญของเซลล์ประสาทในระดับความเข้มข้นที่ต่ำระดับไมโครถึงนาโนโมลาร์

เชื้อแอคติโนมัยซีทมีหลายสกุลและสามารถค้นพบได้มากขึ้นเนื่องจากมีเทคนิคใหม่ในการแยกเชื้อที่จำเพาะ ยังผลให้การค้นพบสารปฏิชีวนะจากเชื้อแอคติโนมัยซีทส์เพิ่มสูงขึ้น โดยจุลินทรีย์กลุ่มแอคติโนมัยซีท

ที่สามารถสร้างสารปฏิชีวนะได้มากที่สุด คือเชื้อในสกุล *Streptomyces* ซึ่งผลิตสารปฏิชีวนะได้ 70% (ประมาณ 8,000 ชนิด) ของสารปฏิชีวนะที่สร้างจากแอคติโนมัยซีทส์ทั้งหมด เชื้อสกุล *Micromonospora* ผลิตได้ 5% (740 ชนิด) นอกเหนือจากนี้ผลิตได้จากเชื้อในสกุลอื่น

จากการศึกษาทางด้านกระจายตัวของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่ผ่านมาทำให้ทราบถึงว่าประเทศไทยเป็นประเทศที่มีความหลากหลายทางชีวภาพในเชิงประชากรของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ค่อนข้างสูง เนื่องจากได้ทำการค้นพบเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ในสกุลและสปีชีส์ใหม่หลายชนิด เช่น *Actinocatenispora thailandica* (Thawai et al., 2006), *Micromonospora eburnea* (Thawai et al., 2004), *Micromonospora aurantinigra* (Thawai et al., 2004), *Micromonospora siamensis* (Thawai et al., 2005) เป็นต้น นอกจากนั้นแล้วยังมีการพบสารทุติยภูมิชนิดใหม่ (Micromonosporin A) จากเชื้อ *Micromonospora aurantinigra* (Thawai et al., 2004) ด้วย ซึ่งในการรายงานการค้นพบเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ชนิดใหม่ในประเทศไทยถือว่าค่อนข้างน้อยเนื่องจากยังคงมีการทำวิจัยในวงจำกัด เมื่อทราบข้อมูลเบื้องต้นที่น่าสนใจนั้นแล้วการศึกษาเพื่อค้นหาเชื้อแอคติโนมัยซีทส์ที่มีประสิทธิภาพในการผลิต lead compound ได้สูงและหาสภาวะที่เหมาะสมเพื่อให้เชื้อนั้นสาร lead compound ได้มากที่สุด ตลอดจนการศึกษานุกรมวิธานของเชื้อแอคติโนมัยซีทส์นั้นจึงเป็นงานวิจัยอีกชิ้นหนึ่งที่ควรได้รับการสนับสนุนอย่างยิ่งเพื่อเป็นการดึงเอาทรัพยากรจุลินทรีย์ที่สำคัญมาใช้ประโยชน์ให้ได้มากที่สุด

แบคทีเรียกลุ่มแอคติโนมัยซีท (Actinomycetes) เป็นแบคทีเรียแกรมบวกมีลักษณะทางสัณฐานวิทยาคล้ายเชื้อรา คือมีไมซีเลียมแตกกิ่งก้าน และสามารถสร้างสปอร์ไม่อาศัยเพศที่เรียกว่า

conidiospore หรือ conidia ที่ไม่มีสิ่งห่อหุ้ม แต่ถ้าสปอร์ที่สร้างมีถุงหุ้มเรียก sporangiospore อยู่ใน sporangium สปอร์ที่สร้างนี้ทนความร้อนได้ไม่มาก (ขึ้นอยู่กับแต่ละสกุล) แต่ทนความแห้งได้ดีจึงสามารถรอดชีวิตอยู่ได้ในสภาพที่ไม่เหมาะสมเป็นเวลานาน ประโยชน์ของแอกติโนมัยซีท์ที่รู้จักกันดีคือ สามารถผลิตสารปฏิชีวนะได้ จากข้อมูลล่าสุดพบว่าสารปฏิชีวนะส่วนใหญ่สร้างมาจากแอกติโนมัยซีท์ (45%) เชื้อรา (38%) และแบคทีเรียชนิดอื่น (17%) โดยจุลินทรีย์กลุ่มแอกติโนมัยซีท์ที่สามารถสร้างสารปฏิชีวนะได้มากที่สุดเป็นเชื้อในสกุล *Streptomyces* ซึ่งผลิตสารปฏิชีวนะได้ 70% (ประมาณ 8,000 ชนิด) ของสารปฏิชีวนะที่สร้างจากแอกติโนมัยซีท์ทั้งหมด เชื้อสกุล *Micromonospora* ผลิตได้ 5% (740 ชนิด) นอกเหนือจากนี้ผลิตได้จากเชื้อในสกุลอื่น เช่น *Streptoverticillium*, *Kitasatospora*, *Actinomadura*, *Saccharothrix*, *Microbispora*, *Microtetraspora*, *Nonomuria*, *Actinoplanes*, *Dactylosporangium*, *Thermomonospora*, *Thermoactinomyces*, *Nocardia*, *Saccharopolyspora*, *Amycalotopsis*, *Kibdellosporangium*, *Pseudonocardia*, *Actinosporangium*, *Streptosporangium*, *Spirillospora*, *Planobispora*, *Planomonospora* เป็นต้น (Bérdy, 2005) แอกติโนมัยซีท์สามารถพบได้ตามสิ่งแวดล้อมทั่วไป โดยเฉพาะในดินบนบก สิ่งมีชีวิตชนิดนี้ส่วนใหญ่ดำรงชีวิตด้วยการย่อยสลายซากพืชและสัตว์เพื่อเปลี่ยนเป็นสารอาหารในการดำรงชีพ

เชื้อแอกติโนมัยซีท์สกุล *Streptomyces* จัดเป็นเชื้อแอกติโนมัยซีท์ทั่วไป (common actinomycetes) เนื่องจากมีการกระจายตัวสูง เชื้อกลุ่มนี้แสดงมีไอโซเมอร์ของกรดไดอะมิโนพีเมติกของผนังเซลล์แบบ LL ซึ่งใช้แยกความแตกต่างจากเชื้อแอกติโนมัยซีท์หายาก (rare actinomycetes) ซึ่งแสดงไอโซเมอร์แบบ meso (DL) (ตารางที่ 1) เชื้อสกุล *Streptomyces* เป็นเชื้อกลุ่มที่โดดเด่น เนื่องจากมีศักยภาพทางชีวภาพที่หลากหลาย โดยเฉพาะการสร้างสารปฏิชีวนะ ดังแสดงในตารางที่ 2

ตารางที่ 1 ลักษณะความแตกต่างระดับสกุลของเชื้อแอคติโนมัยซีท

Genus	Typical morphology	Wall chemotype	Sugar pattern	Phospholipid type
<i>Streptomyces</i>	Chains of spores on aerial hyphae	I	-	PII
<i>Micromonospora</i>	Branched, non-fragmenting hyphae, aerial hyphae scanty or absent	II	D	PII
<i>Actinoplanes</i>	Branched, non-fragmenting hyphae, aerial hyphae scanty or absent	II	D	PII
<i>Nocardia</i>	Unbranched-branched fragmenting substrate and aerial hyphae	IV	A	PII
<i>Actinomyces</i>	Cocci-irregular rods-branching	V, VI	-	PII
<i>Thermomonospora</i>	Single spores often in cluster	III	C	PIV
<i>Actinomadura</i>	Short chains of arthrospores	III	B	PI
<i>Streptosporangium</i> and <i>Microtetraspora</i>	Stable substrate and aerial mycelium	III	B and C	PIV
<i>Frankia</i>	Multilocular sporangia	III	B, C and E	PI
<i>Nocardioides</i>	Branching, fragmenting mycelium with aerial hyphae	I	-	PI
<i>Actinobiapora</i>	Pairs of spores on substrate	IV	*	PIV
<i>Glycomyces</i>	Short spore chains on aerial hyphae	II	D	PI
<i>Intrasporangium</i>	Fragmenting, branching mycelium	I	-	PI
<i>Kibdelosporangium</i>	Aerial sporangium-like structures	IV	A	PII
<i>Kineosporia</i>	Substrate mycelium	I	-	PIII
<i>Nocardioopsis</i>	Fragmenting hypae	III	C	PIII
<i>Sporichthya</i>	Aerial mycelium, motile spores	I	-	ND

* Novel sugar pattern comprising arabinose, galactose and xylose
 ND, not determined

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
 ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 2 สารปฏิชีวนะจากเชื้อแอคติโนมัยซีทกุล *Streptomyces*

Compound	Source	Activity	References
Aureoverticillactam	<i>Streptomyces aureoverticillatus</i>	Anticancer	Mitchell <i>et al.</i> , 2004
3,6-disubstitutedindoles	<i>Streptomyces</i> sp.	Anticancer	Sanchez Lopez <i>et al.</i> , 2003
Frigocyclinone	<i>Streptomyces griseus</i>	Antibacterial	Bruntner <i>et al.</i> , 2005
Glaciapyrroles	<i>Streptomyces</i> sp.	Antibacterial	Macheria <i>et al.</i> , 2005
Gutingimycin	<i>Streptomyces</i> sp.	Antibacterial	Maskey <i>et al.</i> , 2004
Caprolactones	<i>Streptomyces</i> sp.	Anticancer	Stritzke <i>et al.</i> , 2004
8-amino-[1,4]diazonane-2,5-dione	<i>Streptomyces acrimycini</i>	Antitumour	Hernández <i>et al.</i> , 2004
Komodoquinone A	<i>Streptomyces</i> sp.	Neuritogenic activity	Itoh <i>et al.</i> , 2003
Lajollamycin	<i>Streptomyces nodosus</i>	Antibacterial	Manam <i>et al.</i> , 2005
Geldanamycin	<i>Streptomyces</i> sp.	Antibacterial	Suchada <i>et al.</i> , 2006
leucyl-4-hydroxyproline	<i>Streptomyces</i> sp.	Antitumour	Hernández <i>et al.</i> , 2004
Trioxacarcins	<i>Streptomyces</i> sp.	Antibacterial; Anticancer; Antimalarial	Maskey <i>et al.</i> , 2004

การจัดจำแนกและการพิสูจน์เอกลักษณ์ของเชื้อแอคติโนมัยซีทในระดับสกุลและสปีชีส์ อาศัยลักษณะทางฟีโนไทป์และจีโนไทป์ เช่น ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของสปอร์ ลักษณะทางอนุกรมวิธานเคมี (Chemotaxonomic characteristics) (ตารางที่ 1) เช่น Cell wall chemotype, Whole-cell sugar, Phospholipid type ตลอดจน diaminopemilic acid type ลักษณะทางสรีรวิทยาและชีวเคมีของเชื้อนั้นๆ (Holt, 1989) ลักษณะความคล้ายคลึงทาง DNA (DNA-DNA hybridization) และในปัจจุบันได้มีการพัฒนาเทคนิคในระดับโมเลกุล ได้แก่ การศึกษาวิเคราะห์ลำดับเบสในช่วง 16S rDNA และ RFLP (Restriction fragment length polymorphism) ตลอดจนการนำระบบ Bioinformatic มาเพื่อช่วยตัดสินใจการจำแนกอนุกรมวิธานให้ถูกต้องและแม่นยำขึ้น

การค้นพบยาชนิดต่างๆ ที่ได้จากสิ่งมีชีวิตหลายชนิดมีประวัติความเป็นมายาวนาน ผลิตภัณฑ์ธรรมชาติส่วนใหญ่เป็นสารทุติยภูมิ (secondary metabolites) ที่ได้จากเชื้อจุลินทรีย์และพืชซึ่งอาจได้จากการผ่าเหล่า (mutation) หรือจากวิวัฒนาการ หรือได้จากกระบวนการ

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้.

detoxification การมีแหล่งจุลินทรีย์ที่ไม่จำกัดจะเพิ่มโอกาสในการค้นพบสารทุติยภูมิที่มีโครงสร้างหลากหลาย หรือสารทุติยภูมิชนิดใหม่ที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพ ปัจจุบันมีการค้นพบสารปฏิชีวนะที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพมากมายหลายชนิดจากเชื้อแอคติโนมัยซีท์ส์ที่หายากหลายสกุล ดังนั้นการแยกและคัดเลือกเชื้อแอคติโนมัยซีท์ส์ที่สามารถสร้างสารที่มีฤทธิ์ทางชีวภาพจากดินป่าชายเลนอาจจะมีโอกาสพบเชื้อสายพันธุ์ใหม่หรือเชื้อที่ผลิตสารที่แตกต่างไปจากสารที่มีอยู่เดิม และคาดว่าข้อมูลที่ได้จะเป็นประโยชน์สำหรับการศึกษาด้านอนุกรมวิธานของเชื้อและและวิทยาศาสตร์สาธารณสุขได้ต่อไป



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

บทที่ 3

ระเบียบวิธีการดำเนินงานวิจัย

3.1 การเก็บตัวอย่าง การแยกและการคัดเลือกเชื้อ

3.1.1 การเก็บตัวอย่าง

ตัวอย่างที่เก็บ ได้แก่ ดินบริเวณเขตป่าชายเลนทั้งทางด้านอ่าวไทยจังหวัดเพชรบุรีและฝั่งทะเลอันดามันจังหวัดตรัง ทำการเก็บตัวอย่างดินปริมาณ 500 กรัม และรักษาตัวอย่างไว้ที่อุณหภูมิประมาณ 4 องศาเซลเซียส จนกระทั่งถึงกระบวนการแยกเชื้อ และทำการวัด pH ของดินตามวิธีของ Enokita *et al.* (1986)

3.1.2 การแยกเชื้อและคัดเลือกเชื้อที่ผลิตสารเจลดานามัยซินได้

การแยกเชื้อทำโดยวิธี Spread plate (Tortora *et al.*, 1995) โดยนำตัวอย่างดินมาตากให้แห้งในอุณหภูมิห้องและอบที่อุณหภูมิ 100 °C เป็นเวลา 1 ชั่วโมง จากนั้นนำตัวอย่าง 0.5 กรัม ใส่ในหลอดทดลองที่มีน้ำกลั่นปราศจากเชื้อปริมาณ 4.5 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันและเจือจางถึงระดับ 100 และ 1000 เท่า คูลสารละลายตัวอย่าง 0.1 มิลลิลิตร และเกลี่ยบนอาหาร humic acid-vitamin agar ที่ผสมสารปฏิชีวนะ บ่มไว้ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 21 วัน เลือกเก็บโคโลนีที่เป็นลักษณะเฉพาะของเชื้อแต่ละสกุล ทำการแยกเชื้อให้บริสุทธิ์บนอาหาร Yeast extract – Malt extract agar จากนั้นทำการเลี้ยงเชื้อในอาหารเอียง (slant) เพื่อใช้ทดสอบต่อไป

สำหรับการคัดเลือกเชื้อแอคติโนมัยซีท์ที่สามารถสร้างสารเจลดานามัยซินได้ ทำการเลี้ยงเชื้อบนอาหาร yeast extract – malt extract agar โดยการขีดเป็นเส้นตรงเดี่ยวยาวตามแนวอนจากขอบหนึ่งถึงอีกขอบหนึ่ง บ่มเลี้ยงที่ 30 องศาเซลเซียส นาน 14 วัน เพื่อให้เชื้อผลิตสารและแพร่สารนั้นเข้าไปในเนื้อวุ้น จากนั้นตรวจสอบการผลิตสารที่มีฤทธิ์ด้วยจุลินทรีย์ทดสอบ 5 ชนิด ได้แก่ *Bacillus subtilis* ATCC 6633, *Staphylococcus aureus* ATCC 25923, *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853, *Micrococcus luteus* ATCC 9341 และ *Candida albicans* ATCC 10231 โดยลากจุลินทรีย์ทดสอบให้ชิดและเป็นเส้นตรงตั้งฉากกับแนวของเชื้อมากที่สุด แล้วบ่มไว้ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส นาน 1 วัน ตรวจสอบการยับยั้งเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบโดยวัดระยะทางจากแนวของเชื้อจนถึงระยะที่จุลินทรีย์ทดสอบสามารถเจริญได้ จากนั้นนำเชื้อที่แสดงฤทธิ์ดังกล่าวมาเลี้ยงในอาหารเหลว นำน้ำหมักเชื้อมารองผ่านกระดาษกรอง Whatman No.1 เพื่อแยกเอาส่วนน้ำใสและเซลล์ออกจากกัน จากนั้นนำส่วนน้ำใสมาทำการ partition กับ ethyl acetate แล้วนำไปประเหยให้แห้งภายใต้การลดความดัน จะได้สารสกัดหยาบในส่วน ethyl acetate (crude EtOAc extract) นำสาร

สกัดที่ได้จุดลงบนแผ่น Silica gel TLC แล้วนำมา develop ด้วยระบบตัวทำละลายที่เหมาะสมโดยใช้สารเจลดานามัยซินมาตรฐานเปรียบเทียบ

3.2. การศึกษาอนุกรมวิธานของเชื้อ

ทำโดยอาศัยการศึกษาลักษณะต่าง ๆ ของเชื้อดังนี้

3.2.1 ลักษณะทางสัณฐานวิทยา การเจริญ สรีรวิทยาและชีวเคมี

ตรวจสอบลักษณะทางการเจริญโดยเลี้ยงเชื้อบนอาหารที่กำหนดอยู่ใน International *Streptomyces* Project (ISP) ชนิดต่าง ๆ โดยวิธี Crosshatch streak (Shirling and Gottlieb, 1966) ตรวจสอบผลโดยการเจริญ เนื้อและสีของโคโลนีด้านบน สีของโคโลนีด้านล่างและรงควัตถุที่ละลายน้ำได้เทียบกับกระดาษสีมาตรฐาน (The Jacal Color Card L2200, Japan Color Research Institute) ตรวจสอบลักษณะของเส้นใยและการสร้างสปอร์ด้วยเทคนิค Simple inclined coverslip (Williams and Cross, 1977) ตรวจสอบลักษณะของเชื้อด้วยกล้องจุลทรรศน์และตรวจสอบลักษณะสปอร์ของเชื้อด้วย Scanning Electron Microscope (SEM) โดยวิธีการของศูนย์เครื่องมือวิจัยวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ลักษณะทางสรีรวิทยาและชีวเคมีทำการตรวจสอบการสลายแป้ง การสลายไคติน การสลายเซลลูโลส การสลายโปรตีนในนม (Williams and Cross, 1971) การสลายเจลาติน การรีดิวซ์ไนเตรท (Arai, 1975) การผลิตไฮโดรเจนซัลไฟด์ การผลิตเมลานิน การทนอุณหภูมิ การทนเกลือ การทนความเป็นกรด-ด่าง และการใช้แหล่งคาร์บอน (Shirling and Gottlieb, 1966) จากการศึกษาจะสามารถจัดกลุ่มเชื้อเป็นกลุ่มต่างๆ และนำตัวแทนของเชื้อแต่ละกลุ่มมาศึกษาในขั้นต่อไป

3.2.2 ศึกษาคุณสมบัติทางอนุกรมวิธานเคมีของเชื้อ (Komagata and Suzuki, 1987)

ทำการเพาะเลี้ยงเชื้อแต่ละไอโซเลตในอาหารเหลว Yeast extract – Malt extract บนเครื่องเขย่า ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 4 วัน ทำการเก็บเกี่ยวเชื้อโดยการ centrifuge และทำให้เซลล์แห้งภายใต้ความเย็น (Freeze drying) นำเซลล์แห้งไปทดสอบทางอนุกรมวิธานเคมีของเชื้อดังนี้

3.2.2.1 การวิเคราะห์ผนังเซลล์

ตรวจสอบ Diaminopimelic acid ของเชื้อ โดยสลายเซลล์แห้งด้วย 6N HCl ที่ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 18 ชั่วโมง แล้วนำไป spot บนแผ่น TLC (Merck No. 5716) Develop ด้วย methanol - water - 6N HCl - pyridine(80:26:4:10) ใช้ 0.5% ninhydrin solution ใน n-butanol ฟัน แล้วให้ความร้อนที่ 100 องศาเซลเซียส 2-3 นาที เพื่อดู spot ที่เกิดขึ้นเทียบกับ standard

3.2.2.2 การวิเคราะห์ Whole cell sugar

นำเซลล์แห้งมาไฮโดรไลส์ด้วย 1N H₂SO₄ ที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส นาน 2 ชั่วโมง ทิ้งให้เย็นแล้วจึงเติม Ba(OH)₂ และปรับ pH อยู่ในช่วง 5.2-5.5 นำไปปั่นเหวี่ยง ดูดเอา

supernatant มาทำให้แห้ง ละลายซ้ำด้วยน้ำ จากนั้น spot ลงบน cellulose TLC plate develop ด้วย butanol - water - pyridine - toluene (10:6:6:1) ฟันด้วย acid aniline phthalate อบที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส นาน 4 นาที เทียบ spot ที่เกิดกับ standard

3.2.2.3 การวิเคราะห์ Polar lipid

เตรียม polar lipid จากการสกัดเซลล์แห้งด้วย methanol ที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที ทิ้งให้เย็นแล้วสกัดต่อด้วย chloroform กรองกากเซลล์(debris) ออก ทำการ partition ด้วย chloroform และ saline นำชั้น chloroform ไประเหยให้แห้ง ละลายซ้ำด้วย chloroform - methanol และจุดสารตัวอย่าง spot ลงบน HPTLC (Merck Kieselgel 60 F₂₅₄, 10x10 cm) ทำการ develop 2 ทิศทาง (two-dimensional development) ด้วย solvent system 2 ชนิด คือ chloroform - methanol - water (65:25:4) และ chloroform - acetic acid - methanol - water (80:18:12:5) แล้วฟันด้วย 50% sulfuric acid อบที่อุณหภูมิ 150 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที สังเกต spot ที่เกิดขึ้น

3.2.2.4 การวิเคราะห์องค์ประกอบของกรดไขมัน (Cellular fatty acid)

เตรียม methyl ester ของกรดไขมัน จากเซลล์แห้งโดยไฮโดรไลส์ด้วยสารละลาย methanolic hydrochloric acid ที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง แล้วสกัดด้วย ปีโตรเลียมอีเทอร์ แล้ววิเคราะห์ด้วย gas liquid chromatography

3.2.2.5 การวิเคราะห์ Isoprenoid quinone

นำเซลล์แห้งสกัดด้วย chloroform - methanol อัตราส่วน 2:1 บนเครื่องเขย่า 1 คืน จากนั้นกรองและทำให้แห้ง ละลายซ้ำด้วย acetone แล้วทำให้บริสุทธิ์บนแผ่น TLC (Merck. No. 1.05715 Kieselgel 60 F₂₅₄, 20x20 cm) แล้วนำมาวิเคราะห์ด้วย HPLC

3.2.3 การวิเคราะห์ลำดับเบสบนสายดีเอ็นเอในช่วง 16S rRNA gene และการวิเคราะห์สายวิวัฒนาการ

นำ DNA ที่แยกได้ (Tamaoka, 1994) มาเพิ่มปริมาณ DNA ในช่วง 16S rDNA โดยใช้ Universal primer ทำปฏิกิริยาในเครื่อง DNA Thermal cycler (GeneAmp PCR System 9700; Applied Biosystems) 16S rDNA ที่เพิ่มปริมาณได้จะถูกทำให้บริสุทธิ์และวิเคราะห์ลำดับเบสโดยใช้ ABI PRISM BigDye Terminator Cycle Sequencing Ready Reaction Kit (Applied Biosystem) ลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ได้จะถูกทำการเปรียบเทียบ และ alignment กับลำดับนิวคลีโอไทด์ในฐานข้อมูลของ Genbank/EMBL/DDBJ โดยใช้ BLAST n program และ alignment software (ในกรณีนี้ใช้ CLUSTAL W program package) จำลองข้อมูลเป็น multi-data set และสร้าง phylogenetic trees ใน MEGA software program version 2.1 และวิเคราะห์ข้อมูลที่ได้

3.2.4 การวิเคราะห์ DNA base composition (Tamaoka, J., 1994.)

3.2.4.1 การแยก DNA และทำให้บริสุทธิ์

เลี้ยงเชื้อใน Yeast extract – Malt extract broth เป็นเวลา 3 วัน ทำการเก็บเกี่ยวเชื้อ และล้างด้วย saline-EDTA ทำให้เซลล์แตกด้วย lysozyme และ Tris-SDS solution จากนั้นสกัดด้วย phenol และ chloroform ตกตะกอน DNA ด้วย cool ethanol กำจัด RNA และ โปรตีน ด้วยการเติม RNase solution และ proteinase K และเก็บ DNA ที่ได้ไว้ที่ -20 องศาเซลเซียส ใน ethanol

3.2.4.2 การวิเคราะห์

เตรียม nucleoside ของ DNA แต่ละไอโซเลต จากการไฮโดรไลส 10 μ l heated DNA (1 mg/ml) ด้วย 10 μ l nuclease P₁ บ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง และไฮโดรไลสต่อด้วย 10 μ l alkaline phosphatase ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง แล้วจึงนำไปวิเคราะห์ด้วย HPLC

3.2.5 Photobiotin labeling DNA-DNA Hybridization

3.2.5.1 Immobilization of DNA in microtiter plate

หยด 100 μ l ของสารละลาย heat – denatured DNA (1 μ g DNA / well) ของ type strain, control DNA (calf thymus หรือ *E. coli*) และ DNA ของเชื้อ unknown บ่มไว้ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส 2 ชั่วโมง แล้วเทสารละลาย DNA นั้นทิ้ง ล้างด้วย PBS ปล่อยให้แห้งที่ 45-60 องศาเซลเซียส

3.2.5.2 DNA labeling with photobiotin (DNA probe)

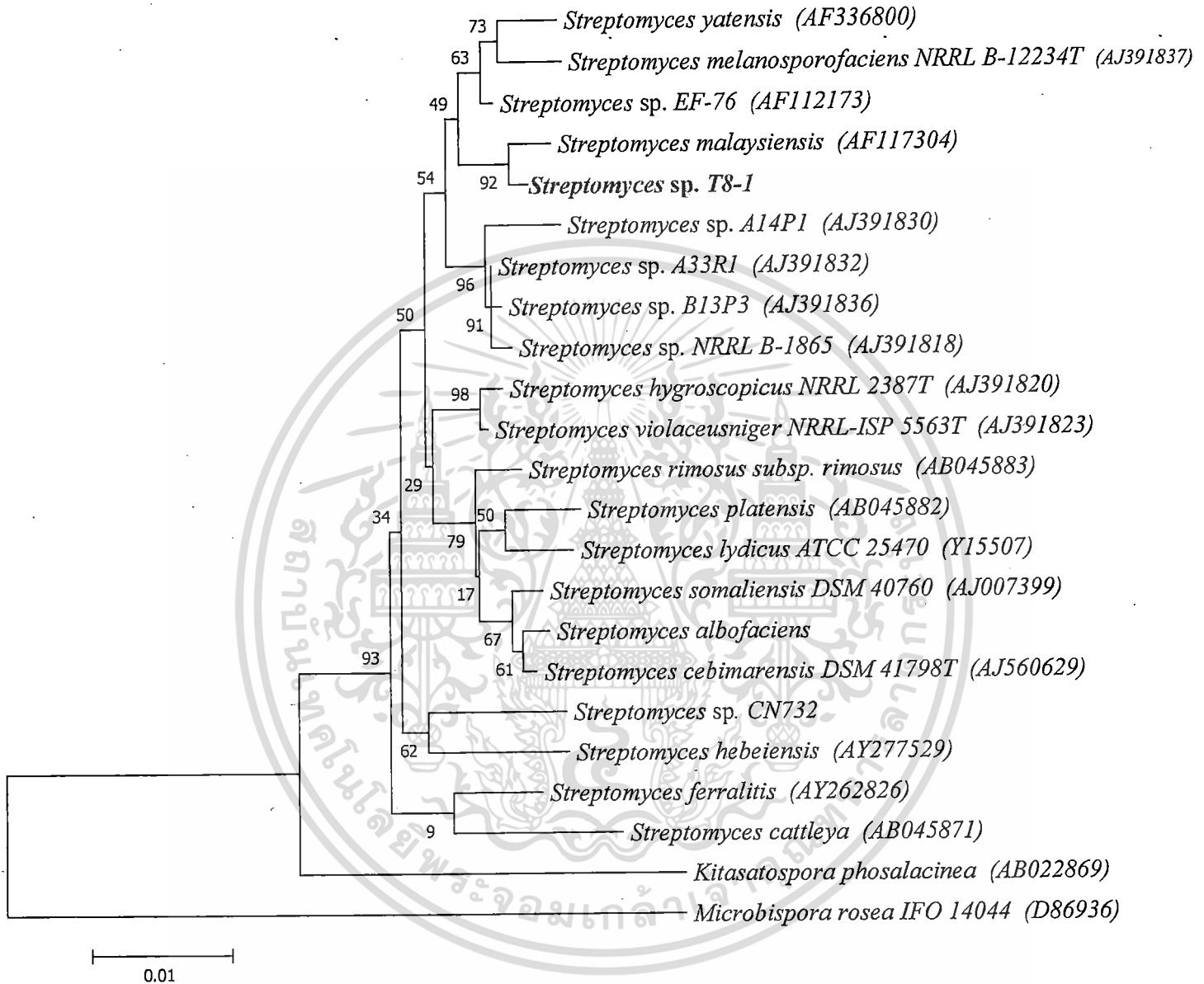
เตรียมสารละลาย DNA ของ type strain ในหลอด eppendorf เติมสารละลาย photobiotin ผสมให้เข้ากัน แล้วนำไปวางในน้ำแข็ง เปิดฝาไว้แล้วส่องด้วยแสงจากหลอด sunlamp เติม 0.1M Tris-HCl buffer (pH 9.0) และ n-butanol ปั่นด้วย vortex ปั่นเหวี่ยงที่ 12000 rpm นาน 20 นาที นำสารละลายชั้นบนทิ้ง เติม n-butanol และปั่นเหวี่ยงอีกครั้ง ทิ้งสารละลายชั้นบน นำ DNA ที่ติดฉลากแล้วไปต้มในน้ำเดือด 15 นาที ทำให้เย็นอย่างรวดเร็วและนำไป sonicate แล้วนำไปผสมกับ hybridization solution

3.2.5.3 Prehybridization

หยดสารละลาย prehybridization ลงแต่ละหลุมของ plate บ่มไว้นาน 1 ชั่วโมง ที่อุณหภูมิสำหรับ hybridize แล้วเทสารละลายนี้ทิ้ง

3.2.5.4 Hybridization

หยดสารละลายที่ผสม DNA probe ของ type strain ลงแต่ละหลุม ปิด plate ด้วยแผ่นพลาสติก บ่มไว้ที่อุณหภูมิที่เหมาะสม 12 ชั่วโมง แล้วทิ้งสารละลายนี้



รูปที่ 4 แสดงตำแหน่งของเชื้อสเตรปโตมัยเซส สายพันธุ์ทีแปด (*Streptomyces* sp. T8-1) บนต้นไม้สายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree, NJ method)

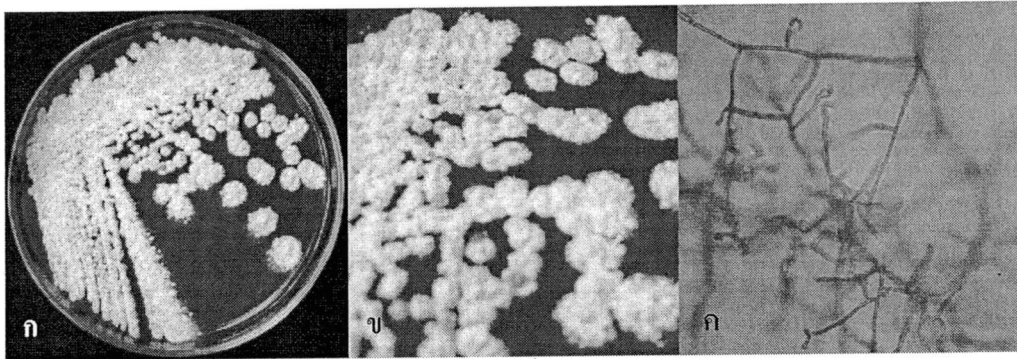
เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

กลุ่มที่ 3 เป็นกลุ่มของเชื้อแอสเพอร์จิลที่เจริญได้ดีในอาหาร ISP2 สร้างเส้นใยอากาศสีขาวอมเทา (grayish white) เส้นใยอาหารสีเหลืองอมเทา (yellowish gray) ไม่มีการสร้างรงควัตถุ และลักษณะของสปอร์เป็นแบบสายโซ่ยาวปลายโค้งงอ จากข้อมูลทางสัณฐานวิทยาพบว่า มีลักษณะคล้ายกับเชื้อแอสเพอร์จิลในสกุล *Streptomyces* (รูปที่ 5) มีสมาชิก 2 ไอโซเลต ได้แก่ T2-1 และ T2-2

สมาชิกในกลุ่มนี้สามารถเจริญบนอาหารที่มีความเข้มข้นของเกลือสูงสุดได้ที่ร้อยละ 5 ช่วงความเป็นกรด-ด่างที่ 6-9 อุณหภูมิสูงสุดที่เจริญได้คือ 40 องศาเซลเซียส และสามารถย่อยสลายโปรตีนในนม ตกตะกอนโปรตีนในนม รวมทั้งสามารถเปลี่ยนไนเตรทเป็นไนไตรท์ แต่ไม่สามารถย่อยสลายเจลาตินและแป้งได้ เชื้อสมาชิกในกลุ่มนี้สามารถผลิตสารทุติยภูมิที่มีฤทธิ์ในการยับยั้งเจริญของเชื้อ *S. aureus* ได้ (ตารางที่ 4)

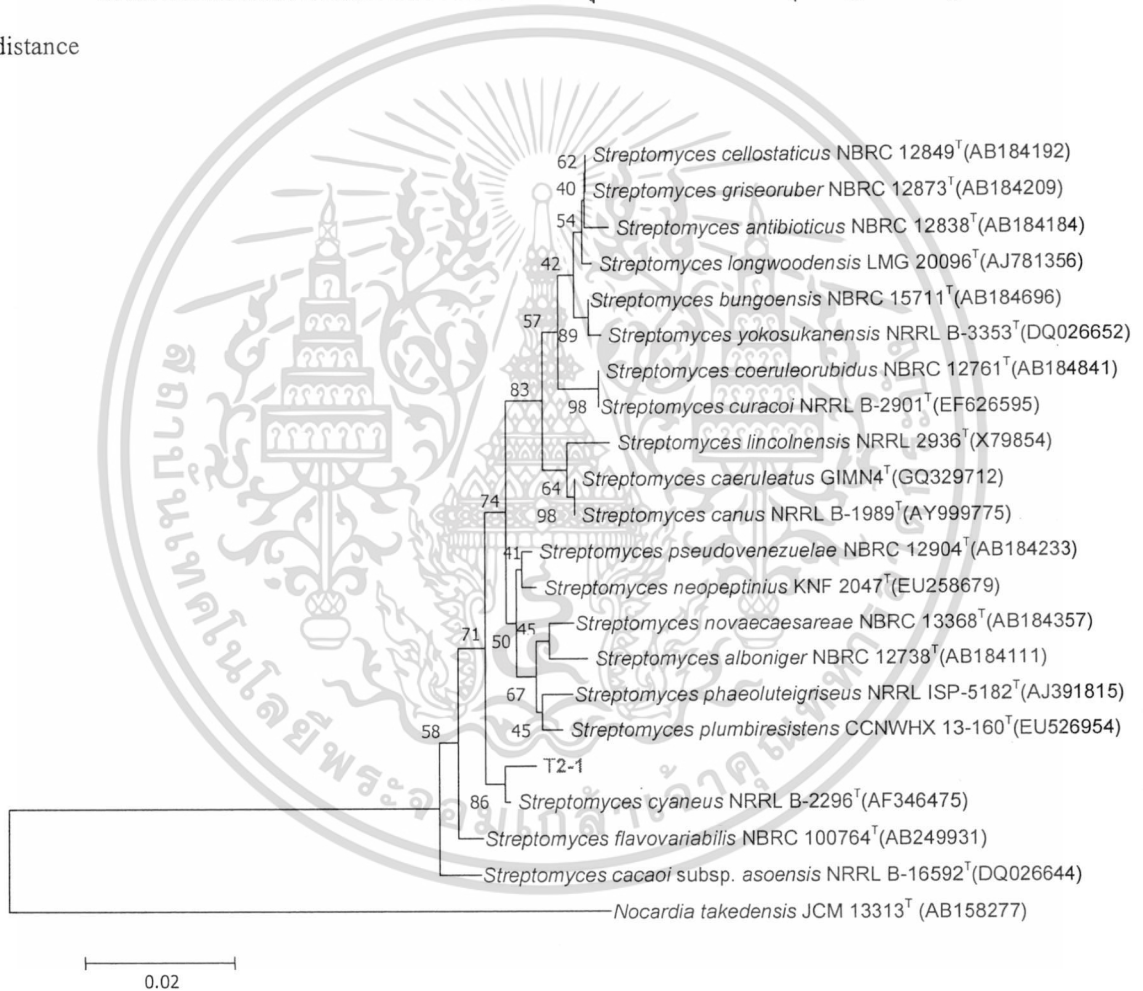
ผนังเซลล์ของเชื้อกลุ่มนี้ประกอบด้วยกรดกลูตามิก อะลานีน และกรดไคอะมิโนพิมีลิกแบบ LL (cell wall type 1) พบน้ำตาลกลูโคส แมนโนส แรมโนส ไรโบส และกาแลคโตส เป็นน้ำตาลทั้งหมดในเซลล์ (whole-cell sugar) พบฟอสฟาติดีลเอทานอลามีน (phosphatidylethanolamine) ไดฟอสฟาติดีลกลีเซอรอล (diphosphatidylglycerol) ฟอสฟาติดีลอินโนซิทอล (phosphatidylinositol) ฟอสฟาติดีลกลีเซอรอล (phosphatidylglycerol) ฟอสฟาติดีลโคลีน (phosphatidylcholine) เป็นฟอสโฟไลปิดเอกลักษณ์ในเซลล์ ด้วยลักษณะทางอนุกรมวิธานเคมี และลักษณะทางสัณฐานวิทยาสามารถยืนยันได้ว่า เชื้อกลุ่มนี้อยู่ในสกุล *Streptomyces*

เมื่อทำการวิเคราะห์ลำดับเบสในช่วง 16S rRNA gene พบว่ามีความคล้ายคลึงกับ *Streptomyces cyaneus* NRRL B-2296¹ มากที่สุด ด้วยลำดับความคล้ายคลึงของนิวคลีโอไทด์ (% similarity) ร้อยละ 99.61 ที่ระดับความเชื่อมั่นของการทำซ้ำ (bootstap values) บนสายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree) ร้อยละ 86 (รูปที่ 6)



รูปที่ 5 ก. และ ข. แสดงลักษณะและสีโคโลนีของเชื้อไอโซเลต T2-1 บนอาหารISP2 ระยะเวลา 21 วัน

ค. แสดงลักษณะเส้นใยและสปอร์ภายใต้กล้องจุลทรรศน์เลนส์วัตถุ Long-working distance



รูปที่ 6 แสดงตำแหน่งของเชื้อสเตรปโตมัยเซส สายพันธุ์ที่สองชนิดหนึ่ง (*Streptomyces* sp. T2-1) บนต้นไม้สายวิวัฒนาการ (phylogenetic tree, NJ method)

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 4 ลักษณะทางสรีระวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอคติโนมัยซีท

กลุ่มที่	รหัสเชื้อ	ความเข้มข้นของเกลือ(%)							พีเอช					อุณหภูมิ (°C)					Skim milk		Gelatin liquefaction	Nitrate reduction	Starch hydrolysis	Antimicrobial activities (Inhibition zone, mm)						
		1.5	2	3	4	5	6	7	4	4.5	5	7	9	20	37	40	45	50	Peptonization	Coagulation				<i>B. subtilis</i>	<i>M. luteus</i>	<i>S. aureus</i>	<i>E. coli</i>	<i>Ps. aeruginosa</i>	<i>C. albicans</i>	
1	P1-1	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	21	14	-	-	-	
	P1-2	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	17	11	-	-	-
	P1-3	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	21	14	-	-	-
	P1-4	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	24	18	-	-	-
	P1-5	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	22	11	-	-	-
	P1-6	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	21	18	-	-	-
	P1-7	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	22	18	-	-	-
	P1-8	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	22	12	-	-	-
	P8-5	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	23	18	-	-	-
	P8-6	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	-	21	12	-	-	-

ตารางที่ 4 ลักษณะทางสรีระวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอกติโนมัยซีท (ต่อ)

กลุ่มที่	รหัสเชื้อ	ความเข้มข้นของเกลือ(%)							พีเอช					อุณหภูมิ (°C)					Skim milk		Gelatin liquefaction	Nitrate reduction	Starch hydrolysis	Antimicrobial activities (Inhibition zone, mm)					
		1.5	2	3	4	5	6	7	4	4.5	5	7	9	20	37	40	45	50	Peptonization	Coagulation				<i>B. subtilis</i>	<i>M. luteus</i>	<i>S. aureus</i>	<i>E. coli</i>	<i>Ps. aeruginosa</i>	<i>C. albicans</i>
		2	T8-1	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-				+	+	+	+	+	14
	T8-2	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	11	17	15	12	-	11
	T8-3	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	12	15	16	18	-	13
	T8-4	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	11	12	16	12	-	12
	T2-3	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	12	17	18	12	-	12
	T2-4	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	+	+	+	+	+	12	17	18	12	-	11

ตารางที่ 4 ลักษณะทางสรีระวิทยาและชีวเคมีของเชื้อแอคติโนมัยซีท (ต่อ)

กลุ่มที่	รหัสเชื้อ	ความเข้มข้นของเกลือ(%)							พีเอช					อุณหภูมิ (°C)				Skim milk		Gelatin liquefaction	Nitrate reduction	Starch hydrolysis	Antimicrobial activities (Inhibition zone, mm)						
		1.5	2	3	4	5	6	7	4	4.5	5	6	9	20	37	40	45	50	Peptonization				Coagulation	<i>B.subtilis</i>	<i>M.luteus</i>	<i>S.aureus</i>	<i>E.coli</i>	<i>Ps.aeruginosa</i>	<i>C.albicans</i>
3	T2-1	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-	15	-	-	-
	T2-2	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-	13	-	-	-

4.3 การแยกเชื้อและคัดเลือกเชื้อที่ผลิตสารเจลคานามัยซินได้

จากจำนวนเชื้อแอกติโนมัยซีททั้งหมด 18 ไอโซเลต พบว่า เชื้อแอกติโนมัยซีทในกลุ่มที่ 2 ซึ่งมีสมาชิกจำนวน 6 ไอโซเลต สามารถผลิตสารทุติยภูมิที่แสดงฤทธิ์ต้านเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบ ได้แก่ *Bacillus subtilis* ATCC 6633, *Staphylococcus aureus* ATCC 25923, *Micrococcus luteus* ATCC 9341 และ *Candida albicans* ATCC 10231 ได้สอดคล้องกับฤทธิ์ต้านเชื้อจุลินทรีย์ทดสอบของสารเจลคานามัยซิน รวมทั้งสารสกัดหยาบในชั้นเอทิลอะซิเตตของเชื้อตัวแทนในกลุ่มที่ 2 คือ ไอโซเลต T8-1 แสดงองค์ประกอบของสารที่มีค่า $R_f = 0.4$ ซึ่งเท่ากับกับค่า R_f ของสารมาตรฐานเจลคานามัยซิน เมื่อ develop ในระบบตัวทำละลายที่มีประกอบด้วย ไคลคลอโรมีนเทน ต่อ เมทานอล ในอัตราส่วน 9:1 ดังนั้นแสดงว่าสารดังกล่าวเป็นสารเจลคานามัยซิน

4.4 การศึกษาปัจจัยการผลิตและการสกัดแยกสาร

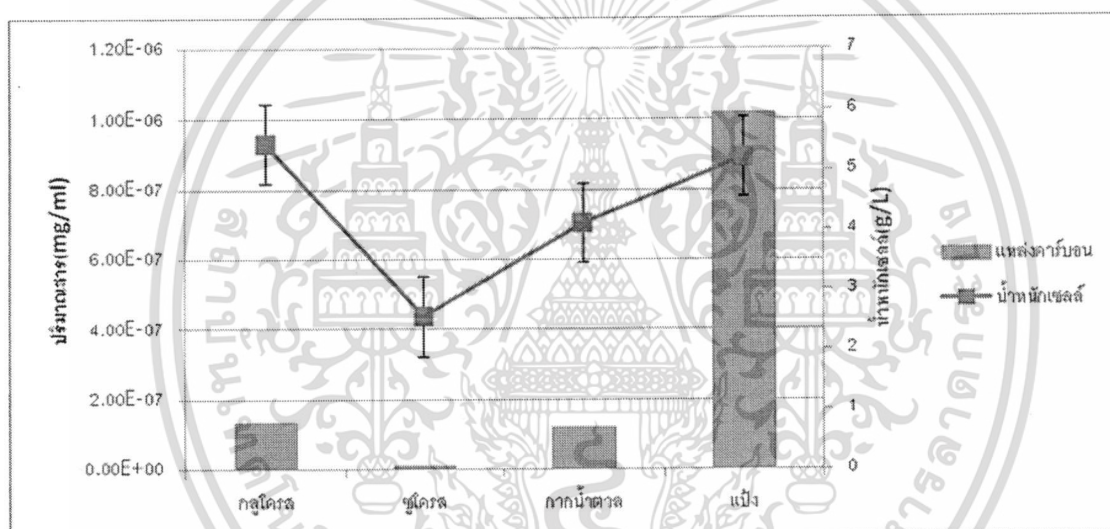
4.4.1 การศึกษาแหล่งคาร์บอนที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตสารเจลคานามัยซิน

จากเชื้อสเตรปโตมัยเซส สายพันธุ์เอ็มเอ เก้า (*Streptomyces* sp. T8-1)

เมื่อทำการผันแปรแหล่งคาร์บอนได้แก่ กลูโคส ซูโครส กาคน้ำตาลและแป้ง พบว่าเชื้อมีการผลิตสารเจลคานามัยซินปริมาณมากที่สุดในการเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งคาร์บอนคือแป้งโดยสามารถผลิตสารเจลคานามัยซินได้ 1.02×10^{-6} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร และมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 5.21 กรัมต่อลิตร รองลงมาคืออาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งคาร์บอนเป็นน้ำตาลกลูโคส โดยเชื้อสามารถผลิตสารเจลคานามัยซินได้ 1.4×10^{-7} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร และมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 5.41 กรัมต่อลิตร ในขณะที่เดียวกันอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งคาร์บอนคือกลูโคสพบว่าเชื้อมีอัตราการเจริญสูงสุดคือมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 5.41 กรัมต่อลิตร จากการศึกษาพบว่าเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 สามารถเจริญได้ดีที่สุดในอาหารที่มีแหล่งคาร์บอนเป็นกลูโคส ซึ่งสอดคล้องกับ Singh และคณะ (2009) ที่พบว่าเมื่อทำการเลี้ยงเชื้อแอกติโนมัยซีทในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งคาร์บอนเป็นกลูโคส ทำให้เชื้อสามารถเจริญเติบโตได้ดีที่สุดเช่นกัน แต่การศึกษาในครั้งนี้พบว่าเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 สามารถผลิตสารทุติยภูมิได้ดีที่สุดเมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ ที่มีแป้งเป็นส่วนประกอบ ซึ่งแตกต่างจากการศึกษาของนักวิทยาศาสตร์ในหลายๆบทความที่มักสรุปว่าเชื้อแอกติโนมัยซีทจะสามารถสร้างสารทุติยภูมิได้ดีเมื่อเลี้ยงในอาหารที่มีกลูโคสเป็นแหล่งคาร์บอน

ตารางที่ 5 แสดงความสัมพันธ์ของแหล่งคาร์บอนต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซิน

แหล่งคาร์บอน	ปริมาณสาร (กรัมต่อลิตร)	น้ำหนักเซลล์แห้ง (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)
กลูโคส	1.37×10^{-7}	5.44
ซูโครส	1.21×10^{-8}	2.54
กากน้ำตาล	1.21×10^{-7}	4.11
แป้ง	1.02×10^{-6}	5.21



รูปที่ 7 ความสัมพันธ์ของแหล่งคาร์บอนต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักเซลล์แห้งของเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1

4.4.2 การศึกษาแหล่งไนโตรเจนที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซินของเชื้อ

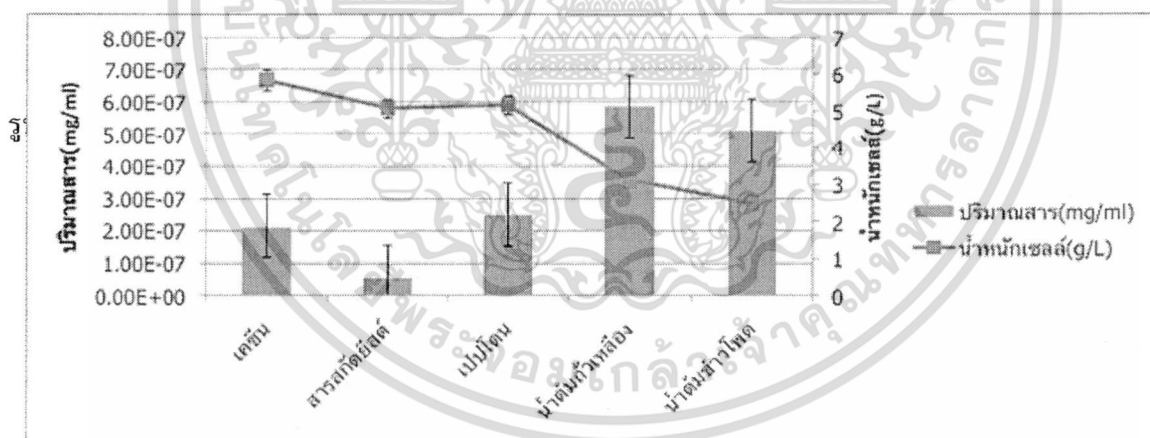
Streptomyces sp. T8-1

เมื่อทำการผันแปรแหล่งไนโตรเจนได้แก่ เคซีน สารสกัดจากยีสต์ เปปโตน น้ำต้มถั่วเหลือง และน้ำต้มข้าวโพด พบว่าเชื้อมีการผลิตสารเจลดานามัยซินปริมาณมากที่สุดในการเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งไนโตรเจนคือน้ำต้มถั่วเหลือง โดยสามารถผลิตสารเจลดานามัยซินได้ 5.85×10^{-7} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร และมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 3.08 กรัมต่อลิตร รองลงมาคืออาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งไนโตรเจน เป็นน้ำต้มข้าวโพดโดยเชื้อสามารถผลิตสารเจลดานามัยซินได้ 5.10×10^{-7} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร และมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 2.49 กรัมต่อลิตร ในขณะที่เดียวกันอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งไนโตรเจน คือ เคซีน พบว่าเชื้อมีอัตราการเจริญสูงสุดคือมี

น้ำหนักเซลล์แห้ง 5.83 กรัมต่อลิตร จากการศึกษาพบว่าเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 สามารถสารทุติยภูมิได้ดีที่สุดในอาหารที่มีแหล่งไนโตรเจนเป็นน้ำต้มถั่วเหลืองซึ่งสอดคล้องกับ Singh และคณะ (2009) ที่พบว่าเมื่อทำการเลี้ยงเชื้อแอสคิโนไมซีตาในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งไนโตรเจน เป็นอาหารที่มีส่วนประกอบของถั่วเหลืองจะทำให้เชื้อสามารถผลิตสารทุติยภูมิได้ดีที่สุดเช่นกัน แต่การศึกษาในครั้งนี้พบว่าเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 สามารถเจริญได้ดีที่สุดเมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ ที่มีเคซีนเป็นส่วนประกอบ ซึ่งแตกต่างจากการศึกษาของ Singh และคณะ (2009) ที่สรุปว่าเชื้อแอสคิโนไมซีตาจะสามารถเจริญได้ดีที่สุดเมื่อเลี้ยงในอาหารที่มีส่วนประกอบของถั่วเหลือง เป็นแหล่งไนโตรเจน

ตารางที่ 6 แสดงความสัมพันธ์ของแหล่งไนโตรเจนต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซิน

แหล่งไนโตรเจน	ปริมาณสาร (กรัมต่อลิตร)	น้ำหนักเซลล์(มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)
เคซีน	2.15×10^{-7}	5.83
สารสกัดยีสต์	5.68×10^{-8}	5.06
เปปโตน	2.50×10^{-7}	5.15
น้ำต้มถั่วเหลือง	5.85×10^{-7}	3.08
น้ำต้มข้าวโพด	5.10×10^{-7}	2.5



รูปที่ 8 ความสัมพันธ์ของแหล่งไนโตรเจนต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักเซลล์แห้งของเชื้อ

Streptomyces sp. T8-1

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

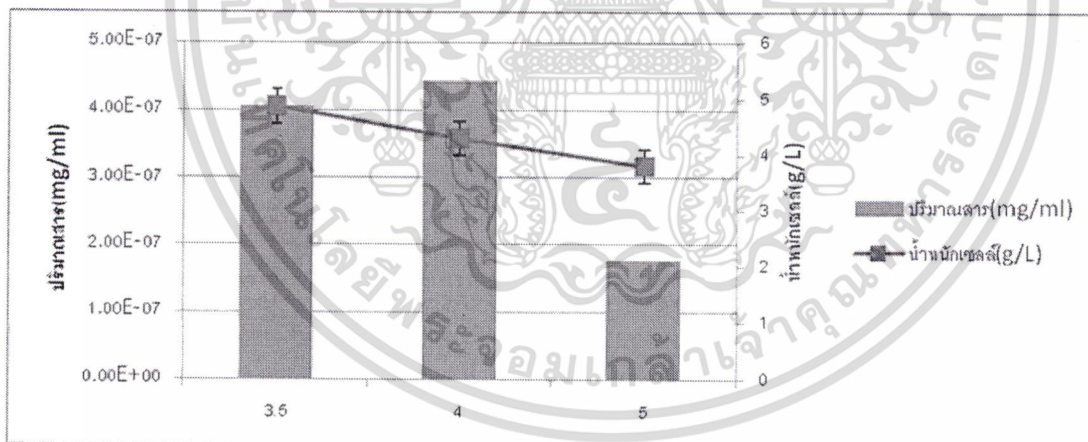
4.4.3 การศึกษาความเข้มข้นของเกลือที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซิง

เชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1

เมื่อทำการผันแปรความเข้มข้นของเกลือ ในความเข้มข้นร้อยละ 3.5 4 และ 5 พบว่าเชื้อมีการผลิตสารเจลดานามัยซิงปริมาณมากที่สุดในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีความเข้มข้นเกลือร้อยละ 4 โดยสามารถผลิตสารเจลดานามัยซิงได้ 4.4×10^{-7} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตรและมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 4.30 กรัมต่อลิตร รองลงมาคืออาหารเลี้ยงเชื้อที่มีความเข้มข้นเกลือร้อยละ 3.5 โดยเชื้อสามารถผลิตสารเจลดานามัยซิงได้ 4.06×10^{-7} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตรและมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 4.87 กรัมต่อลิตร ซึ่งไม่สอดคล้องกับการวิจัยของนักวิทยาศาสตร์ในหลายๆบทความทั้งนี้เนื่องจากเชื้อแอสคิตินอไมซีทีในแต่ละสายพันธุ์มีความต้องการความเข้มข้นของเกลือต่อการเจริญและการสร้างสารทุติยภูมิที่แตกต่างกัน

ตารางที่ 7 แสดงความสัมพันธ์ของความเข้มข้นเกลือต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซิง

ความเข้มข้นของเกลือร้อยละ	ปริมาณสาร (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)	น้ำหนักเซลล์ (กรัมต่อลิตร)
3.5	4.06×10^{-7}	4.87
4	4.4×10^{-7}	4.30
5	1.77×10^{-7}	3.81



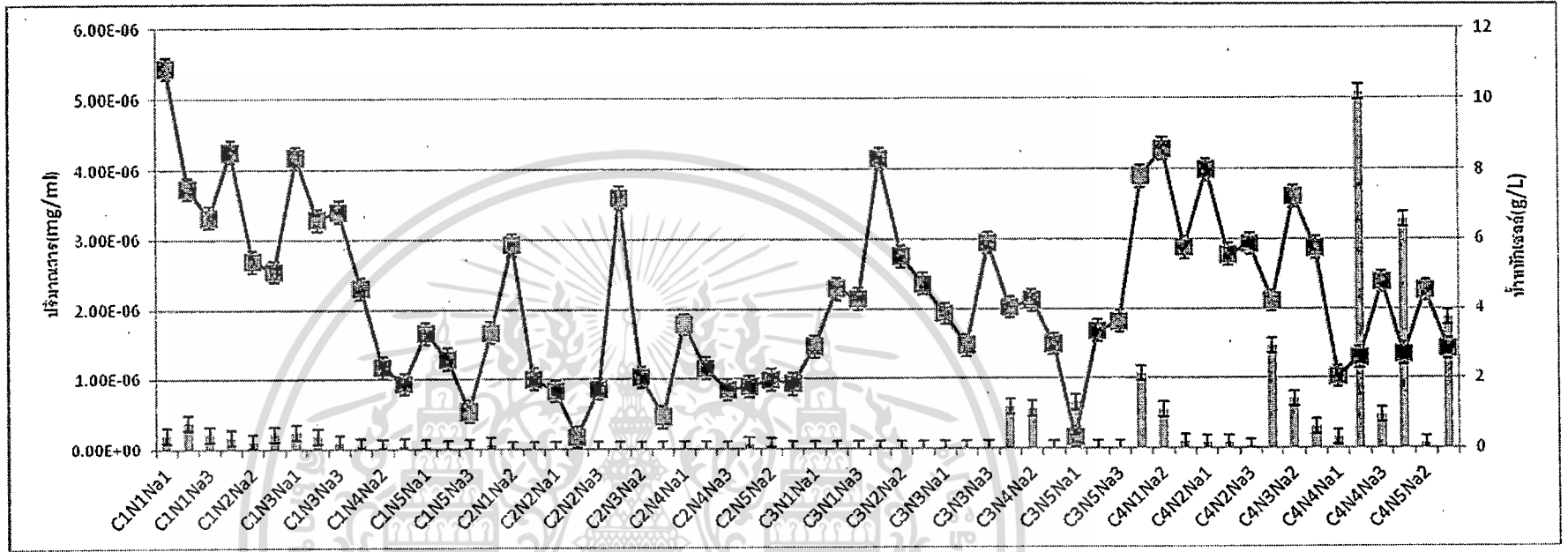
รูปที่ 9 ความสัมพันธ์ของความเข้มข้นเกลือต่อการผลิตสารเจลดานามัยซิงและน้ำหนักเซลล์แห้งของเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ในการศึกษาสภาวะที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตสารเจลคานามัยซินจากเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 จากแหล่งคาร์บอน แหล่งไนโตรเจน และความเข้มข้นของเกลือ พบว่าอาหารสูตรซีลีเอ็นทีเอ็นเอสอง ($C_4N_4Na_2$) ซึ่งประกอบไปด้วย แป้ง น้ำคั้นหัวเหลือง และความเข้มข้นเกลือร้อยละ 4 เหมาะสมต่อการผลิตสารเจลคานามัยซินมากที่สุด โดยสามารถผลิตสารเจลคานามัยซิน 5.09×10^6 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร และน้ำหนักเซลล์แห้ง 2.6 กรัมต่อลิตร แต่อาหารสูตรซีหนึ่งเอ็นหนึ่งเอ็นเอหนึ่ง ($C_1N_1Na_1$) ที่ประกอบด้วย กลูโคส เคซีนและความเข้มข้นเกลือร้อยละ 3.5 เหมาะสมต่อการเจริญของเชื้อมากที่สุดโดยให้ปริมาณน้ำหนักแห้งของเซลล์มากที่สุดที่ 10.9 กรัมต่อลิตร แต่ผลิตสารเจลคานามัยซินได้น้อย จากการทดลองจะเห็นว่า การผลิตสารเจลคานามัยซินและการเจริญของเชื้อในอาหารสูตรต่างๆ ไม่มีความสัมพันธ์กัน



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้



หมายเหตุ  แสดงปริมาณสารเจลดานามัยซิน (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)
 แสดงน้ำหนักเซลล์แห้ง (กรัมต่อลิตร)

รูปที่ 10 ความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักเซลล์แห้งตามแหล่งคาร์บอน แหล่งไนโตรเจนและความเข้มข้นของเกลือ

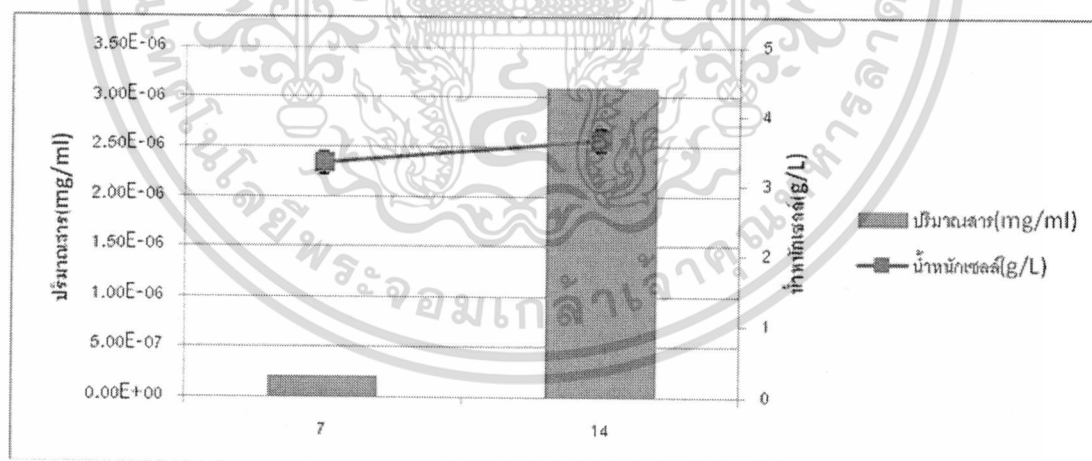
4.4.4 การศึกษาระยะเวลาที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซิน จากเชื้อ

Streptomyces sp. T8-1

เมื่อทำการศึกษาระยะเวลาที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซินจากเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 ในอาหารเลี้ยงเชื้อสูตรซีสต์เอ็นสี่เอ็นเอสอง ($C_4N_4Na_2$) พบว่าเชื้อมีการเจริญและผลิตสารเจลดานามัยซิน สูงสุดเมื่อเลี้ยงเป็นระยะเวลา 14 วัน โดยสามารถผลิตสารเจลดานามัยซินได้ 3.09×10^{-6} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตรและมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 3.66 กรัมต่อลิตรซึ่งไม่สอดคล้องกับการวิจัยของ Singh และคณะ (2009) ที่รายงานว่าเชื้อแอกติโนมัยซีทที่ศึกษาสามารถเจริญและสร้างสารทุติยภูมิได้ดีเมื่อทำการเลี้ยงเป็นเวลา อย่างน้อยที่สุด 6 วัน ทั้งนี้เนื่องจากเชื้อแอกติโนมัยซีทในแต่ละสายพันธุ์มีอัตราการเจริญและสร้างสารทุติยภูมิที่ต่างกัน

ตารางที่ 8 แสดงความสัมพันธ์ของระยะเวลาต่อการเจริญและการผลิตสารเจลดานามัยซิน

วัน (เวลา)	ปริมาณสาร (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)	น้ำหนักเซลล์(กรัมต่อลิตร)
7	2.03×10^{-7}	3.33
14	3.09×10^{-6}	3.66



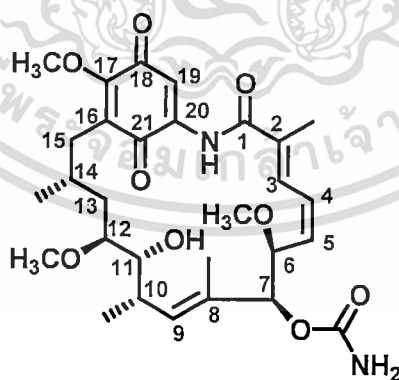
รูปที่ 11 ความสัมพันธ์ของระยะเวลาต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินและน้ำหนักเซลล์แห้งของเชื้อ

Streptomyces sp. T8-1

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้าไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ตัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

4.5 การสกัดและแยกสารเจลดานามัยซินให้บริสุทธิ์ การพิสูจน์สูตรโครงสร้างทางเคมีและกำหนดเอกลักษณ์ของสารบริสุทธิ์ที่แยกได้

สาร T8-1-1A แยกได้จากสารสกัดหยาบในชั้นเอทิลอะซิเตตของน้ำหมักจากเชื้อตัวแทนกลุ่มที่ 2 คือ *Streptomyces* sp. T8-1 สารชนิดนี้มีลักษณะเป็นผงสีเหลือง มีค่าดูดกลืนรังสีอินฟราเรด (IR spectrum) ที่ $3,450\text{ cm}^{-1}$ (O-H stretching), $1,689\text{ cm}^{-1}$ (C=O stretching) and $1,649\text{ cm}^{-1}$ (C=O stretching, amide I band) จากการหาน้ำหนักโมเลกุลโดย HRFABMS พบชุดไอออนพิก [M+Na]⁺ ที่ m/z 583.2667 (calculate for $C_{29}H_{40}N_2O_9Na$ at 583.2632) จากผลของการวิเคราะห์ด้วย ¹H NMR spectroscopic พบว่า สารนี้ประกอบด้วยเมทิลโปรตอนจำนวน 4 โปรตอน มีหมู่เมทอกซี จำนวน 3 หมู่ เมทิลลีนโปรตอน จำนวน 2 โปรตอน มีไทล์โปรตอน จำนวน 11 โปรตอน และประกอบด้วย 3 โปรตอนแลกเปลี่ยน (exchangeable protons) จากการตีค่า ¹³C NMR พบว่า สารนี้ประกอบไปด้วย คาร์บอน จำนวน 29 ตัว จากการวิเคราะห์ด้วยเทคนิค DEPT135 ทำให้เราทราบว่าสารชนิดนี้ ประกอบด้วย เมทิลคาร์บอน จำนวน 4 อะตอม เมทอกซีคาร์บอน จำนวน 3 อะตอม เมทิลลีนคาร์บอน จำนวน 2 อะตอม มีไทล์คาร์บอนจำนวน 11 อะตอม และ ควอเทอร์นารี คาร์บอน (quaternary carbon) จำนวน 9 อะตอม จากการวิเคราะห์ ¹³C NMR ยังยืนยันได้ว่าสารนี้ประกอบไปด้วยหมู่คาร์บอนิลของควิโนน จำนวน 2 หมู่ เอไมด์คาร์บอนิลคาร์บอน จำนวน 1 หมู่ และ คาร์บาเมทคาร์บอน จำนวน 1 หมู่ จากการเปรียบเทียบสัญญาณของ ¹H และ ¹³C NMR ดังกล่าว สรุปได้ว่า สาร T8-1-1A เป็นสารเจลดานามัยซิน (รูปที่ 12)



รูปที่ 12 โครงสร้างของสาร T8-1-1A

เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

ตารางที่ 9 เปรียบเทียบข้อมูลของ ^1H และ ^{13}C -NMR ระหว่างสาร T8-1-1A และ สารมาตรฐานเจลคานามัยซิน

ตำแหน่ง	สาร T8-1-1A ^a		เจลคานามัยซิน	
	δ_{C} (ppm)	δ_{H} (ppm), mult, (J in Hz)	δ_{C} (ppm)	δ_{H} (ppm), mult ^c
1	167.91	-	169.1	-
2	134.56	-	133.2	-
2-Me	12.5	1.89, 3H, s	12.2	1.91, 3H
3	126.89	6.89, d, (12)	128.4	6.95, d
4	126.11	6.53, t, (12, 11)	125.7	6.56, t
5	136.2	5.83, t, (11, 10)	137.8	5.80, t
6	81.23	4.25, d, (10)	81.6	4.34, d
6-OMe	57.3	3.25, 3H, s	56	3.22, 3H, s*
7	81.62	5.14, brs	80.6	4.86, brs
7-OC(=O)NH ₂	155.75	4.80, NH ₂ , brs	156	6.45, NH ₂ , brs
8	133.1	-	132.6	-
8-Me	13	1.75, 3H, s	12.5	1.61, 3H, brs
9	132.94	5.77, d, (10)	131.9	5.51, d
10	32.26	2.73, m	32.1	3.61
10-Me	12.66	0.93, 3H, d, (7)	23.3	0.97, 3H, d [#]
11	72.6	3.48, m	71.9	3.29**
11-OH	-	3.01, OH, brs	-	-
12	80.91	3.35, m	80.2	3.07**
12-OMe	56.75	3.31, 3H, s	56.5	3.23, 3 H, s*
13	34.74	1.73, 2H, m	31	1.45, 2H, brs
14	27.97	1.63, brs	26.6	1.91
14-Me	23.04	0.92, 3H, d (6)	13	0.76, 3H [#]
15	32.83	2.41, 2H, m	31.7	2.42, 2H, m
16	127.39	-	128.1	2.42, m
17	156.73	-	156.4	-
17-OMe	61.68	4.08, 3H, s	61	3.93, 3H, s
18	183.85	-	183.6	-
19	111.6	7.22, s	110.9	7.02, s
20	137.84	-	139.6	-
21	184.68	-	183.1	-
NH	-	8.67, NH, brs	-	9.14, NH, brs

^aobserved in CDCl₃ and recorded at 300 MHz (1H) and 75 MHz (13C).

^bobserved in DMSO-*d*₆ (Omura *et al.*, 1979)

^cobserved in DMSO-*d*₆ (Rinehart, Jr. And Shield, 1976)

บทที่ 5

สรุปผลการวิจัยและข้อเสนอแนะ

การคัดแยกเชื้อแอกติโนมัยสีทจากตัวอย่างดินบริเวณป่าชายเลนและดินตะกอนใต้ทะเล จังหวัดเพชรบุรีและตรัง สามารถทำการแยกเชื้อแอกติโนมัยสีทได้ทั้งหมด 18 ไอโซเลต และได้ทำการศึกษาลักษณะพื้นฐานวิทยาและการเจริญของเชื้อพบว่า เชื้อแอกติโนมัยสีทที่แยกได้นั้นสามารถเจริญได้ดีในอาหาร Yeast extract - Malt extract agar และสร้างเส้นใยอากาศ (aerial mycelium) ในโทนสีเทา ขาว และเหลือง สร้างเส้นใยอาหาร (substrate mycelium) ในโทนสี ขาว และเหลือง ลักษณะของสปอร์ที่ดูจากกล้องจุลทรรศน์ด้วยกำลังขยายของภาพ 1,000 เท่า มีลักษณะขดเป็นเกลียวเป็นส่วนใหญ่ ตรงปลายโค้ง ซึ่งลักษณะดังกล่าวสามารถจัดกลุ่มเชื้อแอกติโนมัยสีทออกเป็น 3 กลุ่ม คือ

กลุ่มที่ 1 เป็นกลุ่มของเชื้อแอกติโนมัยสีทที่เจริญได้ดีในอาหาร yeast extract-malt extract (ISP2) สร้างเส้นใยอากาศสีเหลืองใส (Vivid Yellow) เส้นใยอาหารสีเหลืองอ่อน (pale yellow) ไม่มีการสร้างรงควัตถุ สร้างสปอร์เป็นแบบโค้งงอ มีความคล้ายคลึงกับ *Streptomyces carpaticus* NBRC 15390^T มากที่สุด ด้วยลำดับความคล้ายคลึงของนิวคลีโอไทด์ (% similarity) ร้อยละ 99.84

กลุ่มที่ 2 เป็นกลุ่มของเชื้อแอกติโนมัยสีทที่สร้างเส้นใยอากาศขาวอมเทา (greyish white) เส้นใยอาหารสีเหลืองครีม ไม่มีการสร้างรงควัตถุ สร้างสปอร์เป็นแบบสายโซ่ยาวแบบเกลียว มีความคล้ายคลึงกับเชื้อ *Streptomyces malaysiensis* มากที่สุดด้วยระดับความคล้ายคลึงของลำดับนิวคลีโอไทด์ (%similarity) ร้อยละ 99.5

กลุ่มที่ 3 เป็นกลุ่มของเชื้อแอกติโนมัยสีทที่เจริญได้ดีในอาหาร ISP2 สร้างเส้นใยอากาศสีขาวอมเทา (grayish white) เส้นใยอาหารสีเหลืองอมเทา (yellowish gray) ไม่มีการสร้างรงควัตถุและลักษณะของสปอร์เป็นแบบสายโซ่ยาวปลายโค้งงอ มีความคล้ายคลึงกับ *Streptomyces cyaneus* NRRL B-2296^T มากที่สุด ด้วยลำดับความคล้ายคลึงของนิวคลีโอไทด์ (% similarity) ร้อยละ 99.61

จากการศึกษาปัจจัยการผลิตสารเจลดานามัยซินทั้งจากแหล่งคาร์บอน ไนโตรเจน ความเข้มข้นเกลือและระยะเวลาทำให้ทราบว่า อาหารเลี้ยงเชื้อที่มีแหล่งคาร์บอน คือ แป้งที่ละลายน้ำ (soluble starch) แหล่งไนโตรเจน คือ น้ำต้มถั่วเหลือง ความเข้มข้นของเกลือร้อยละ 4 เลี้ยงเป็น

ระยะเวลา 14 วัน เป็นอาหารที่ดีที่สุดที่ทำให้เชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 สามารถผลิตสารเจลดานามัยซินได้ดีที่สุด ที่ปริมาณ 5.09×10^{-6} มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร

ข้อเสนอแนะ

1. จากการวิจัยครั้งนี้สามารถค้นพบเชื้อแอคติโนมัยสิตที่มีความสามารถสร้างสารเจลดานามัยซินได้เป็นอย่างดี จึงควรมีการวิจัยต่อเพื่อทำการพิสูจน์เอกลักษณ์ของเชื้อเหล่านี้ถึงระดับสกุลและสปีชีส์
2. จากการศึกษาที่พบสภาพที่เหมาะสมต่อการผลิตสารเจลดานามัยซินของเชื้อ *Streptomyces* sp. T8-1 ในระดับห้องปฏิบัติการ ดังนั้นควรทำการศึกษาหาสภาพที่เหมาะสมในระดับอุตสาหกรรมต่อไป



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า ไม่ว่าจะกรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้

เอกสารอ้างอิง

- Arai, T. 1975. Culture Media for Actinomycetes. *The Society for Actinomycetes*. Japan.
- Bérdy, J. 2005. Bioactive Microbial Metabolites. *J. Antibiotics*. 58: 1-26
- Bruntner C, Binder T, Pathom-aree W, Goodfellow M, Bull AT, Potterat O, Puder C, Horer S, Schmid A, Bolek W. 2005. Frigocyclinone, a novel angucyclinone antibiotic produced by a *Streptomyces griseus* strain from Antarctica. *J Antibiot (Tokyo)*. 58:346-349.
- Enokita, R., Okazaki, T., Torikata, A. and Arai, M. 1986. Personal communication. Sankyo fermentation Research Laboratories, Tokyo, Japan.
- Hernández, I. L. C., Macedo, M. L., Berlinck, R. G. S., Ferreira, A. G. and Godinho, M. J. L. 2004. *J. Braz. Chem. Soc.*, 15, 441
- Holt, J. G. 1989. Filamentous Actinomycetes and Related Bacteria. In *Bergey's Manual of Systematic Bacteriology*, vol. 4, pp. 2333-2450. Edited by S. T. Williams, M. E. Sharpe & J. G. Holt. Baltimore: Williams & Wilkins.
- Itoh T, Kinoshita M, Aoki S, Kobayashi M. 2003. Komodoquinone A, a novel neutritogenic anthracycline, from marine *Streptomyces* sp. KS3. *J Nat Prod*. 66:1373-1377.
- Komagata, K. and Suzuki, K.I. 1987. Lipid and Cell-Wall Analysis in Bacterial Systematics. *Methods in Microbiology*. 19: 161-207.
- Macherla VR, Liu J, Bellows C, Teisan S, Lam KS, Potts BCM. 2005. Glaciapyrroles A, B and C, pyrrolonesquiterpenes from a *Streptomyces* sp. Isolated from an Alaskan marine sediment. *J Nat Prod*. 68:780-783.
- Maskey RP, Sevvana M, Uson I, Helmke E, Laatsch H. 2004. Gutingimycin: a highly complex metabolite from a marine streptomycete. *Angew Chem Int Ed Engl*. 43:1281-1283.
- Mitchell SS, Nicholson B, Teisan S, Lam KS, Potts BCM. 2004. Aureoverticillactam, a novel 22-atom macrocyclic lactam from the marine actinomycete *Streptomyces aureoverticillatus*. *J Nat Prod*. 67:1400-1402.
- Sanchez Lopez JM, Martinez Insua M, Perez Baz J, Fernandez Puentes JL, Canedo Hernandez L M. 2003. New Cytotoxic indolic metabolites from a marine *Streptomyces*. *J Nat Prod*. 66:863-864.

- Schumacher RW, Talmage SC, Miller SA, Sarris KE, Davidson BS, Goldberg A. 2003. Isolation and structure determination of an antimicrobial ester from a marine-derived bacterium. *J Nat Prod.* 66:1291-1293.
- Shirling, E.B. and Gottlieb, D. 1966. Methods for Characterization of *Streptomyces* species. *Int. J. Syst. Bacteriol.* 16: 313-340.
- Stritzke K, Schulz, Laatsch H, Helmke E, Beil W. 2004. Novel Caprolactones from a marine streptomycete. *J Nat Prod.* 67:395-401.
- Suchada J., Tanasupawat S., Kitakoop P., Bavovada R., Kobayashi H and Kudo T. 2006. Identification of *Streptomyces* and *Kitasatospora* strains from Thai soils with geldanamycin production strain. *Actinomycetologica.* 20:10-14.
- Tamaoka, J. 1994. Determination of DNA Base Composition In *Chemical Methods in Prokaryotic Systematics*. Edited by M. Goodfellow and A.G. O'Donnell. John Wiley and Sons Ltd. pp. 463-470.
- Thawai, C., Kittakoop, P., Tanasupawat, S., Suwanborirux, K., Sriklung, K., Thebtaranonth. 2004. Micromonosporin A, a Novel 24-Membered Polyene Lactam Macrolide from *Micromonospora* sp. isolated from Peat Swamp Forest. *Chemistry and Biodiversity.* vol. 1, 640-645.
- Thawai, C., Tanasupawat, S., Itoh, T., Suwanborirux, K., and Kudo, T. 2004. *Micromonospora aurantinigra* sp. nov., isolated from a Peat Swamp Forest in Thailand. *Actinomycetologica.* vol. 18 no.1, 8-14.
- Thawai, C., Tanasupawat, S., Itoh, T., Suwanborirux, K., Suzuki, K., and Kudo, T. 2005. *Micromonospora eburnea* sp. nov., isolated from Thai peat swamp forest. *Int. J. Syst. Evol. Microbiol.* 55: 417-422
- Thawai, C., Tanasupawat, S., Itoh, T., Suwanborirux, K., and Kudo, T. 2005. *Micromonospora siamensis* sp. nov., isolated from Thai peat swamp forest. *J. Gen. Appl. Microbiol.* 51: 229-234.
- Thawai, C., Tanasupawat, S., Itoh, T. and Kudo, T. 2006. *Actinocatenispora* gen. nov., a new member of the family *Micromonosporaceae*, with description of *Actinocatenispora thailandica* sp. nov. *Int. J. Syst. Evol. Microbiol.* 56: 1789-1794.
- Tortora, G.J., Funke, B.R. and Case, C.L. 1995. *Microbiology, An Introduction.* 5thed. Bridge Parkway: The Benjamin/Cummings Publishing Company, Inc.

Williams, S.T. and Cross, T. 1971. Actinomycetes : Slide and coverslip methods *In Method in Microbiology*, 4th edited by C. Booth, Academic Press Inc., London, p. 320.



เอกสารนี้เป็นเอกสารที่สงวนไว้สำหรับการใช้งานเพื่อการศึกษาเท่านั้น ไม่อนุญาตให้นำไปใช้ประโยชน์ด้านการค้า
ไม่ว่ากรณีใดๆทั้งสิ้น อีกทั้งห้ามมิให้ดัดแปลงเนื้อหา และต้องอ้างอิงถึงเจ้าของเอกสารทุกครั้งที่มีการนำไปใช้